Basi di Dati 1

Marco Casu



Contents

1 Introduzione													
2	2.1												
	2.2	Rappresentazione come Funzioni											
	2.3	Integrità dei Dati											
	2.4	Le Chiavi											
		2.4.1 La Chiave Esterna											
	2.5	Le Dipendenze Funzionali											
3	Alg	ebra relazionale											
		3.0.1 Proiezione											
		3.0.2 Selezione											
		3.0.3 Unione											
		3.0.4 Differenza											
		3.0.5 Intersezione											
		3.0.6 Prodotto Cartesiano											
		3.0.7 Join											
		3.0.8 Θ -Join											
		3.0.9 Condizioni Negative											
	3.1	Quantificazione Universale											
	3.2	Esempi di Esercizi											
	J	3.2.1 Esempio 1											
		3.2.2 Esempio 2											
4	Dog	ign di un Database											
4	4.1	ign di un Database 16 Definizioni Formali											
	4.2	Gli Assiomi di Armstrong											
	4.0	4.2.1 Chiusura di un Insieme di Attributi											
	4.3	Teorema Fondamentale : $F^+ = F^A$											
		4.3.1 Dimostrazione											
	4.4	La Terza Forma Normale											
		4.4.1 Dipendenze Parziali e Transitive											
		4.4.2 Decomposizione in più Schemi											
		4.4.3 Forma Normale Boyce-Codd											
	4.5	Calcolo per la Chiusura di X											
		4.5.1 L'Algoritmo 1 (Compute X_F^+ from F)											
		4.5.2 La Ricerca delle Chiavi											
	4.6	Preservare le Dipendenze Funzionali											
		4.6.1 Controllo dell'Unione											
		$4.6.2$ L'Algoritmo 2 (Compute X_G^+ from F)											
		4.6.3 Sommario del Procedimento Completo											
		4.6.4 L'Algoritmo 3 (Check if $F \subseteq G^+$)											

1 Introduzione

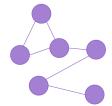
L'informazione memorizzata nei sistemi elettronici può essere di due tipi, **strutturata** e **non strutturata**. In questo corso ci occuperemo dell'informazion strutturata, ossia composta da oggetti matematici ben definiti. Un **sistema informativo** connette e contiene le informazioni, alla quale si può accedere da diversi componenti. Si prenda come esempio di sistema informativo l'archivio fisico dei documenti (ossia i dati) di una azienda, ad esso, possono accedere i vari reparti, come la sezione commercio o le risorse umane, ognuno ha a disposizione l'accesso ad un determinato sotto-insieme di dati (permessi). Prima di adoperare i sistemi informativi, ogni reparto aveva il suo personale archivio, ciò faceva si che molti dei dati fossero duplicati e presenti per più reparti, causando un elevata **ridondanza** di dati. Inoltre, due dati da 2 archivi diversi potrebbero dipendere tra loro. È quindi importante mantenere l'informazione **centralizzata**. I dati vanno organizzati, gestiti, e regolamentati da permessi di accesso a secondo dell'utente che vuole accedervi.

Un sistema informativo è composto dai seguenti componenti :

- Database (DB)
- Database Managment System (DBSM) Ossia il software per il mantenimento dei dati
- Application Software
- Computer Hardware La memoria nella quale è contenuto

È importante mantenere una visione astratta del modello di sistema informativo, che sia indipendente dall'hardware in uso. Fissiamo un modello che utilizzi tipi di dati che non possano variare nel tempo, strutturati in maniera completa, è necessario pensare ad un metodo formale per organizzare i dati. Vogliamo farlo in un ambiente condiviso, preoccupandoci quindi di quali e quanti dati vengono condivisi condivisi con i singoli utenti, che avranno permessi diversi e potranno accedere a dati diversi (ad esempio, uno studente può accedere ai suoi esami registrati, ma non a quelli degl altri). Inolte bisogna anche amministrare i metodi con cui si accede ai dati, preoccupandoci della concorrenza (accedere allo stesso dato nello stesso momento). I dati vengono organizzati in maniera omogenea, esiste un tipo di dato per descrivere un entità (ad esempio uno studente), e tutte le volte che si vuole immagazinare nel sistema uno studente, bisogna ricorrere allo stesso tipo di dato. L'informazione viene rappresentata da un aggregamento di più dati grezzi, ossia, rispettivamente la stringa "Maurizio Ernesti" e l'intero "3761523746", insieme rappresentano l'informazione di un professore (nome, cognome e numero di telefono).

Il modello è il modo in cui decidiamo di organizzare e collegare i dati, esistono modelli **logici**, indipendenti dalla struttura fisica, come il **modello relazionale**, ed esistono modelli **concettuali**, ossia rappresentazioni ancora più astratte indipendenti dal modello logico, i primi modelli sono stati introdotti negli anni 60.



un esempio è il modello *Mesh*, rappresentato con un grafo, dove i nodi sono i dati (i record), e gli archi le loro relazioni.

In questo modello i collegamenti sono esplicitati fisicamente (possiamo immaginare con dei puntatori), i modelli relazionali, diversamente, hanno relazioni rappresentate implicitamente dai valori stessi che contengono.

	E	sami				
Matricola	Cognome	Nome	Compleanno	Studente	Voto	Corso
276545	Gialli	Lucia	25/11/1980	348191	25	01
176515	Rossi	Mario	13/09/1982	176515	18	02
348191	Verdi	Andrea	04/07/1981	176515	27	02

La relazione tra gli esami e gli studenti (ogni studente ha n esami registrati) è data implicitamente dalla presenza del campo Studente nella tabella Esami, che equivale al campo Matricola della tabella Studenti, il modello relazionale è basato su oggetti, classi ed attributi. Ad esempio, se volessi sapere che voto ha preso $Mario\ Rossi$ al corso numero 02, mi basterebbe consultare la tabella Esame, e controllare il campo che ha la matricola equivalente a quella di $Mario\ Rossi$.

Lo schema logico descrive la presenza di tutte le entità con i loro rispettivi attributi, esistono poi gli schemi esterni, ossia sotto-insiemi degli schemi, destinati a determinati tipi di utenti che ne hanno l'accesso. Anche lo schema logico completo può essere schema esterno, il super-amministratore di un sistema informativo, come schema esterno, avrà l'intero schema logico, avendo accesso a tutte le entità.

Come già detto, lo schema logico rappresenta la struttura degli oggetti/entità, ed è invariata nel tempo, ma la sua istanza, ossia gli effettivi campi delle tabelle, possono variare, ed anche rapidamente. Per gestire gli schemi si utilizzano dei veri e propri linguaggi.

- Data Definition Language (DDL) Per la definizione degli schemi logici ed altre operazioni generali.
- Data Manipulation Language (DML) Per interrogare lo schema logico, leggerne i valori ed eventualmente modificarli.

È largamente utilizzato il linguaggio SQL (Structured Query Language), che funge sia da DDL che da DML.

Un base di dati deve essere :

- Manipolabile
- Modificabile
- Centralizzata
- Il minimo ridondante
- Sicura

I dati molto spesso devono soddisfare certi vincoli (ad esempio, ogni studente ha una sola residenza), tali vincoli son chiamati **dipendenze funzionali**, e possono riguardare anche il dominio di certi attributi (ad esempio, il voto verbalizzato di un esame deve essere maggiore o uguale a 18 e minore o uguale a 30). I dati devono essere protetti da accessi non autorizzati, è necessaria la dichiarazione di regole di accesso.

Definiamo adesso uno specifico tipo di operazione sulle basi di dati, ossia le **transizioni**, che non sono altr che sequenze ordinate di operazioni che vanno obbligatoriamente eseguite

insieme in sequenza, con il divieto assoluto che ne venga eseguita solo una parte. Facciamo un esempio, si dia il caso che su una base di dati bancaria, si vogliano trasferire 1000 euro dal conto C1 al conto C2, le seguenti operazioni definite informalmente sono :

- Cercare il conto *C1*
- Sottrarne al bilancio 1000
- Cercare il conto C2
- Aggiungerne al bilancio 1000

Se per errore si eseguono solo i primi 2 passi, ci si ritroveranno 1000 euro persi, sottratti al primo conto, ma non addizionati al secondo. Una transizione va quindi completamente eseguita, se non dovesse essere così, l'intera sequenza di operazioni va abortita. Inoltre, è importante notare che data la concorrenzialità, in una base di dati potrebbe accadere di accedere allo stesso dato nello stesso momento, ciò potrebbe causare errori, è quindi importante evitare di lavorare contemporaneamente su uno stesso specifico campo.

2 Il Modello Relazionale

Il modello relazionale è basato sulla relazione intesa in senso matematico, una relazione non è altro che un insieme di tuple, tutte della stessa lunghezza, con elementi appartenenti a diversi domini. Il dominio è l'insieme dei possibili valori che gli elementi delle tuple possono assumere. Se prendiamo una lista di k domini, il prodotto cartesiano di tutti i k domini è l'insieme di tuple di lunghezza k.

$$D_1 \times D_2 \times D_3 \dots \times D_k = \{(v_1, v_2, v_3 \dots, v_k) | v_1 \in D_1, v_2 \in D_2, v_3 \in D_3 \dots, v_k \in D_k\}$$
 (1)

Per esempio, per k = 2 consideriamo i seguenti domini $D_1 = \{White, Black\}$ e $D_2 = \{0, 1, 2\}$, si ha che :

$$D_1 \times D_2 = \{(White, 0), (White, 1), (White, 2), (Black, 0), (Black, 1), (Black, 2)\}$$
 (2)

È una relazione di grado 2, perchè ogni tupla ha 2 coordinate.

Teorema 1 Il grado di una relazione è equivalente al numero di elementi di ogni tupla appartenente a tale relazione.

In tale prodotto cartesiano è possibile costruire 2^6 possibili relazioni, ossia sotto-insiemi del prodotto cartesiano.

Teorema 2 Una relazione è un qualsiasi sottoinsieme del prodotto cartesiano.

2.1 Notazione con Indice

Sia r una relazione di grado k, data t una tupla appartenente alla relazione r, ed i un intero da 1 a k, con t[i] si intende l'elemento alla cooridnata i-esima della tupla t.

Tabe	lla
Black	0
White	0

Se prendiamo t come la prima riga della tabella, si avrà che t[1] = "Black" e t[2] = 0. Ricordando la notazione tabellare, in basi di dati le intestazioni delle colonne ed il loro dominio è denominato **attributo** (ad Esempio Name : string). In una tabella, due attributi distinti non possono avere lo stesso nome.

2.2 Rappresentazione come Funzioni

Sia R un oggetto definito come insieme di attributi, una tupla su R, ossia un istanza di tale oggetto, può essere visto come una funzione definita su R che associa ad ogni attributo A, un valore presente nel dominio di A. Considerando ciò, presa t una tupla di R, ed A uno dei suoi attributi, indichiamo con t(A), il valore (ossia l'istanza) di quell'attributo preso dalla funzione t sulla variabile A.

Ad esempio, la relazione R ha la tupla $t_1 = (Paolo, Rossi, 2, 26.5)$, considerando t_1 come una funzione, essa associa ad ogni attributo A, un elemento del suo dominio :

$$f: (Nome, Cognome, Esami, Media) \rightarrow string \cup string \cup int \cup real$$
 (3)

Da qui si ha $t_1(Nome) = Paolo$ $t_1(Cognome) = Rossi$ $t_1(Media) = 26.5$ Lo schema logico, è il dominio di tale funzione, l'istanza sono le tuple, le istanze sono insiemi di tuple, ossia una relazione.

Teorema 3 L'istanza è un sotto-insieme di tuple

Ogni riga della tabella è una tupla distinta, ed ogni colonna corrisponde al dominio. Possiamo quindi rappresentare un oggetto della base di dati con la seguente notazione :

$$R(A_1, A_2, A_3..., A_k)$$
 (4)

Qui R è una relazione dello schema, quindi uno schema di basi di dati non è altro che un insieme di relazioni $(R_1, R_2, R_3..., R_k)$ (invarianti nel tempo) per le quali, ognuna di esse possiede un istanza (variante nel tempo). Da qui in poi, utilizzeremo R per denominare le relazioni, ed r per le loro istanze.

Riprendendo la notazione con indice vista in precedenza 2.1, si pò utilizzare puttosto che un indice intero, l'intestazione dell'attributo per il quale si voglia leggere l'istanza.

Luoghi						
Città	Regione	Popolozione				
Roma	Lazio	3000000				
Milano	Lombardia	1500000				
Genova	Liguria	150000				

Data t_1 la prima riga dell'istanza, si ha t_1 [Città]="Roma". È possibile anche farlo con sottoinsiemi di attributi, ossia t_1 [Regione,Popolazione]=("Lazio",3000000). Non è importante l'ordine degli attributi come argomenti, come "risultato" riceviamo una sotto-tupla della tupla t_1 , detta restrizione. Abbiamo visto come le istanze delle tabelle non sono altro che insiemi di tuple, esistono tante possibili istanze quanto la cardinalità del prodotto delle cardinalità dei domini.

Può succedere in certi casi, che nell'istanza di una relazione, sia presente una riga in cui un attributo è **sconosciuto**, per rappresentare tale campo nelle basi di dati, si utilizzi il valore polimorfico¹ NULL, utilizzato per riempire gli spazi vuoti, ad esempio in una tabella contente

¹Appartente a tutti i domini

i dati degli utenti iscritti ad un sito, è possibile che alcuni utenti abbiano omesso il numero di telefono, per loro il campo avrà valore NULL, ossia sconosciuto. Si ricordi che NULL è diverso da 0.

Luoghi						
Matricola	Nome	Cellulare				
1039	Luca	3475746371				
4316	Giorgio	NULL				
1499	Sandro	3857482845				

2.3 Integrità dei Dati

La presenza di un valore NULL può causare alcuni errori, vedremo come sono presenti alcuni attributi, le quali istanze devono per forza essere dichiarate e non sconosciute. Esistono però diversi tipi di errori, come dei campi identificativi duplicati o valori fuori dominio.

Studenti							
Matricola	Nome	Media					
1039	Luca	28					
4316	Giorgio	33					
1039	Sandro	22					

- Errore 1 Nella prima e nella terza riga sono presenti due studenti con la stessa matricola. Il campo matricola identifica ogni singolo e distinto studente, e non può essere duplicato.
- Errore 2 Uno studente ha come media dei voti 33, è impossibile dato che i voti sono compresi tra 18 e 30, è quindi un valore fuori dominio.

Tali errori vengono definiti problemi di **integrità dei dati**, per mantenere tale integrità è necessario che le istanze delle relazioni soddisfino delle determinate proprietà dette **vincoli**. Vedremo che esistono:

- Vincoli di chiave
- Vincoli di dominio
- Vincoli funzionali
- Vincoli di esistenza

Impiegati							
Codice Impiegato	Nome	Cognome	Ruolo	Assunzione	Dipartimento		
01	Luca	Rossi	Analista	1785	01		
02	Mario	Verdi	Amministratore	1980	02		
02	Giorgio	Neri	Ricercatore	1985	05		

Dipartimenti					
Numero	Nome				
01	Managment				
02	Amministrazione				

Vediamo come nello schema logico appena mostrato ci sono diversi vincoli da definire che non sono rispettati. Ad esempio, va definito il vincolo di dominio per cui il valore "Assunzione" ≥ 1980 , ossia tale valore deve essere strettamente maggiore di una certa data (possibile data di nascita dell'azienda). Si noti che non si sta rispettando un vincolo di chiave, dato che il "Codice Impiegato" presente nella seconda e nella terza riga lo stesso valore, essendo esso l'attributo identificativo, non deve essere duplicato ("Codice Impiegato" UNIQUE). Un altro errore meno evidente, è che alla terza riga della tabella "Impiegati", è presente un campo dipartimento con codice 05, tale campo dovrebbe collegare quella riga con il suo rispettivo dipartimento presente su un altra tabella, ma notiamo che nella tabella "Dipartimenti", non è presente alcuna riga con "Numero" identificativo 05. Un altro vincolo noto è il vincolo di esistenza, che impone ad un certo attributo di non accettare valore NULL.

Un altra importante distinzione da fare tra vincoli è di suddividerli in :

- Intra-relazionali Vincoli definiti e da soddisfare all'interno della singola tabella (Ad esempio, un vincolo di dominio per il quale un valore deve essere sufficentemente grande).
- Inter-relazionali Vincoli soddisfatti dai collegamenti di più tabelle (Un chiaro esempio è il sopra-citato errore sulla tabella del dipartimento).

2.4 Le Chiavi

In un istanza r di una relazione R, per ogni tupla è necessario che vi sia un attributo (o un insieme di attributi) X che la identifichi e distingua dalle altre tuple (che quindi non sia mai duplicato). Tale attributo/insieme di attributi è detto **chiave**, un chiaro esempio può essere il campo "Matricola" all'interno di un'ipotetica tabella studenti. Vediamo una definizione più formale.

Teorema 4

Punto 1 - Per ogni istanza della relazione R, non esistono due tuple t_1, t_2 che hanno gli stessi valori per tutti i singoli attributi, preso un insieme di attributi X, vale sempre $t_1[X] \neq t_2[X]$.

$$sia\ X \in R(A_1, A_2..., A_k) | \forall t_1, t_2 \in r \ se\ t_1[X] = t_2[X] \implies t_1 = t_2$$
 (5)

Punto 2 - Inoltre, non esistono sotto-insiemi di X che soddisfino la condizione sopra-citata.

$$\forall X' \subseteq X, \exists t_1, t_2 \in r \text{ tale che } t_1[X'] = t_2[X'] \land t_1 \neq t_2$$
(6)

Approfondendo il punto 2, se esiste una relazione R con chiave $X = (A_1, A_2, A_3)$, è chiaro che, nella sua istanza r, non esisteranno due righe con gli stessi valori assegnati X, quindi, preso il sotto-insieme $X' = (A_1, A_2)$, se esistono due tuple t_1, t_2 tali che $t_1[X'] = t_2[X']$, per forza di cose esse non saranno la stessa tupla in quanto, per il punto 1, differiranno per l'attributo A_3 . È importante per una relazione che abbia una chiave significativa basata sull'informazione che rappresenta (Una relazione che rappresenta degli studenti, non può avere come chiave il campo del nome, dato che potrebbero esserci 2 studenti con lo stesso nome, bensì si prediliga la matricola), si sceglie quindi una **chiave primaria**, ovviamente con vincolo di esistenza.

2.4.1 La Chiave Esterna

Può esistere inoltre un attributto nelle relazioni detto **chiave esterna** o **foreign key**, essa identifica all'interno di una relazione, un attributo associato ad un altra relazione (un altra tabella), identificandone la chiave primaria.

	E	sami				
Matricola	Cognome	Nome	Compleanno	Studente	Voto	Corso
276545	Gialli	Lucia	25/11/1980	348191	25	01
176515	Rossi	Mario	13/09/1982	176515	18	02
348191	Verdi	Andrea	04/07/1981	176515	27	02

Nella tabella "Esami", l'attributo "Studente" è una chiave esterna che identifica e collega tale tabella con la relazione "Studenti", tramite la sua chiave primaria "Matricola", Dato che ad ogni esame è associato uno studente che l'ha sostenuto. Il vincolo di integrità inter-relazionale precedentemente citato impone che per ogni valore presente su un attributo di una chiave esterna, esista il suo corrispettivo campo con tale valore nella relazione alla quale fa riferimento. Si ricordi che tale vincolo non è violato dalla presenza di un valore NULL.

	Μι	ılte	Ufficiali			
Codice	Data	Ufficiale	Targa	Codice	Nome	Cognome
4312	01/12/1988	001	AA123AA	001	Giancarlo	Pozzi
1351	12/04/1989	NULL	KA194AR	002	Sara	Tua
9572	10/10/1990	002	ND193MF	003	Nicola	Canti

Può quindi esistere un istanza dove la chiave esterna ha valore NULL, conseguentemente non avrà nessun riferimento nella relazione alla quale è collegata.

2.5 Le Dipendenze Funzionali

Come si possono definire facilmente i vincoli di integrità dei dati2.3 visti nei paragrafi precedenti? Nelle basi di dati si utilizzano le note **dipendenze funzionali**, ossia un insieme di attributi che dipende da un altro insieme di attributi all'interno dello stesso schema. Tale definizione può sembrare poco esplicativa, ma è di vitale importanza in questo paragrafo che lo studente abbia ben saldo in mente il concetto di dipendenza funzionale, in quanto centrale nel corso di *Basi di Dati*. Formalmente, una dipendenza funzionale stabilisce un collegamento semantico tra due distinti insiemi di attributi X e Y appartenenti allo stesso schema. Si scrive:

$$X \to Y$$
 (7)

e si legge: "X determina Y", stabilendone dei vincoli di integrità.

Teorema 5 Sia r un istanza della relazione R, la dipendenza funzionale $X \to Y$ è soddisfatta se :

- Sia X che Y sono due sotto-insieme distinti di R.
- ullet Le tuple di r che sono identiche per X, sono anche identiche per Y.

$$\forall t_1, t_2 \in R \text{ se } t_1[X] = t_2[X] \implies t_1[Y] = t_2[Y] \tag{8}$$

3 Algebra relazionale

Tramite **l'algebra relazionale** possiamo fare interrogazioni alla nostra base di dati per ottenere informazioni su una porzione di essa, le *query* sono scritte in linguaggio SQL, e vengono tradotte nel linguaggio formale e procedurale dell'algera relazionale. L'algebra relazionale fornisce degli operatori che lavorano sulle istanze delle nostre relazioni, vi sono 4 tipi di operatori:

- Operatori di rimozione sulle singole relazioni
- Operatori insiemistici
- Operatori che combinano tuple da relazioni diverse
- Operatore di rinomina

Vediamo nel dettaglio tutti gli operatori che abbiamo a disposizione:

3.0.1 Proiezione

L'operatore di proiezione, indicato con π , esegue un taglio verticale su una tabella, selezionando un sotto-insieme degli attributi, creando una tabella come quella iniziale, ma con esclusivamente le istanze degli attributi selezionati.

$$\pi_{A_1,A_2,..A_k}(R)$$

Esempio:

		$\mathbf{Custome}$	r		
	Code	Name	Town	Ī	Roma
Sia:	001	Giancarlo	Roma	ho che $\pi_{Name}(Customer) =$	Roma Cagliari
	002	Sara	Cagliari		Cagnan
	003	Nicola	Roma		

3.0.2 Selezione

La selezione, indicata con σ , esegue un taglio orizzontale sulla tabella, ossia, seleziona tutte le righe che soddisfano un determinato vincolo C, tale vincolo è un sepressione booleana della forma $A\Theta B$, dove $\Theta \in \{<,>,=,\leq,ge\}$. La condizione ovviamente per esser valida, ha bisogno che A e B abbiano lo stesso dominio (non posso comparare un intero con una stringa).

$$\sigma_C(R)$$

Esempio:

	Code	Name	Town	
Sia:	001	Giancarlo	Roma	ho che
	002	Sara	Cagliari	
	003	Nicola	Roma	

:

$$\sigma_{Town="Roma"}(Customer) = egin{array}{c|c} Code & Name & Town \\ \hline 001 & Giancarlo & Roma \\ \hline 003 & Nicola & Roma \\ \hline \end{array}$$

Ovviamente posso utilizzare gli operatori logici per eseguire richieste multiple:

Vale la proprietà : $\sigma_C(\sigma_{C'}(R)) = \sigma_{C \wedge C'}(R)$

3.0.3 Unione

L'operazione di unione fra due relazioni, denominata con il simbolo ∪, come nel senso insiemistico, crea una nuova istanza della relazione, contenente le tuple da entrambe le relazioni. Non si possono unire due relazioni qualsiasi, è necessario che esse siano **union-compatibili**, ossia che abbiano lo stesso numero di attributi, e che gli attributi corrispondenti abbiano lo stesso dominio.

	Ins	egnanti	Ac	lmin	
	Code	Name	Code	Name	
Siano :	001	Giancarlo	001	Luca	Si ha che:
	002	Sara	004	Andrea	
	003	Nicola	005	Carlo	

$$Insegnanti \cup Admin = \begin{bmatrix} Code & Name \\ 001 & Giancarlo \\ 002 & Sara \\ 003 & Nicola \\ 004 & Andrea \\ 005 & Carlo \\ \end{bmatrix}$$

Si noti come la riga 001 Luca non appare nell'unione, dato che condivide la stessa chiave con la riga 001 Giancarlo, quindi, quando si uniscono due relazioni, bisogna fare attenzione che due righe da esse non condividano la stessa chiave, altrimenti si avrà una perdita di informazioni. Si noti che, se una delle due tabelle avesse presentato un attributo di troppo, esso sarebbe potuto essere stato rimosso con una proiezione, rendendole comunque union-compatibili.

3.0.4 Differenza

Come per l'unione, è necessario che le due relazioni sulla quale voglio applicare la differenza siano union-compatibili. Si indica con il simbolo —, ed il risultato fra due relazioni, conterrà le tuple del primo operando, che non stanno anche nel secondo operando.

	Ins	egnanti		Ad	mii	2		
Siano:	Code 001	Name Giancarlo	⊢	Code 002	Na		Si ha	che:
	002	Sara	'	J02	Sa	па		
In	segnan	ti - Admin	=	Code		Name		
				001	,	Giano	cario	

La differenza non è commutativa! Infatti, in questo caso $Admin-Insegnanti=\emptyset$

3.0.5 Intersezione

Anch'essa richiede che i due operandi siano union-compatibili. Si indica con \cap , ed il risultato conterrà esclusivamente le tuple che fanno parte sia della prima che della seconda relazione. (si noti che $A \cap B = A - (A - B)$).

	Ins	egnanti	Ac	lmin	
Ciano .	Code	Name	Code	Name	Si ha che :
Siano:	001	Giancarlo	002	Sara	of ha che.
	002	Sara	004	Andrea	

$$Insegnanti \cap Admin = \begin{array}{|c|c|c|}\hline Code & Name \\ \hline 002 & Sara \\ \hline \end{array}$$

Vediamo adesso gli operatori della terza categoria, che creano **relazioni multiple** combinando tabelle eterogenee.

3.0.6 Prodotto Cartesiano

Il prodotto cartesiano è indicato con il simbolo \times , e rappresenta tutte le possibili combinazioni di righe fra gli elementi del primo operando con gli elementi del secondo, tale operazione risulta parecchio dispendiosa, e potrebbe associare elementi che non hanno nessuna correlazione sensata, ad esempio :

	Cu	\mathbf{stomer}	C)rder	
Ciano .	Code	Name	CO	Customer	Si ha che :
Siano:	001	Giancarlo	AX00	001	on ha che.
	002	Sara	AX01	002	

$$Customer \times Order = \begin{bmatrix} Code & Name & CO & Customer \\ 001 & Giancarlo & AX00 & 001 \\ 001 & Giancarlo & AX01 & 002 \\ 002 & Sara & AX00 & 001 \\ 002 & Sara & AX01 & 002 \\ \end{bmatrix}$$

Logicamente però, stiamo associando a dei clienti, degli ordini che non gli appartengono (il campo *Customer* di *Order* è la foreign key che identifica il campo *Code* della tabella *Customer*). Quindi, se volessimo una tabella con ogni cliente e gli ordini ad esso associati, combineremo anche una selezione del tipo :

		1.01110	CO	Customer
$\sigma_{Customer.Code=Order.Customer}(Customer \times Order) =$	001	Giancarlo	AX00	001
	002	Sara	AX01	002

È chiaro che, per tabelle con numerosi elementi, il prodotto cartesiano da computare risulta parecchio dispendioso, dato che, se R_1 ha n elementi, ed R_2 ha m elementi, il prodotto cartesiano $R_1 \times R_2$ avrà $n \cdot m$ elementi, e quando si opera su basi di dati con milioni di righe, tale operazione deve essere evitata quando possibile, per questo esiste un'operazione simile al prodotto cartesiano, che seleziona automaticamente le righe da combinare secondo parametri ben precisi.

3.0.7 Join

L'operatore join, indicato dal simbolo \bowtie , seleziona le tuple del prodotto cartesiano che soddisfano una precisa condizione C, ossia che gli attributi con lo stesso nome, debbano avere anche lo stesso valore, è quindi importante che si denominino in maniera precisa gli attributi di relazioni che si vogliono combinare con il join.

$$R_1 \bowtie R_2 = \sigma_C(R_1 \times R_2) \tag{9}$$

$$C = R_1.A_1 = R_2.A_1 \wedge R_1.A_2 = R_2.A_2 \wedge \dots \wedge R_1.A_k = R_2.A_k$$
(10)

dove $A_1, A_2..., A_k$ sono gli attributi condivisi con lo stesso nome fra R_1 e R_2 . La tabella risultante, non presenterà due volte gli attributi da R_1 e R_2 con lo stesso nome, ma li unirà in un attributo solo.

Se dovesse capitare che le due relazioni non hanno alcun attributo in comune, il risultato sarà il prodotto cartesiano.

Customer Code Name			Order			
	Code	Name	CO	Code	Item	
Siano:	001	Giancarlo	AX00	001	Glue	Si ha che :
	002	Sara	AX01	002	Bricks	
	003	Lucia	AX02	001	Shoes	

	Customer.Code	Name	CO	Item
$Customer \bowtie Order =$	001	Giancarlo	AX00	Glue
Customer & Oraer =	001	Giancarlo	AX02	Shoes
	002	Sara	AX01	Bricks

3.0.8 Θ -Join

Il Θ -Join (Che si pronuncia "theta join"), selezione le tuple risultanti dal prodotto cartesiano, che soddisfino la condizione $A\Theta B$ dove $\Theta \in \{<,>,=,\leq,ge\}$ ed A,B sono attributi rispettivamente della prima, e seconda relazione (il dominio di A deve essere lo stesso del dominio di B).

$$R_1 \bowtie_{A\Theta B} R_2 = \sigma_{A\Theta B}(R_1 \times R_2) \tag{11}$$

3.0.9 Condizioni Negative

È possibile utilizzare il simbolo $\neg C$ per intendere che si vogliono selezionare tutte le tuple che non soddisfino la condizione C.

		Custome	r	
	Code	Name	Town	
Sia:	001	Giancarlo	Roma	ho che :
Dia.	002	Sara	Cagliari	no che .
	003	Nicola	Roma	
	004	Gianluca	Venezia	

3.1 Quantificazione Universale

Per ora tutti gli operatori che abbiamo visto, implicano una quantificazione esistenziale, quando seleziono da una relazione le righe che soddisfano una condizione C, seleziona le righe anche se vi è un altro elemento che non soddisfa tale condizione.

Se seleziono tutti i clienti che hanno ordini con prezzo superiore a 100 euro, selezionerà tutti i clieni che hanno **almeno** un ordine superiore a 100 euro, non solo quelli che hanno **esclusivamente** ordini superiori a 100 euro.

Vogliamo scrivere query che implichino la quantificazione universale e non esistenziale, ossia, che tale condizione valga "per ogni", e ciò è equivalente a "non c'e ne sono tali che":

• I clienti che hanno solo ordini superiori a 100 euro = I clienti che non hanno ordini inferiori o uguali a 100 euro

	Cu	Customer Code Name 001 Giancarlo			Order	
	Code	Name		CO	Code	Price
Siano:	001	Giancarlo		AX00	001	90
	002	Sara		AX01	002	120
	003	Lucia		AX02	001	200

Vogliamo elencare nome e codice dei clienti che hanno fatto ordini esclusivamente con prezzo superiore a 100 euro, quindi, Giancarlo non sarà incluso, dato che ha fatto si un ordine da 200 euro, ma anche uno da 90 euro. La nostra query Q sarà :

$$Q = Customer - \pi_{Code,Name}(\sigma_{Price \le 100}(Customer \bowtie Order))$$
 (12)

Quindi, prendere tutti coloro che hanno fatto solo ordini superiori a 100 euro, equivale a prendere il totale, e sottrarne coloro che hanno fatto almeno un ordine inferiore o uguale a 100 euro.

$$Q = \begin{array}{|c|c|c|} \hline \text{Code} & \text{Name} \\ \hline \hline 002 & \text{Sara} \\ \hline \end{array}$$

3.2 Esempi di Esercizi

3.2.1 Esempio 1

Ci sono situazioni in cui dobbiamo combinare una relazione con se stessa per ottenere paia di tuple della stessa tabella, vediamo un esempio, si osservino le seguenti relazioni :

Impiegati									
Name	Cod	Salario	CodSup						
Rossi	C1	100	C3						
Pirlo	C2	200	C3						
Bianchi	СЗ	500	NULL						
Verdi	C4	200	C2						
Neri	C5	150	C1						
Tosi	С6	100	C1						

Dove CodSup identifica il Cod della riga che ogni impiegato ha come supervisore. Ad esempio, Rossi ha come supervisore Bianchi, e Neri ha come supervisore Rossi. Vogliamo trovare tutti gli impiegati che hanno lo stipendio superiore o uguale al loro supervisore. Per procedere possiamo combinare tramite il prodotto cartesiano la tabella con se stessa, prima però rinominando ogni attributo aggiungendoci una C davanti, per identificare una tabella che è copia dell'altra:

$$ImpiegatiC = \rho_{Name,Cod,Salario,CodSup \to CName,CCod,CSalario,CCodSup}(Impiegati)$$
 (13)

Adesso procediamo col combinare tali tabelle, però selezionando esclusivamente le tuple che hanno il CodSup ed il CCod identici, in modo che avremo una lista dei dipendenti con a destra il loro superiore.

$$\sigma_{CodSup=CCod}(Impiegati \times ImpiegatiC)$$
 (14)

Name	Cod	Salario	CodSup	CName	CCod	CSalario	CCodSup
Rossi	C1	100	C3	Bianchi	С3	500	NULL
Pirlo	C2	200	C3	Bianchi	C3	500	NULL
Verdi	C4	200	C2	Pirlo	C2	200	C3
Neri	C5	150	C1	Rossi	C1	100	C3
Tosi	C6	100	C1	Rossi	C1	100	C3

Fatto ciò adesso, ci basta selezionare quelli che hanno il salario superiore o uguale a quello del proprio supervisore, ossia $Salario \geq CSalario$:

$$\sigma_{(CodSup=CCod) \land (Salario \ge CSalario)}(Impiegati \times ImpiegatiC)$$
 (15)

Name	Cod	Salario	CodSup	CName	CCod	CSalario	CCodSup
Verdi	C4	200	C2	Pirlo	C2	200	C3
Neri	C5	150	C1	Rossi	C1	100	C3
Tosi	C6	100	C1	Rossi	C1	100	C3

3.2.2 Esempio 2

Vediamo adesso un esempio di un altro tipo, si consideri sempre la stessa relazione di prima:

Imp							
Name	CodSup						
Rossi	C1	100	C3				
Pirlo	C2	200	C3				
Bianchi	СЗ	500	NULL				
Verdi	C4	200	C2				
Neri	C5	150	C1				
Tosi	C6	100	C1				

Adesso vogliamo trovare l'impiegato che il salario più alto, ma come possiamo fare? Procederemo con il comparare ogni impiegato con tutti gli altri, seleziondo esclusivamente quelli che hanno lo stipendio inferiore all'impiegato con la quale sono stati comparati (selezioniamo esclusivamente il codice impiegato):

$$Imp2 = Imp \tag{16}$$

$$\pi_{Imp.cod}(Imp \bowtie_{Imp.Salario < Imp2.Salario} Imp2)$$
 (17)

Ottengo la tabella:

Impiegati.Cod
C1
C2
C4
C5
C6

Che rappresenta tutti gli impiegati che hanno qualcuno con lo stipendio superiore al loro. Quindi, chi non è presente in questa tabella, sarà l'impiegato con lo stipendio più alto. Prendiamo allora tutti gli impiegati e sottraiamo ad essi la nostra tabella.

$$\pi_{Cod}(Imp) - \pi_{Imp.cod}(Imp \bowtie_{Imp.Salario < Imp2.Salario} Imp2) = \begin{bmatrix} \hline C1 \\ \hline C2 \\ \hline C3 \\ \hline C4 \\ \hline C5 \\ \hline C6 \end{bmatrix} - \begin{bmatrix} \hline C1 \\ \hline C2 \\ \hline C4 \\ \hline C5 \\ \hline C6 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \hline C3 \\ \hline C4 \\ \hline C5 \\ \hline C6 \end{bmatrix}$$

Quindi l'impiegato di codice C3, ossia Bianchi C3 500 NULL è colui con lo stipendio più alto.

4 Design di un Database

L'obbiettivo è capire come creare uno schema in maniera corretta, immaginiamo di dover creare una base di dati per memorizzare le informazioni relative agli studenti di un corso di laurea triennale, ed i relativi esami sostenuti.

Matricola	SurN	Name	BirthD	City	Prov	ExCode	ExName	Doc	Date	Grade
01	Rossi	Mario		Roma	Roma	10	Physics	Pippo		28
02	Bianchi	Paolo		Tolfa	Roma	10	Physics	Pippo		26
01	Rossi	Mario		Roma	Roma	20	Chemistry	Pluto		27

È estremamente sbagliato salvare tutti i dati in una sola relazione, per ogni esame, devo salvare ogni volta tutti i dati di uno studente, creando ridondanza e spreco di memoria, inoltre se uno studente non ha sostenuto alcun esame, non apparirà nell'archivio, ed un esame che non è stato sostenuto da nessuno risulterà inesistente. È corretto suddividere tale relazione in 3 diverse tabelle :

Studenti								
Matricola SurN Name BirthD City Pro								
01	Rossi	Mario		Roma	Roma			
02	Bianchi	Paolo		Tolfa	Roma			
01	Rossi	Mario		Roma	Roma			

Corso						
ExCode	ExName	Doc				
10	Physics	Pippo				
20	Chemistry	Pluto				

Esami							
Matricola	ExCode	Data	Grade				
01	10		28				
01	20		27				
02	10		26				

4.1 Definizioni Formali

Uno schema relazionale, che si denota con R è un insieme di attributi del tipo:

$$R = \{A_1, A_2, A_3..., A_k\}$$

Solitamente un sotto insieme di attributi di R viene indicato con le lettre X oppure Y, e l'unione si può denotare $XY \equiv X \cup Y$. Data una relazione R, una **tupla** r è una funzione che associa ad ogni attributo, un valore appartenente al suo dominio :

$$R = \{nome, cognome\} \ r[nome] = marco, r[cognome] = rossi$$

Preso $X \subset R$, diciamo che due tuple r_1, r_2 coincidono su X se :

$$\forall A \in X, r_1[A] = r_2[A]$$

Corso						
Nome	Cognome	Voto				
Paolo	Rossi	29				
Mario	Rossi	29				

Le due tuple coincidono su {Cognome,Voto}

Un **istanza** su uno schema relazionale R è l'insieme di tutte le tuple su R. Una **dipendenza funzionale** su R è una coppia ordinata X, Y di sotto-insiemi di R, ossia di attributi di R, che si denota con $X \to Y$, ed indica che :

per ogni coppia di tuple
$$r_1, r_2$$
, vale che $r_1[X] = r_2[X] \implies r_1[Y] = r_2[Y]$

E si dice X determina Y, dove X è detto determinante ed Y dipendente. Le dipendenze funzionali esprimono dei vincoli. Uno schema R può avere un **insieme di dipendenze** funzionali denotato con F:

$$F = \{A \rightarrow B, D \rightarrow B..., G \rightarrow H\}$$

se un istanza soddisfa ogni dipendenza di F, ossia tutte le dipendenze funzionali, è detta istanza **legale**. Le dipendenze godono di una relazione di transitività, ossia, se $A \to B$ e $B \to C$, allora $A \to C$, non è però necessario aggiungere quest'ultima all'insieme F, dato che è implicita, e vogliamo mantenere F il più piccolo possibile. Ci sono quindi dipendenze funzionali che sono soddisfatte per ogni istanza della relazione, che però non è necessario includere in F, un altro esempio :

se
$$taxCode \rightarrow name, surname$$
 è ovvio che $taxCode \rightarrow name$ e $taxCode \rightarrow surname$

Ma queste due ultime non saranno incluse in F. Tali dipendenze sono dette **banali**, ad esempio, se $Y \subset X$, se $A \to X$ ovviamente $A \to Y$. Il numero delle dipendenze banali è esponenziale :

$$X \to Y \iff \forall A \in Y, X \to A$$

Tutte le dipendenze banali che non è necessario includere in F, si trovano in un insieme più grande detto **chiusura di** F, che si denota con F^+ , contenente tutte le dipendenze funzionali soddisfatte da un'istanza, è chiaro che $F \subseteq F^+$.

Passiamo alla definizione di **chiave**. Un sotto-insieme di attributi K è detto chiave se :

- $K \to R \in F^+$
- $\nexists K' \subset K|K' \to R \in F^+$

Detto in maniera meno formale, non esisteranno due tuple di una relazione con gli stessi valori per le chiavi. Nei linguaggi come SQL, fra gli attributi della chiave se ne definisce uno in particolare detto **chiave primaria**, che non può assumere valore NULL.

4.2 Gli Assiomi di Armstrong

Dato uno schema R, un insieme di dipendenze funzionali F, ed un istanza legale r, se tale istanza soddisfa una dipendenza si scrive r SAT $X \to Y$, abbiamo poi definito la chiusura di F come :

$$F^+ = \{X \to Y | \forall r \text{ legale } r \text{ } SAT \text{ } X \to Y\}$$

Se voglio verificare che K sia una chiave, non mi è possibile eseguire manualmente il controllo su tutto F^+ , che abbiamo visto essere di dimensioni esponenziali rispetto ad F, inoltre ci è impossibile controllare ogni istanza, dato che esse sono potenzialmente infinite. Definiamo adesso un nuovo insieme, a partire da F, che ci permette di esaminare lo schema relazionale più facilmente.

 F^A è un insieme di dipendenze funzionali su R, ottenuto dai seguenti assiomi di Armstrong :

- Se $X \to Y \in F$ allora $X \to Y \in F^A$
- Se $Y \subseteq X \in R$ allora $X \to Y \in F^A$ (Riflessività)
- Se $X \to Y \in F^A$ allora $XZ \to YZ \in F^A \ \forall Z \in R \ (\mathbf{Aumento})$
- Se $X \to Y \in F^A$ e Se $Y \to Z \in F^A$ allora Se $X \to Z \in F^A$ (Transitività)

Vediamo alcune proprietà che seguno dagli assiomi:

- $\bullet \ \, X \to Y \in F^A \wedge X \to Z \in F^A \implies X \to YZ \in F^A \text{ (Unione)}$
- $X \to Y \in F^A \land Z \subseteq Y \implies X \to Z \in F^A$ (Decomposizione)
- $X \to Y \in F^A \land WY \to Z \in F^A \implies XW \to Z \in F^A$ (Pseudotransitività)

Dimostrazioni delle proprietà : (Unione) Se ho $X \to Y \in F^A$, applicando l'aumento, utilizzando X, ottengo $X \to XY \in F^A$, Avendo poi $X \to Z \in F^A$, ed applicando l'aumento con Y, si ottiene $XY \to YZ \in F^A$. Ottengo quindi :

$$\begin{cases} X \to XY \in F^A \\ XY \to YZ \in F^A \end{cases} \implies \boxed{\text{per transitività}} \implies X \to YZ \in F^A$$
 (18)

(Decomposizione) Se $Z \subseteq Y$, allora per *riflessività*, si ha $Y \to Z \in F^A$, dal momento che $X \to Y \in F^A$, si ha :

$$\begin{cases} X \to Y \in F^A \\ Y \to Z \in F^A \end{cases} \implies \boxed{\text{per transitività}} \implies X \to Z \in F^A$$
 (19)

(Pseudotransitività) Se $X \to Y \in F^A$. applicando *l'aumento* con W si ottiene $WX \to WY \in F^A$, e ne consegue che :

$$\begin{cases}
WX \to WY \in F^A \\
WY \to Z \in F^A
\end{cases} \implies \boxed{\text{per transitività}} \implies WX \to Z \in F^A$$
(20)

Osservazione : Siano $A_1, A_2..., A_n$ un insieme di attributi, se $\forall i, X \to A_i \in F^A$, per unione, $X \to A_1 A_2...A_n \in F^A$, analogamente, data tale condizione, per decomposizione : $\forall i, X \to A_i \in F^A$, è chiaro che : decomposizione \iff unione .

4.2.1 Chiusura di un Insieme di Attributi

Sia R uno schema relazionale, ed F l'insieme delle sue dipendenze funzionali. Preso un insieme di attributi $X \subseteq R$, definiamo come la chiusura di X su F, che denotiamo con X_F^+ , l'insieme di tutti gli attributi determinati da X dopo aver applicato gli assiomi di Armstrong.

$$X_F^+ = \{A|X \to A \in F^A\}$$

Banalmente, per riflessività, $X \subseteq X_F^+$.

Vediamo un importante Lemma: Sia R uno schema relazionale, ed F l'insieme delle sue dipendenze funzionali, vale che : $X \to Y \in F^A \iff Y \subseteq X_F^+$.

Dimostrazione : Sia $Y = A_1, A_2..., A_n$ un insieme di attributi, se $Y \subseteq X_F^+$, allora, per unione, $\forall i, X \to A_i \in F^A$. D'altro canto, se $X \to Y \in F^A$, per decomposizione, $\forall i, X \to A_i \in F^A$, quindi $\forall i, A_i \in F^A$, ne consegue che $Y \subseteq X_F^+$.

4.3 Teorema Fondamentale : $F^+ = F^A$

Segue uno dei teoremi più importanti del corso:

$$F^+ = F^A$$

Partendo da F, applicando ricorsivamente gli assiomi di Armstrong, si ottiene la chiusura di F.

4.3.1 Dimostrazione

Procederemo col dimostrare tale teorema per doppia inclusione, dimostrando quindi la veridicità di $F^+ \subseteq F^A$ e $F^A \subseteq F^+$.

 $F^A \subseteq F^+$: Si procede per induzione, come parametro da incrementare, si adopererà il numero di volte in cui applico un determinato assioma di Armstrong. Ossia, dimostreremo che, se una dipendenza è in F^+ , è perchè si è applicato i volte un assioma di Armstrong su F. Si consideri quindi la seguente notazione : F_i^A è l'insieme delle dipendenze funzionali ottenute applicando i volte un assioma di Armstrong. Ne consegue ovviamente che :

$$F_0^A \subseteq F_1^A \subseteq F_2^A \subseteq ... F_n^A \subseteq F^A$$

Lo scopo è quindi dimostrare, che applicando tali assiomi un numero di volte finito, si ottiene F^+

Caso Base $(i=0): F_0^A = F \subseteq F^+$

Passo Induttivo : La tesi è, che $F_i^A \subseteq F^+ \implies F_{i+1}^A \subseteq F^+$. Distinguiamo i 3 casi di applicazione dei 3 assiomi.

- Caso 1 $X \to Y$ è stato ottenuto in F^A applicando la riflessività su $Y \subseteq X$. Se r è un istanza di R, e t_1, t_2 due tuple tali che $t_1[X] = t_2[X]$, ovviamente vale che $t_1[Y] = t_2[Y]$, quindi $X \to Y \in F^+$.
- Caso $2 \times X \to Y$ è stato ottenuto in F^A applicando l'aumento su una dipendenza funzionale $V \to W \in F^A$, che è stato ottenuto applicando gli assiomi i-1 volte. Per ipotesi induttiva, $V \to W \in F^+$, vorrebbe dire che X = VZ e Y = WZ per qualche $Z \subseteq R$. Se r è un istanza legale, e t_1, t_2 due tuple tali che $t_1[X] = t_2[X]$, ne consegue che $t_1[V] = t_2[V]$ e $t_1[Z] = t_2[Z]$, ma per ipotesi induttiva, essendo $V \to W \in F^A$, ne consegue che $t_1[W] = t_2[W]$, e da ciò ne consegue $t_1[Z] = t_2[Z]$, quindi $t_1[Y] = t_2[Y]$, ne consegue $X \to Y \in F^+$.
- Caso $3 \times X \to Y$ è stato ottenuto in F^A applicando la transitività da due diepndenze $X \to Z, Z \to Y \in F^A$, ottanute ricorsivamente applicando gli assiomi i-1 volte. Se r è un istanza legale, e t_1, t_2 due tuple tali che $t_1[X] = t_2[X]$, ne consegue che $t_1[Z] = t_2[Z]$, ma per ipotesi induttiva allora $t_1[Y] = t_2[Y]$, quindi $X \to Y \in F^+$.

 $F^+ \subseteq F^A$: Procediamo con una dimostrazione per assurdo. Supponiamo che esiste una dipendenza funzionale $X \to Y \in F^+$, tale che $X \to Y \notin F^A$. Utilizzeremo una particolare istanza r di R che ci aiuterà a giungere ad una contraddizione, tale istanza è :

X_F^+			$R - X_F^+$			
A1	A2	A3	B1	B2 B3		
1	1	1	1	1	1	
1	1	1	0	0	0	

Tale istanza ha solamente due tuple, in rosso sono indicati gli attributi che appartengono ad X_F^+ , in blu, gli attributi restanti di R che non appartengono ad X_F^+ . Tali due tuple, sono identiche sugli attributi di X_F^+ , ma differiscono sui restanti attributi. Dimostriamo adesso due fatti :

- r è un istanza legale : Assumiamo che non lo sia, vuol dire che esiste almeno una dipendenza $V \to W \in F$, quindi anche in F^A , che non è soddisfatta da r, vuol dire che vi sono due tuple che sono uguali su V e differenti su W, questo implicherebbe che $V \subseteq X_F^+$ e $W \cap (R X_F^+) = \emptyset$, dal momento che $V \subseteq X_F^+$, per lemma è vero che $X \to V \in F^A$, per assimoa di transitività, essendo che $V \to W \in F$, si ottiene che $X \to W \in F^A$, per lemma quindi $W \subseteq X_F^+$, ma ciò è una contraddizione, dato che abbiamo detto che $W \cap (R X_F^+) = \emptyset$, quindi r è legale.
- se $X \to Y \in F^+$, è impossibile che $X \to Y \notin F^A$: Supponiamo che ciò sia vero, sappiamo che r è un istanza legale, quindi se le dipendenze in F^+ sono soddisfatte da ogni istanza legale, allora r soddisfa $X \to Y$. Sappiamo che $X \subseteq X_F^+$, dato che su r ci sono 2 tuple identiche su X, vi devono essere anche su Y, quindi $Y \subseteq X_F^+$, per lemma, ne consegue che $X \to Y \in F^A$, ma abbiamo detto inizialmente che $X \to Y \notin F^A$, quindi si ha una contraddizione.

Quindi, è necessariamente vero che $X \to Y \in F^+ \implies X \to Y \notin F^A$. Quindi $F^A = F^+$.

4.4 La Terza Forma Normale

All'inizio di questo paragrafo 4, si è parlato di alcune caratteristiche che una base di dati deve avere per essere il più possibile "corretta", in modo da evitare la ridondanza o altre anomalie durante le interro gazioni. Formalizziamo l'insieme delle caratteristiche in quella che si chiama terza forma normale (3NF). Ricordiamo prima una definizione:

Una dipendenza $X \to A$ è detta non banale se $A \notin X$.

Definiamo adesso rigorosamente:

Una base di dati è in Terza Forma Normale se tutte le dipendenze non banali sono della forma $K \to X$, dove si verifica almeno una condizione fra :

- K contiene una chiave (è superchiave).
- X è attributo di una chiave/è contenuto in una chiave (è primo).

Si può verificare che una base di dati sia in 3NF controllando solo le dipendenze non banali ottenute decomponendo F.

Esempio: Si consideri la seguente base di dati:

$$R = \{A, B, C, D\} \ F = \{A \rightarrow B, B \rightarrow CD\}$$

Sappiamo che la chiave è A, infatti si nota che $A \to R \in F^+$ (più avanti definiremo come trovare in maniera algoritmica la chiave di uno schema relazionale). Controlliamo che R sia in 3NF, decomponendo F, otteniamo :

- $A \to B$ (che era già in F)
- \bullet $B \to C$
- $B \rightarrow D$

Per queste ultime due, B non è una superchiave, e sia C che D non sono elementi che appartengono ad una chiave, quindi tale schema non è in terza forma normale.

4.4.1 Dipendenze Parziali e Transitive

Sia R uno schema relazionale ed F il suo insieme delle dipendenze funzionali, si ha che :

- $X \to A \in F^+ | A \notin X$ è una **dipendenza parziale** se A non è primo ed X invece è contenuto nella chiave, si dice che A **dipende parzialmente** dalla chiave.
- $X \to A \in F^+ | A \notin X$ è una **dipendenza transitiva** se A non è primo e per ogni chiave K su R, si ha che X non è propriamente contenuto in K e $K X = \emptyset$. Si dice che A **dipende transitivamente** da K(chiave) se $K \to X \in F^+$ e $X \to A \in F^+$ dove X non è chiave ed A non è parte della chiave.

Dato uno schema R, è in terza forma normale se e solo se **non** presenta *Dipendenze Parziali* o *Transitive* (analogamente, non presenta attributi che dipendono parzialmente o transitivamente da una chiave).

4.4.2 Decomposizione in più Schemi

Vogliamo saper creare delle basi di dati che siano in terza forma normale, ossia che, ognuna delle sue relazioni sia in 3NF. Avendo uno schema che viola tale forma, è possibile decomporlo, creando più relazioni che a loro volta non violino la 3NF.

Attenzione! non tutte le decomposizioni in 3NF di uno schema che inizialmente non era in 3NF sono necessariamente corrette, esistono diverse scomposizioni in 3NF, ma alcune violano le dipendenze funzionali che vi erano in origine.

Vediamo un *Esempio*, ho un insieme di dipendenze $F = \{A \to B, B \to C\}$, dove A è la chiave. tale insieme viola la terza forma normale $(B \to C$ è una dipendenza transitiva), vediamo due ipotesi di scomposizione :

(1)
$$\begin{cases} R1 = \{A, B\} \text{ con } F = \{A \to B\} \\ R2 = \{B, C\} \text{ con } F = \{B \to C\} \end{cases}$$

(2)
$$\begin{cases} R1 = \{A, B\} \text{ con } F = \{A \to B\} \\ R2 = \{A, C\} \text{ con } F = \{A \to C\} \end{cases}$$

Presa una qualsiasi istanza legale della relazione originale, se venisse decomposta in (1) o (2), il JOIN delle due relazioni scomposte dovrebbe creare una nuova istanza che sia ancora legale come quella originale, ciò non è soddisfatto dalla scomposizione (2), vediamo un esempio:

R	11		R2		R2			R	1NR	.2
A	В		A	С	_	A	В	С		
a1	b1	M	a1	c1	_	a1	b1	c1		
a2	b2		a2	c2		a2	b1	c2		

Anche se sia R1 che R2 sono in 3NF, il risultato del loro JOIN non soddisfa la dipendenza funzionale $B \to C$.

Si noti come, anche se prendessimo in considerazione la decomposizione (1), essa soddisfa le dipendenze funzionali iniziali, ma non andrebbe comunque bene perché il JOIN genererebbe delle tuple che non vi erano in origine (perdita di informazioni).

In conclusione, la decomposizione di uno schema non in 3NF in più schemi in 3NF deve:

- Preservare le dipendenze funzionali dello schema originale.
- Poter ricostruire lo schema originale tramite un JOIN con ogni istanza legale senza aggiungere informazioni aggiuntive.

4.4.3 Forma Normale Boyce-Codd

La terza forma normale non è la forma normale più restrittiva, ce ne sono altre, inclusa la seguente :

Una relazione è in **forma normale Boyce-Codd**, se, per ogni singola dipendenza funzionale, il determinante è una superchiave (o ovviamente, chiave).

Sia K la chiave :
$$\forall A \to B \in F^+, K \subseteq A$$

Una relazione che è in forma normale Boyce-Codd è anche in terza forma normale, non è vero però il contrario, se una relazione è in terza forma normale, non è necessariamente in forma normale Boyce-Codd. Non è sempre possibile decomporre uno schema in sotto-schemi in forma normale Boyce-Codd, è però sempre possibile farlo in sotto-schemi in terza forma normale, per questo, considereremo quest'ultima durante il corso.

4.5 Calcolo per la Chiusura di X

Nel capitolo precedente 4.2.1 abbiamo dato la definizione dell'insieme X^+ , ossia la chiusura di X (Un insieme di attributi dello schema relazionale), l'insieme contenente tutti gli attributi A tali che $X \to A \in F^A$. Vedremo adesso un algoritmo in grado di calcolare, a partire da un attributi, la sua chiusura, ciò risulterà utile anche in funzione di stabilire quali sono le chiavi di una relazione.

4.5.1 L'Algoritmo 1 (Compute X_F^+ from F)

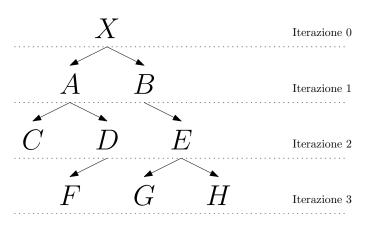
Input : Lo schema R, l'insieme delle dipendenze funzionali F, ed $X \subseteq R$.

Output : Denotato con Z_f , sarà la chiusura di X.

```
 \begin{array}{l} \text{begin} \; \{ \\ Z = X \\ S = \{A | \exists Y \to V \in F, Y \subseteq Z \land A \in V \} \\ \text{while} \; \; S \not\subseteq Z \; \{ \\ Z = X \\ S = \{A | \exists Y \to V \in F, Y \subseteq Z \land A \in V \} \\ \} \\ \text{return} \; \; Z \\ \} \\ \end{array}
```

Ad ogni passo iterativo, ad S aggiungiamo tutti gli attributi determinati da X, direttamente o per transitività, si può immaginare un albero di "determinanza" che ad ogni passo cresce verso il basso.

In questo esempio, X determina A e B, quindi all'iterazione 1, A e B verranno inclusi in Z, per transitività, gli attributi C e D determinati da A, ed E determinato da B, sono anche determinati da X, quindi all'iterazione 2 verranno inclusi in Z, stesso procedimento per l'iterazione 3.



Denoteremo con $Z_0, Z_1, Z_2, \ldots, Z_n$ la sequenza dei valori che assume Z, dove Z_i è il valore di Z all'i-esima iterazione, stessa cosa per la variabile S con la sequenza $S_0, S_1, S_2, \ldots, S_n$. L'algoritmo termina quando S sarà incluso in Z, finché l'algoritmo continuerà l'esecuzione, è chiaro che $Z \cup S \neq Z$. Per ogni iterazione, sarà vero che $Z_{i+1} = Z_i \cup S_i$, ciò impkica ovviamente che $Z_0 \subset Z_1 \subset Z_2 \cdots \subset Z_n$, quindi la sequenza dei valori di Z, è strettamente crescente ad ogni iterazione, ed è ovviamente "limitata" da R, è ovvio che $\exists f < \infty | Z_f = Z_{f+1} \implies S_f \subset Z_f \implies$ l'algoritmo, ad un certo punto termina. Abbiamo quindi denotato con Z_f il valore che assume Z al termine dell'algoritmo.

Teorema : $Z_f = X^+$

Dimostrazione: Facciamo una dimostrazione per doppia inclusione, partendo da $Z_f \subseteq X^+$: Utilizzeremo l'indice i delle iterazioni per una dimostrazione per induzione, ho il $caso\ base: Z_0 \subseteq X^+$, so che $Z_0 = \{X\}$, e la chiusura di X sicuramente contiene X, quindi $Z_0 \subseteq X^+$ è verificato, passiamo al $passo\ induttivo:$ la nostra ipotesi è che $Z_i \subseteq X^+$ e vogliamo dimostrare che $Z_{i+1} \subseteq X^+$, prendo un qualsiasi $A \in Z_{i+1}$, sapendo che $Z_{i+1} = Z_i \cup S_i$, l'attributo A o appartiene a Z_i oppure a S_i , se A dovesse appartenere a Z_i , avremmo già risolto e dimostrato il passo induttivo, se invece A dovesse appartenere ad S_i , vuol dire che $\exists Y \to V \in F$ tale che $Y \subseteq Z_i \land A \in V$. Utilizzo l'ipotesi che $Z_i \subseteq X^+$, quindi se $Y \subseteq Z_i \implies Y \subseteq X^+$, e ciò significa che $X \to Y \in F^A$, e sapendo che $Y \to V \in F^A$, per transitività ottengo che $X \to V \in F^A$, ricordando che $A \in V$, questo implica che $X \to A \in F^A$, ne concludiamo che A, che è un qualsiasi elemento di Z_{i+1} (in questo caso di S_i), è anche in X^+ , quindi la prima inclusione è verificata.

 $X^+ \subseteq Z_f$: Similmente alla dimostrazione del capitolo 4.3.1, ci serviremo di una particolare istanza r, composta da due tuple, in cui a sinistra compaiono tutti gli attributi contenuti in Z_f , e a destra quelli contenuti nel complementare.

Dimostreremo che r sia legale, prendo una qualsiasi dipendenza funzionale $Y \to V \in F$, $t_1[Y] = t_2[Y]$, so per certo che $Y \subseteq Z_f$, dato che, per come è strutturata l'istanza, non ci può essere un attributo in Z_f che determina un attributo in $R - Z_f$ (Ciò è corretto in quanto, se un attributo fosse determinato da un elemento in Z_f (che sarebbe la chiusura di X), ciò significherebbe che tale attributo è determinato da X, quindi dovrebbe esso stesso essere in Z_f), quindi anche $t_1[V] = t_2[V]$, ed r è legale.

Sia $A \in X^+$ un qualsiasi attributo della chiusura di X, allora $X \to A \in F^A$, ed r soddisfa tale dipendenza, sappiamo che $X = Z_0 \subset Z_f \implies t_1[X] = t_2[X] \implies t_1[A] = t_2[A] \implies A \in Z_f$.

$$\begin{cases} Z_f \subseteq X^+ \\ X^+ \subseteq Z_f \end{cases} \implies Z_f = X^+ \blacksquare$$

Esempio : Si consideri il seguente schema relazionale : R = (A, B, C, D, E, H) con il seguente insieme di dipendenze funzionali : $F = (AB \to CD, EH \to D, D \to H)$, si calcoli AB^+ .

- iterazione 0 $Z_0 = \{AB\}$, $S_0 = \{CD\}$, noto che $S_0 \nsubseteq Z_0$, quindi continuo.
- iterazione 1 $Z_1 = \{AB, CD\}, S_1 = \{CD, H\}$, noto che $S_1 \nsubseteq Z_1$, quindi continuo.
- iterazione 2 $Z_2 = \{AB, CD, H\}$, $S_2 = \{CD, H\}$, noto che $S_2 \subseteq Z_2$, quindi mi fermo.

 $\texttt{Output} \; : \; Z_2 = Z_f = AB^+ = \{AB,CD,H\}$

4.5.2 La Ricerca delle Chiavi

Sappiamo che, se un insieme di attributi X determina tutto lo schema relazionale R, allora tale insieme è una *chiave*. Se volessimo capire quali sono le chiavi di uno schema, potremmo quindi calcolare la chiusura di tutti i possibili sotto-insiemi di R, e compararli ad R stesso per vedere se sono equivalenti.

```
\forall X \in \mathcal{P}(R): if (Algoritmo(X) == R) { return Algoritmo(X) }
```

Sappiamo però che, tutti i sotto insiemi di R, sono in numero $2^{|R|}$, e per ognuno di questi si dovrà eseguire l'algoritmo per calcolarne la chiusura 4.5.1, è chiaro che questo tipo di problema, necessiti di un calcolo di una complessità non polinomiale, è quindi, per quanto corretto, impensabile di poter trovare la chiave di una relazione usando la "forza bruta".

Osservazione : Se un insieme di attributi non compare mai come determinato in F, allora è parte della chiave. Con tale osservazione, si è può ridurre in maniera notevole il numero di attributi candidati ad essere chiave.

Esempio: R = (A, B, C, D, E, H) $F = (AB \rightarrow CD, C \rightarrow E, AB \rightarrow E, ABC \rightarrow D)$ Si vuole trovare la chiave di tale schema relazionale. Si facciano due osservazioni, l'attributi H, non compare in nessuna dipendenza funzionale, inoltre, gli attributi A e B, non compaiono mai come determinati in F, ma solo come determinanti. Si consideri quindi la chiusura di ABH. Algoritmo (ABH) = ABH^+ = (A, B, H, C, D, E) = R, quindi, per definizione 4.1, se non esiste nessun sottoinsieme di ABH che determina R, tale ABH è chiave. Ci si rende conto dopo pochi calcoli che ABH è chiave.

Osservazione: Gli attributi che compaiono esclusivamente come determinati, non sono chiavi. È consigliabile, iniziare a controllare le chiusure dei sottoinsiemi di cardinalità più alta, se essi non determinano R, non c'è bisogno di controllarne i sotto insiemi

Remark : Durante la prova d'esame, è necessario giustificare tutti i passaggi e le considerazioni che portano il candidato ad escludere un certo insieme di attributi durante la ricerca della chiave.

Osservazione: Le chiavi di uno schema relazionale possono essere molteplici, è quindi opportuno cominciare controllando tutti gli attributi che non compaiono mai come determinati. Se la chiusura di un insieme X è uguale ad R, bisogna verificare che non lo siano anche i suoi sottoinsiemi.

Esempio: R = (A, B, C, D, E, G, H) $F = (AB \rightarrow D, G \rightarrow A, G \rightarrow B, H \rightarrow E, H \rightarrow G, D \rightarrow H)$ Si vogliono trovare le 4 chiavi. Si cominci dagli attributi che determinano altri ma non sono determinati da nessuno, i candidati sono AB, G, D e H. Noto che C non compare mai in nessuna dipendenza funzionale, quindi sarà parte di tutti le chiavi. Comincio allora con ABC, trovo che Algoritmo (ABC) = R, controllo poi i sottoinsiemi e vedo che

Algoritmo (AC) = (AB, BC^+) e che BC^+ = (BC), quindi ABC è una chiave. Ne rimangono 3, gli altri 3 candidati erano G, D e H, utilizzo l'algoritmo e trovo che $GC^+ = DC^+ = HC^+ = R$, sono quindi tutte e 3 le chiavi, senza necessità di controllare i sottoinsiemi (dato che C da sola non può essere chiave, ma deve essere contenuto in ogni chiave).

Dato uno schema R, se viene trovata una chiave, spesso ci si chiede se tale chiave sia l'unica, è quindi opportuno fare un **test di unicità**, dato che, per controllare se uno schema sia in terza forma normale, necessitiamo di sapere quali siano tutte le chiavi.

Esiste un modo semplice per determinare se la chiave di uno schema R è unica :

Sia
$$X = \bigcap_{V \to W \in F} R - (W - V)$$

Una volta aver trovato tale X, se $X^+ = R$, allora X è l'unica chiave di R, altrimenti, esistono più chiavi, ed X non è una superchiave di R.

Esempio: R = (A, B, C, D, E) $F = (AB \rightarrow C, AC \rightarrow B, D \rightarrow E)$, voglio capire se la chiave sia unica, applico quindi il calcolo appena visto:

$$X = (ABCDE - (C - AB) \cap ABCDE - (B - AC) \cap ABCDE - (E - D)) =$$

= $(ABCDE - C \cap ABCDE - B \cap ABCDE - E) = (ABDE \cap ACDE \cap ABCD) = AD$
calcolo $X^+ = AD^+ = AD \neq R$, quindi ci sono più chiavi.

4.6 Preservare le Dipendenze Funzionali

Nel capitolo 4.4.2 abbiamo visto come, uno schema che non è in terza forma normale, può essere "decomposto" in più schemi, che non compomettano l'integrità della base di dati, ma che in più, rispettino la 3NF. Una decomposizione di R, è una famiglia di insiemi

 $R_1, R_2 \dots, R_n$ tali che $\bigcup_{i=1}^n R_i = R$ (la decomposizione impone che i diversi sotto-schemi non siano disgiunti, non deve essere una partizione).

Una volta decomposto uno schema, ad ogni sotto-schema sarà assegnato un nuovo insieme di dipendenze funzionali. Decomporre una tabella (e la sua istanza), equivale ad eseguire una proiezione 3.0.1, diamo un importante definizione.

Definizione: Due insiemi di dipendenze funzionali $F \in G$, si dicono *equivalenti*, e si denota $F \equiv G$, se la loro chiusura è identica, quindi, determinano lo stesso insieme di istanze legali.

$$F \equiv G \iff F^+ = G^+$$

Quando si decompone uno schema, occorre verificare che le dipendenze funzionali siano preservate, quindi, che il nuovo insieme di dipendenze sia equivalente a quello originale. Ovviamente, F^+ ed G^+ sono troppo grandi, e controllarli nella loro interezza richiederebbe un tempo non polinomiale, risulta utile però il seguente lemma.

Lemma: Sia R uno schema, ed F e G due insiemi di dipendenze funzionali, vale che:

$$F^+ \subset G^+ \iff F \subset G^+$$

Dimostrazione: Se la prima implicazione è scontata, la seconda, ossia $F \subseteq G^+ \implies F^+ \subseteq G^+$, risulta meno banale ed assai efficace. L'ipotesi, è che $F \subseteq G^+$, sia $f = X \to Y$ una qualsiasi dipendenza funzionale in F^+ . So che $F^+ = F^A$, quindi, se f è in F^A , ciò vuol dire, che esiste un insieme di dipendenze funzionali $\{f_1, f_2, \ldots, f_n\} \subseteq F$, tale che, applicando gli assiomi di Armstrong 4.2 su di esse, si ottiene f.

$$\{f_1, f_2 \dots, f_n\} \xrightarrow{\text{Armstrong}} f$$

L'ipotesi però, è che $F \subseteq G^+$, ma $G^+ = G^A$, quindi $F \subseteq G^A$, questo vuol dire che, se un elemento è in G^A , esiste un insieme di dipendenze funzionali, tali che applicando gli assiomi di Armstrong su di esse, si ottiene quell'elemento. Si osservi che, $\{f_1, f_2 \dots, f_n\} \subseteq F \subseteq G^A$, quindi, $\forall f_i \in \{f_1, f_2 \dots, f_n\}, \exists \{g_1^i, g_2^i \dots, g_k^i\} \subseteq G$ tale che $\{g_1^i, g_2^i \dots, g_k^i\} \xrightarrow{\text{Armstrong}} f_i$.

$$\begin{cases} g_1^1, g_2^1, \dots, g_k^1 \rbrace & \xrightarrow{\text{Armstrong}} \\ \dots & & \\ \dots & & \\ \{g_1^n, g_2^n, \dots, g_k^n \} & \xrightarrow{\text{Armstrong}} \end{cases} \begin{cases} f_1 \\ \vdots \\ f_n \end{cases} \xrightarrow{\text{Armstrong}} f \in F^+$$

Questo significa che, applicando gli assiomi di armstrong a partire da elemen ti in G, ottengo degli elementi in F^+ , ma se $F \subseteq G^+$, so che ogni elemento di F^+ si ottiene applicando gli assiomi su F, ed F si ottiene applicando gli assiomi su G, quindi $F^+ \subseteq G^+$.

Dato tale lemma, si giunge alla conclusione fondamentale che:

$$F \equiv G \iff F \subseteq G^+ \land G \subseteq F^+$$

Adesso che sappiamo come controllare l'equivalenza di due dipendenze funzionali, possiamo enunciare il metodo con cui, si controlla se una scomposizione, preserva l'insieme delle dipendenze funzionali.

4.6.1 Controllo dell'Unione

Sia R uno schema relazionale, F l'insieme delle dipendenze funzionali, e $\rho = \{R_1, R_2 \dots, R_n\}$ una sua decomposizione. Definiamo per ogni elemento di ρ , un insieme di dipendenze funzionali correlato ad F, definito in tal modo :

$$\pi_{R_i}(F) = \{X \to Y \in F^+ | \{X, Y\} \subseteq R_i\}$$

Quindi, per ogni sotto-schema, è associato l'insieme $\pi_{R_i}(F)$, che contiene le dipendenze funzionali che sono in F^+ , se come determinante e determinato appaiono esclusivamente elementi che siano in tale sotto-schema.

Diremo che, la decomposizione ρ preserva le dipendenze funzionali in F, se e solo se :

$$G = \bigcup_{i=1}^{n} \pi_{R_i}(F) \equiv F$$

Per controllare che $G \equiv F$, devo controllare solamente che $F \subseteq G^+$, non è necessario controllare che $G \subseteq F^+$, dato che, per come è definito G, è l'unione sottoinsiemi di F^+ , quindi, che G sia contenuto nella chiusura di F è ovvio. Per controllare che $F \subseteq G^+$, bisogna prendere una qualsiasi dipendenza $X \to Y \in F$, e controllare che sia in G^+ .

Osservazione : Se $X \to Y \in G^+$, allora $Y \subseteq X_G^+$, è quindi necessario controllare ogni dipendenza di F, calcolare la chiusura del determinante rispetto a G, e controllare che il determinato sia in tale chiusura, se per uno solo di questi, non vale ciò, allora F non è equivalente a G.

Problema: L'osservazione appena fatta, enuncia che ci basta controllare la chiusura di un insieme di attributi rispetto a G per verificare l'equivalenza, il problema, è che G deriva da F^+ , quindi è troppo grande per essere calcolato esplicitamente, e non può essere applicato l'algoritmo visto nel capitolo 4.5.1. Vedremo quindi, un nuovo algoritmo, capace di calcolare

la chiusura di un insieme di attributi X rispetto a $G = \bigcup_{i=1}^n \pi_{R_i}(F)$ partendo da F.

4.6.2 L'Algoritmo 2 (Compute X_G^+ from F)

Input : Lo schema R, l'insieme delle dipendenze funzionali F, una decomposizione $\rho = \{R_1, R_2, \ldots, R_k\}$ ed $X \subseteq R$.

Output : Denotato con Z_f , sarà la chiusura di X rispetto a $G = \bigcup_{i=1}^n \pi_{R_i}(F)$.

```
 \begin{array}{l} \operatorname{begin} \, \{ \\ Z = X \\ S' = \emptyset \\ \text{ for } i = 1 \quad \text{to } k \{ \\ S' = S' \cup (Z \cap R_i)_F^+ \cap R_i \\ \} \\ \text{ while } S' \not\subseteq Z \, \{ \\ Z = Z \cup S' \\ \text{ for } i = 1 \quad \text{to } k \{ \\ S' = S' \cup (Z \cap R_i)_F^+ \cap R_i \\ \} \\ \} \\ \text{ return } Z \\ \}
```

Teorema: L'algoritmo calcola correttamente la chiusura di X rispetto a G, ossia $Z_f = X_G^+$.

Dimostrazione : Si procede per doppia inclusione, partendo col dimostrare $\overline{Z_f \subseteq X_G^+}$: Si dimostra per induzione, $Caso\ Base: Z_0 = X \subseteq X_G^+$. $Passo\ induttivo:$ L'ipotesi è che, $Z_i \subseteq X_G^+$, voglio dimostrare che se ciò è vero, è vero anche che $Z_{i+1} \subseteq X_G^+$. Considero un qualsiasi $A \in Z_{i+1}$, per come è definito Z_{i+1} , ciò significa che $A \in Z_i$ oppure $A \in S_i'$. Il primo caso dimostra di per se la tesi, si consideri quindi il caso in cui $A \in S_i'$. Ricordo che $S_i' = \bigcup_{j=1}^k (Z_i \cap R_j)_F^+ \cap R_j$, allora, $\exists j \in \{1, 2 \dots, k\} | A \in (Z_i \cap R_j)_F^+ \cap R_j$, ciò implica che $A \in R_j \wedge A \in (Z_i \cap R_j)_F^+$, ma questo'ultimo implicherebbe che $Z_i \cap R_j \to A \in F^A$. So che $Z_i \cap R_j \subseteq R_j$, e che $A \in R_j$, allora $Z_i \cap R_j \to A \in \pi_{R_j}(F) \subseteq G$, ma ricordiamoci che per ipotesi $Z_i \subseteq X_G^+$, allora, anche il suo sotto insieme $Z_i \cap R_j$ è contenuto in X_G^+ , ciò implica che $X \to (Z_i \cap R_j) \in G^A$, per transitività, ho che $X \to A \in G^A \implies A \in X_G^+$ come volevasi dimostrare. Adesso rimane da dimostrare che $X_G^+ \subseteq Z_f^-$: Tale dimostrazione risulta più ostica e richiede più ragionamento, si invita il lettore ad essere particolarmente attento. Prima di tutto, occorre un osservazione :

Osservazione Fondamentale : Siano A e B due insiemi di attributi ed F un insieme di dipendenze funzionali su di essi. se $A \subseteq B$, allora sicuramente $A_F^+ \subseteq B_F^+$.

Tornando a noi, vogliamo dimostrare che $X_G^+ \subseteq Z_f$, ma per come è stato costruito Z_f , sappiamo sicuramente che $X \subseteq Z_f$, allora, per l'osservazione, sicuramente $X_G^+ \subseteq (Z_f)_G^+$. Se riuscissimo a dimostrare che $Z_f = (Z_f)_G^+$, vuol dire che avremmo dimostrato che $X_G^+ \subseteq Z_f$. Dimostriamo quindi che $Z_f = (Z_f)_G^+$, possiamo utilizzare l'algoritmo 4.5.1, che calcola la chiusura di un insieme di attributi rispetto un insieme di dipendenze funzionali, quindi passiamo come input Z_f e ne calcoliamo la chiusura rispetto a G, se l'output dell'algoritmo sarà uguale all'input, allora sarà dimostrato.

Durante il corso di questa dimostrazione, si osservi l'algoritmo 4.5.1.

Notiamo che, nella seconda riga dell'algoritmo, si inizia costruendo un insieme S definito in tal modo :

$$S = \{ A | \exists Y \to V \in G, Y \subseteq Z_f \land A \in V \}$$
 (21)

Prendiamo quindi A, che è un qualsiasi elemento dell'insieme S costruito nella seconda riga di codice. Notiamo che $A \in V$, ed $Y \to V \in G$, per la regola di decomposizione, possiamo affermare che $Y \to A \in G$, adesso, ricordiamo come è stato costruito G:

$$G = \bigcup_{i=1}^{n} \pi_{R_i}(F) \equiv F$$

G è l'unione delle dipendenze funzionali nelle proiezioni, quindi, $Y \to A$ appartiene ad una delle proiezioni :

$$\exists j \in \{1, 2, \dots, n\} | Y \to A \in \pi_{R_i}(F)$$

ma una proiezione, è definita in tal modo:

$$\pi_{R_i}(F) = \{X \to Y \in F^+ | \{X, Y\} \subset R_i\}$$

Quindi, se $Y \to A \in \pi_{R_i}(F)$, allora $Y \in R_j$ e $A \in R_j$.

Passo cruciale 1! $A \in R_i$

Abbiamo quindi visto che $Y \to A \in \pi_{R_j}(F)$, ma le dipendenze delle proiezioni, derivano tutte da F^+ , quindi possiamo sicuramente dire che $Y \to A \in F^+ = F^A$, ma per ipotesi (Ricordando come è stato costruito S), sappiamo che $Y \subseteq Z_f$, quindi :

$$\begin{cases} Y \subseteq Z_f \\ Y \to A \in F^A \end{cases} \implies Z_f \to A \in F^A \implies A \in (Z_f)_F^+ \tag{22}$$

Passo cruciale 2! $A \in (Z_f)_F^+$

Passaggio mancante! Dimostrare che $A \in (Z_f \cap R_j)_F^+$

A questo punto vedo che:

$$\begin{cases} A \in (Z_f \cap R_j)_F^+ \\ A \in R_j \end{cases} \implies A \in (Z_f \cap R_j)_F^+ \cap R_j$$
 (23)

Adesso, noi sappiamo che $A \in (Z_f \cap R_j)_F^+ \cap R_j$, si osservi ora, il secondo algoritmo 4.6.2, quello che è stato usato per costruire il nostro Z_f . Si noti che, ad ogni passo iterativo di

quell'algoritmo, Z_f viene ricostruito, a partire da un altro insieme S', definito nel seguente modo :

$$(Z \cap R_i)_F^+ \cap R_i$$
 osservazione : tale Z è contenuto nel nostro Z_f (24)

Abbiamo detto però, che $A \in (Z_f \cap R_j)_F^+ \cap R_j$, quindi, tale A, sarà in S' ad un certo passo iterativo del secondo algoritmo 4.6.2! Essendo che Z_f è l'unione di tutti gli insiemi S' ricostruiti iteramente nel secondo algoritmo 4.6.2, ciò, significa che $A \in Z_f$.

In conclusione, abbiamo dimostrato che, eseguendo il primo algoritmo 4.5.1 su Z_f , alla seconda riga di codice viene costruito un insieme S, i quali elementi sono già tutti in Z_f , questo significa, che l'algoritmo **non** eseguirà il **while**, che richiede come condizione che $S \nsubseteq Z_f$, terminando immediatamente, e restituendo come output, lo stesso Z_f dato in input. Essendo che quello l'algoritmo calcola la chiusura di un insieme di attributi, in conclusione, possiamo affermare che, la chiusura di Z_f , rispetto a G, è identica a $Z_f : Z_f = (Z_f)_G^+$.

Ricostruendo il tutto a partire dall'inizio, si ha che:

$$\begin{cases} X \subseteq Z_f \implies X_G^+ \subseteq (Z_f)_G^+ \\ Z_f = (Z_f)_G^+ \\ Z_f \subseteq X_G^+ \text{ (dimostrato)} \end{cases} \implies \begin{cases} X_G^+ \subseteq Z_f \\ Z_f \subseteq X_G^+ \end{cases} \implies Z_f = X_G^+ \quad \blacksquare$$

4.6.3 Sommario del Procedimento Completo

Ricapitoliamo adesso ciò che è necessario per controllare se una decomposizione preserva l'insieme delle dipendenze funzionali. Siano :

- R :=Schema Relazionale
- $\rho = (R_1, R_2 \dots, R_n) := \text{Decomposizione di } R$
- F := Dipendenze funzionali su R

Come prima cosa si costruisce un nuovo insieme:

$$G = \bigcup_{i=1}^{n} \pi_{R_i}(F)$$

Bisogna controllare che $G \equiv F$, per fare ciò, abbiamo osservato, e dimostrato, che è necessario controllare che $F \subseteq G^+$. Osservazione : Abbiamo visto che, per controllare che $F \subseteq G^+$, basta selezionare ogni $X \to Y \in F$, calcolare X_G^+ (con il secondo algoritmo 4.6.2), e controllare che $Y \in X_G^+$, ciò deve valere per ogni dipendenza di F. Detto ciò, possiamo riassumere il tutto con un ultimo algoritmo.

4.6.4 L'Algoritmo 3 (Check if $F \subseteq G^+$)

Input : Lo schema R, due insiemi di dipendenze funzionali $F \in G$ su R.

Output : Un valore booleano success, esso varrà true se $F \subseteq G^+$, altrimenti false.

Chiameremo Compute X_G^+ il secondo algoritmo 4.6.2, dove X è l'insieme di attributi in Input, e G l'insieme di dipendenze funzionali sul quale calcolare la chiusura.

```
\label{eq:begin} \begin{split} \text{begin} \, \{ \\ & \text{success=true} \\ & \text{for each} \  \  \, X \to Y \in F \{ \\ & T = \text{Compute} \  \, X_G^+ \\ & \text{if} \  \, Y \not\subseteq T \  \, \{ \\ & \text{success=false} \\ & \text{break} \\ & \} \\ & \} \\ & \text{return success} \, \} \end{split}
```