

### Universidad de Sonora

División de Ciencias Exactas y Naturales Licenciatura en Física Física computacional 2016-1

# Actividad 11: Apocalipsis Zombie

Carolina Valenzuela Córdova 1 de Mayo de 2016

### 1. Descripción de la actividad

Para esta actividad, se nos proporcionó un artículo y un código ejemplo a modificar, de tal manera que nos fuese posible graficar el comportamiento poblacional durante una apocalipsis zombie. A su vez, se incluyen las ecuaciones diferenciales que describen dicho comportamiento



El artículo nos propone cuatro modelos, los cuales consisten en lo siguiente:

#### 1.1. Modelo Básico

En este modelo, los humanos pueden ser convertidos en zombies al perder contra uno. Las ecuaciones propuestas son las siguientes:

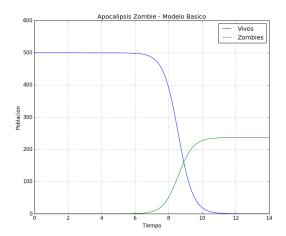
$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$
$$Z' = \beta SZ - \zeta R - \alpha SZ$$
$$R' = \delta S + \alpha SZ - \zeta R$$

El código utilizado fue el siguiente:

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8

Pi = 0  #Nacimientos
Del = 0.0001 # Muertes Naturales
```

```
Bet = 0.0095 # Transmisión
Zet = 0.0001 # Removidos
Alf = 0.005
              # Destruidos
#Sistemilla de ecuacioncillas diferenciales
def f(y, t):
Si = y[0]
Zi = y[1]
Ri = y[2]
f0 = Pi - Bet*Si*Zi - Del*Si
                                           #Si
f1 = Bet*Si*Zi + Zet*Ri - Alf*Si*Zi
                                           #Zi
f2 = Del*Si + Alf*Si*Zi - Zet*Ri
                                           #Ri
return [f0, f1, f2]
S0 = 500.
Z0 = 0
R0 = 0
y0 = [S0, Z0, R0]
t = np.linspace(0, 14., 1000)
# Sol
soln = odeint(f, y0, t)
S = soln[:, 0]
Z = soln[:, 1]
R = soln[:, 2]
#Estúpida gráfica hermosa
plt.figure()
plt.ylim(0,600)
plt.grid(True)
plt.plot(t, S, label='Vivos')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Tiempo')
plt.ylabel('Poblacion')
plt.title('Apocalipsis Zombie - Modelo Basico')
plt.legend(loc="best")
y esta fue la gráfica que se obtuvo:
```



#### 1.2. Modelo con infección latente

Aquí se plantea el tiempo que pasa después de que un individuo es mordido por un zombie y se observa de manera más realista la posibilidad de que este se convierta en un individuo de la clase Z después de este tiempo. Las ecuaciones propuestas son las siguientes:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$
 
$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I$$
 
$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ$$
 
$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R$$

Y el código utilizado fue:

Zet = 0.0001

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8

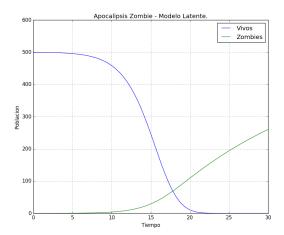
Pi = 0  # Nacimientos
Del = 0.0001  # Muertes Naturales
Bet = 0.0095  # Transmisión
```

# Removidos

```
Alf = 0.0001
               # Destruidos
Rho = 0.05
               # Infectados
#Sistemilla de ecuacioncillas diferenciales
def f(y, t):
Si = y[0]
Zi = y[1]
Ri = y[2]
Ii = y[3]
f0 = Pi - Bet*Si*Zi - Del*Si
                                             #Si
f1 = Rho*Ii + Zet*Ri - Alf*Si*Zi
                                             #Zi
f2 = Del*Si + Del*Ii + Alf*Si*Zi - Zet*Ri
                                             #Ri
f3 = Bet*Si*Zi -Rho*Ii - Del*Ii
                                             #Ii
return [f0, f1, f2, f3]
S0 = 500.
ZO = 0.
RO = 0.
IO = 1.
y0 = [S0, Z0, R0, I0]
t = np.linspace(0., 30., 1000)
# Sol
soln = odeint(f, y0, t)
S = soln[:, 0]
Z = soln[:, 1]
R = soln[:, 2]
I = soln[:, 3]
# Estúpida gráfica hermosa
plt.figure()
plt.ylim(0,600)
plt.grid(True)
plt.plot(t, S, label='Vivos')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Tiempo')
plt.ylabel('Poblacion')
```

plt.title('Apocalipsis Zombie - Modelo Latente.')
plt.legend(loc="best")

La gráfica obtenida:



#### 1.3. Modelo con cuarentena

Aquí se simula una cuarentena parcial, durante los zombies son encerrados en un área y no pueden infectar a otros individuos.

En este modelo se considera que en el área de cuarentena solo hay zombies y personas infectadas, además los individuos que intenten escapar serán asesinados o removidos antes de que puedan salir.

Las ecuaciones propuestas son:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I - \kappa I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ - \sigma Z$$

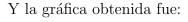
$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R + \gamma Q$$

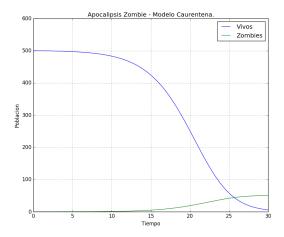
$$Q' = \kappa I + \sigma Z - \gamma Q$$

El código que se utilizó fue el siguiente:

```
# zombie apocalypse modeling
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8
               # Nacimientos
Pi = 0
Del = 0.0001
               # Muertes Naturales
Bet = 0.0095
               # Transmisión
Zet = 0.0001
               # Removidos
Alf = 0.0001
               # Destruidos
Rho = 0.05
               # Infectados
Kap = 0.15
               # Infectados en cuarentena
Sig = 0.10
               # Infectados
Gam = 0.001
               # Infectados
#Sistemilla de ecuacioncillas diferenciales
def f(y, t):
Si = y[0]
Zi = y[1]
Ri = y[2]
Ii = y[3]
Qi = y[4]
f0 = Pi - Bet*Si*Zi - Del*Si
                                                     #Si
f1 = Rho*Ii + Zet*Ri - Alf*Si*Zi - Sig*Zi
                                                     #Zi
f2 = Del*Si + Del*Ii + Alf*Si*Zi - Zet*Ri + Gam*Qi
                                                     #Ri
f3 = Bet*Si*Zi -Rho*Ii - Del*Ii - Kap*Ii
                                                     #Ii
f4 = Kap*Ii + Sig*Zi - Gam*Qi
                                                     #Qi
return [f0, f1, f2, f3, f4]
S0 = 500.
ZO = 0.
RO = 0.
IO = 1.
QO = O.
y0 = [S0, Z0, R0, I0, Q0]
```

```
t = np.linspace(0., 30., 1000)
# Sol
soln = odeint(f, y0, t)
S = soln[:, 0]
Z = soln[:, 1]
R = soln[:, 2]
I = soln[:, 3]
Q = soln[:, 4]
# Estúpida gráfica hermosa
plt.figure()
plt.ylim(0,600)
plt.grid(True)
plt.plot(t, S, label='Vivos')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Tiempo')
plt.ylabel('Poblacion')
plt.title('Apocalipsis Zombie - Modelo Caurentena.')
plt.legend(loc="best")
```





#### 1.4. Modelo con tratamiento

Para este modelo se considera que se encontró una cura para combatir a los zombies, y que estos individuos pueden volver a ser humanos.

Teniendo en cuenta esto ya no es necesaria la cuarentena, aunque si bien la cura ayuda a volver a la forma humana, no existe la inmunidad a contraer la infección de nuevo. Las ecuaciones propuestas fueron las siguientes:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S + cZS$$
 
$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I$$
 
$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ - cZ$$
 
$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R$$

El código utilizado:

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8
Pi = 0
               # Nacimientos
Del = 0.0001
               # Muertes Naturales
Bet = 0.0095
               # Transmisión
Zet = 0.0001
               # Removidos
Alf = 0.0001
               # Destruidos
Rho = 0.05
               # Infectados
Ce = 0.05
               # Tratamiento
#Sistemilla de ecuacioncillas diferenciales
def f(y, t):
Si = y[0]
Zi = y[1]
Ri = y[2]
Ii = y[3]
f0 = Pi - Bet*Si*Zi - Del*Si +Ce*Zi
                                                 #Si
f1 = Rho*Ii + Zet*Ri - Alf*Si*Zi -Ce*Zi
                                                 #Zi
```

```
f2 = Del*Si + Del*Ii + Alf*Si*Zi - Zet*Ri
                                                 #Ri
f3 = Bet*Si*Zi -Rho*Ii - Del*Ii
                                                 #Ii
return [f0, f1, f2, f3]
S0 = 500.
ZO = 0.
RO = 0.
IO = 1.
y0 = [S0, Z0, R0, I0]
t = np.linspace(0., 30., 1000)
# Sol
soln = odeint(f, y0, t)
S = soln[:, 0]
Z = soln[:, 1]
R = soln[:, 2]
I = soln[:, 3]
# Estúpida gráfica hermosa
plt.figure()
plt.ylim(0,500)
plt.grid(True)
plt.plot(t, S, label='Vivos')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Tiempo')
plt.ylabel('Poblacion')
plt.title('Apocalipsis Zombie - Modelo Tratamiento.')
```

plt.legend(loc="best")

## ${\bf \acute{I}ndice}$

1.	Descripción de la actividad												2				
	1.1.	Modelo Básico															2
	1.2.	Modelo con infección latente															4
	1.3.	Modelo con cuarentena															6
	1.4	Modelo con tratamiento															C