11

K-Means Clustering

1 K均值聚类

簇内距离和最小, 迭代求解



几何是万物美的本原。

Geometry is the archetype of the beauty of the world.

—— 约翰内斯·开普勒 (Johannes Kepler) | 德国天文学家、数学家 | 1571 ~ 1630



- ◀ numpy.cov() 计算协方差矩阵
- ◀ pandas.DataFrame.cov() 计算数据帧协方差矩阵
- ◀ scipy.spatial.Voronoi 函数获得沃罗诺伊图相关数据
- ◀ scipy.spatial.voronoi_plot_2d 函数绘制沃罗诺伊图
- sklearn.cluster.KMeans() K 均值聚类算法函数; model.fit() 拟合数据, model.predict() 预测聚类标签, model.cluster_centers_, 输出簇质心位置, model.inertia_输出簇 SSE 之和
- ◀ sklearn.metrics.silhouette_score 计算轮廓系数
- ◀ yellowbrick.cluster.SilhouetteVisualizer 函数绘制轮廓图

11.1 **K均值聚类**

K均值聚类 (K-means clustering) 的 K不同于 k 近邻中的 k。

本书第 2 章介绍的 k 近邻算法 (k-Nearest Neighbors, k-NN) 是有监督学习分类算法,样本数据有标签、它的 k 是指设定的近邻数量。

而 K 均值聚类则是无监督学习聚类算法,样本数据无标签,K 是指将给定样本集 Ω 划分成 K 簇 $C = \{C_1, C_2, C_K\}$ 。

原理

图 1 所示为 K 均值算法原理图。K 均值聚类的每一簇样本数据用**簇质心** (cluster centroid) 来描述。比如,二聚类问题有两个簇质心 μ_1 和 μ_2 。如果以欧氏距离为距离度量,距离质心 μ_1 更近的点,被划分为 C_1 簇;而距离质心 μ_2 更近的点,被划分为 C_2 簇。

比如,图 1 + A 点明显距离 μ_1 更近,A 点被划分为 C_1 簇,C 点距离 μ_2 更近,因此 C 点划分到 C_2 簇。B 和 D 点距离 μ_1 和 μ_2 相等,因此 B 和 D 点位于决策边界。很明显,决策边界为 μ_1 和 μ_2 中垂线 (perpendicular bisector)。



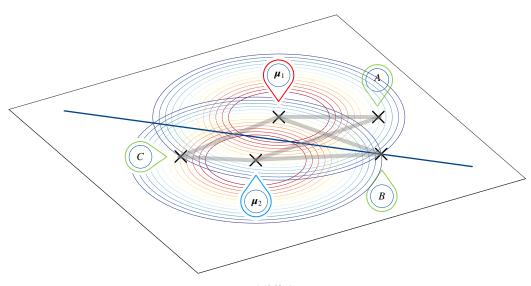


图 1. K均值算法原理

由于采用欧氏距离,图 1 中簇质心 μ_1 和 μ_2 等高线为两组同心圆;同心圆颜色相同,代表距离簇质心 μ_1 和 μ_2 距离相同。因此,同色同心圆的交点位于决策边界上。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载:https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

11.2 优化问题

K均值聚类算法的优化目标是,将所有给定样本点划分K簇,并使得簇内距离平方和最小。 采用最简单的欧拉距离,以上优化目标记做:

$$\arg\min_{C} \sum_{k=1}^{K} \sum_{\mathbf{x} \in C_k} \left\| \mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_k \right\|^2 \tag{1}$$

其中,x 为样本数据任意一点,形式为列向量; μ_k 为任意一簇 C_k 样本数据的质心。

实际上,(1)中簇内距离平方和相当于**残差平方和**(Sum of Squared Error, SSE)。SSE 度量样本数据的聚集程度;为了方便读者理解,下一节专门讲解质心、协方差矩阵、残差平方和等描述簇数据的数学工具。

任意一点x和质心 μ_k 欧氏距离平方,可以通过下式计算得到:

$$d^{2} = \operatorname{dist}(\mathbf{x}, \boldsymbol{\mu}_{k})^{2} = \|\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k}\|^{2} = (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})^{T} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})$$
(2)

其中,

$$\boldsymbol{x} = \begin{bmatrix} x_1 & x_2 & \cdots & x_D \end{bmatrix}^{\mathrm{T}}, \quad \boldsymbol{\mu}_k = \begin{bmatrix} \mu_{k,1} & \mu_{k,2} & \cdots & \mu_{k,D} \end{bmatrix}^{\mathrm{T}}$$
 (3)

两特征聚类

当特征数为 D=2时, 欧氏距离平方和展开为下式:

$$d^{2} = (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})^{\mathrm{T}} (\mathbf{x} - \boldsymbol{\mu}_{k})$$

$$= (x_{1} - \boldsymbol{\mu}_{k,1})^{2} + (x_{2} - \boldsymbol{\mu}_{k,2})^{2}$$
(4)

丛书反复介绍,当 d 取某一定值时,(4) 所示解析式是以 ($\mu_{k,1}$, $\mu_{k,2}$) 为圆心的正圆,d 为半径。如图 1 所示,d 取不同值时,(4) 的几何表达为以 μ_1 和 μ_2 为中心得到两组同心正圆。

对于二分类问题, 决策边界满足:

$$(\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_1)^{\mathrm{T}} (\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_1) = (\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_2)^{\mathrm{T}} (\boldsymbol{x} - \boldsymbol{\mu}_2)$$
 (5)

整理得到决策边界解析式。=:

$$\left(\boldsymbol{\mu}_{1} - \boldsymbol{\mu}_{2}\right)^{\mathrm{T}} \left(\boldsymbol{x} - \frac{\left(\boldsymbol{\mu}_{1} + \boldsymbol{\mu}_{2}\right)}{2}\right) = 0 \tag{6}$$

发现 K 均值聚类决策边界为一超平面,超平面通过 μ_1 和 μ_2 中点,并垂直于 μ_1 和 μ_2 连线,即垂直于($\mu_2 - \mu_1$)。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

三聚类

图 2 所示为三聚类问题簇数据和质心位置。根据这三个质心位置,可以绘制两两质心的中垂 线。决策边界在这三条中垂线上。图 2 实际上便是沃罗诺伊图 (Voronoi diagram)。本章最后一节介 绍沃罗诺伊图。

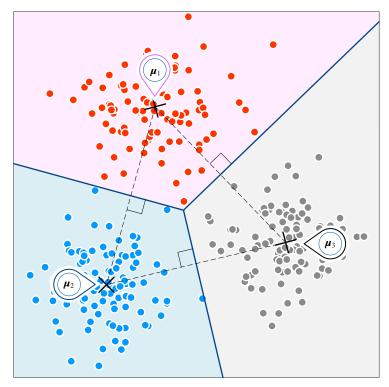


图 2. 三聚类问题簇质心、决策边界和区域划分

图 3 中, z 轴高度代表三聚类预测标签。

容易发现,在确定决策边界位置上, K均值聚类原理和本书第2章介绍的最近质心分类器 (Nearest Centroid Classifier) 很相似。

不同的是, K 均值聚类算法采用迭代方式找到簇质心位置, 这是下一节要介绍的内容。

采用欧氏距离的 K 均值聚类相当于高斯混合模型 (Gaussian Mixture Model, GMM) 的一个特 例。这一点,下一章会详细介绍。

目前 Scikit-learn 中 K 均值聚类算法距离度量仅支持欧氏距离;MATLAB 中 K 均值聚类算法 函数还支持城市街区距离、余弦距离、相关系数距离等。

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。 版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

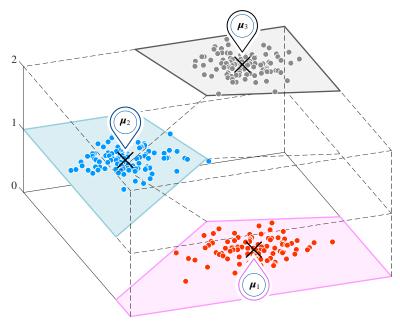


图 3. 三聚类预测标签

11.3 迭代过程

本节以二聚类为例介绍 K均值聚类流程图。

流程

流程输入为样本数据和聚类簇数(比如2)。然后,从样本中随机选取2个数据作为初始簇质 $心 \mu_1$ 和 μ_2 。然后进入如下迭代循环:

- 计算每一个样本和均值向量 μ1 和 μ2 距离;
- ▼ 比较每个样本和 µ₁ 和 µ₂ 距离,确定簇划分;
- 根据当前簇, 计算并更新均值向量 µ1 和 µ2

直到均值向量 μ_1 和 μ_2 满足迭代停止条件,得到簇划分。

图 4 所示为一鸢尾花数据为例 K 均值算法迭代过程。随机选取三个样本点 (黄色高亮) 作为初 始簇质心 μ_1 、 μ_2 和 μ_3 ,经过 10 次迭代,簇质心位置不断连续变化,最终收敛。

本书配套微课视频均发布在B站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

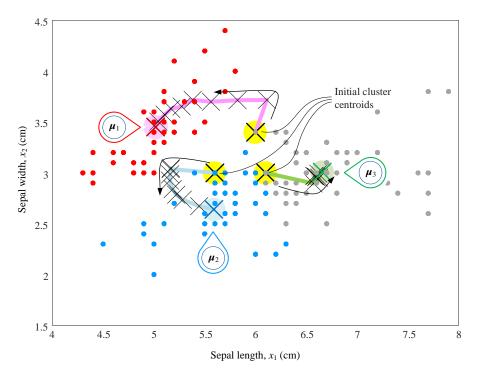
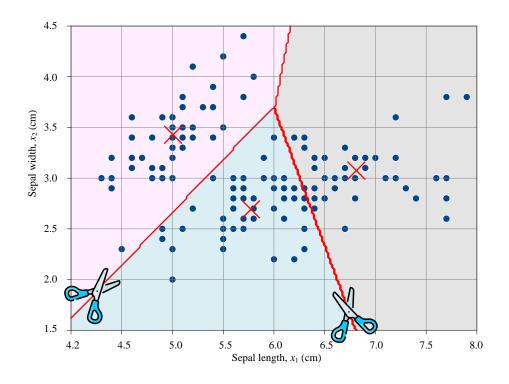


图 4. K均值算法迭代过程,鸢尾花数据为例

鸢尾花数据聚类

图 5 所示为 K 均值算法聚类鸢尾花数据。Scikit-learn 工具包用来 K 均值聚类算法函数为 sklearn.cluster.KMeans()。利用 model.fit() 拟合数据后,model.predict() 预测聚类标签,model.cluster centers,输出簇质心位置。



本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套徽课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

图 5. K均值算法聚类鸢尾花数据



代码 Bk7_Ch11_01.py 绘制图 5。

11.4 肘部法则: 选定聚类簇值

手肘法则 (elbow method) 可以用来判断合适的聚类簇值 K。手肘法则的关键指标是误差平方和 SSE:

$$SSE(X|K) = \sum_{k=1}^{K} SSE(C_k) = \sum_{k=1}^{K} \sum_{x \in C_k} ||x - \mu_k||^2$$
 (7)

随着聚类簇数 K 不断增大,均值聚类算法对样本数据划分会逐渐变得更加精细;因此,随着 K 不断增大,每个簇的聚合程度会逐渐提高,SSE 会逐渐变小。

极端情况, 当 K = n, 也就是每个样本数据自成一簇, SSE = 0。

K不断增大,SSE 不断减小的过程如图 6 所示。观察此图发现一个有意思的现象,当 K小于"合适"聚类数时,K增大时,会导致 SSE 大幅下降;但是,K大于"合适"聚类数时,K再增大,SSE 下降幅度不断变缓。

这就是为什么图 6 呈现出"手肘"形状,也便是手肘法则的名称来由。理想的聚类簇数 K 便是 "肘"拐点的位置。K 均值聚类算法函数输出值 $model.inertia_$ 便是当前 $model.inertia_$

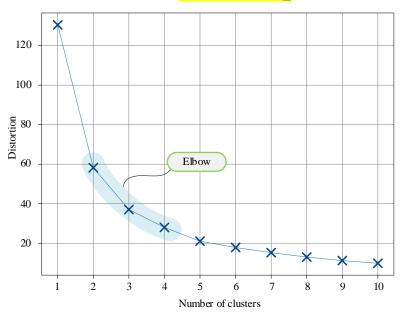


图 6. K均值算法聚类鸢尾花数据

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com



代码 Bk7_Ch11_02.py 绘制图 6。

11.5 轮廓图: 选定聚类簇值

轮廓图 (silhouette plot) 也常用来选定聚类簇值 K。

轮廓图上每一条线代表的是**轮廓系数** (silhouette coefficient), s_i , 可以通过下式计算获得:

$$s_i = \frac{b_i - a_i}{\max\{a_i, b_i\}} \tag{8}$$

其中, ai 为簇内不相似度, bi 为簇间不相似度。

簇内不相似度

如图 7 (a) 所示,簇内不相似度 a_i 代表样本 i ($i \in C_k$) 到同簇其他样本 j ($j \in C_k$, $i \neq j$) 距离平均值:

$$a_i = \frac{1}{\operatorname{count}(C_k) - 1} \sum_{j \in C_k, i \neq j} d_{i,j}$$
(9)

其中, d_{ij} 为样本 i 和 j 之间距离。 a_i 越小,说明样本 i 越应该被划分到 C_k 簇。

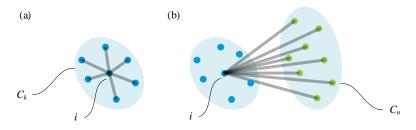


图 7. ai 为簇内不相似度,和 bi 为簇间不相似度

簇间不相似度

如图 7 (b) 所示,簇间不相似度 b_i 代表样本 i ($i \in C_k$) 到其他簇 (C_m) 样本 j ($j \in C_m$, $C_m \neq C_k$) 距离平均值的最小值:

$$b_i = \min \frac{1}{\operatorname{count}(C_m)} \sum_{j \in C_m} d_{i,j}$$
(10)

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载: https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

bi越大,说明样本 i 越不应该被划分到其他簇。

注意, 当簇数超过2时, bi需要在不同簇之间取最小值。

以鸢尾花数据为例

轮廓系数 s_i 的取值在 [-1, 1] 区间。 s_i 越趋向于 1,说明样本 i 分类越正确; s_i 越趋向于–1,说明样本 i 分类越错误。当 s_i 在 0 附近时,样本 i 靠近聚类边界。

图 8、图 9 和图 10 所示为 K 分别取 3、4 和 5 时,聚类边界和轮廓图。理想的聚类结果是,簇内尽量紧密,簇间尽量远离。轮廓系数平均值越高,说明分类越合理。比较图 8、图 9 和图 10, K=3时,轮廓系数较高,并且轮廓图簇宽度均匀。轮廓图结合肘部法则判断聚类簇数更合适。

计算轮廓系数的函数为 sklearn.metrics.silhouette score。

yellowbrick.cluster.SilhouetteVisualizer 函数绘制轮廓图。

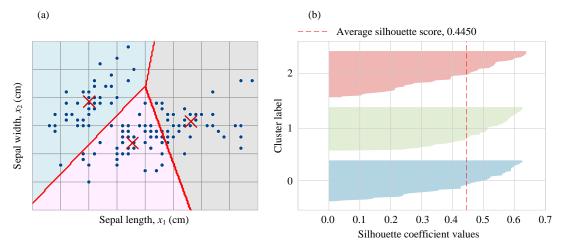


图 8. K均值算法聚类鸢尾花数据和轮廓图 K=3

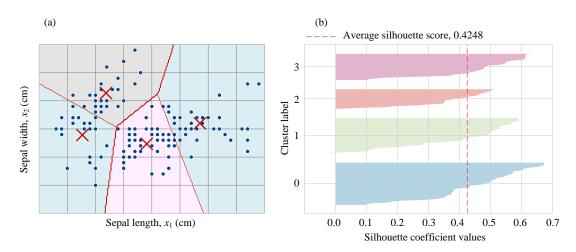


图 9. K均值算法聚类鸢尾花数据和轮廓图, K=4

本 PDF 文件为作者草稿,发布目的为方便读者在移动终端学习,终稿内容以清华大学出版社纸质出版物为准。版权归清华大学出版社所有,请勿商用,引用请注明出处。

代码及 PDF 文件下载:https://github.com/Visualize-ML

本书配套微课视频均发布在 B 站——生姜 DrGinger: https://space.bilibili.com/513194466

欢迎大家批评指教,本书专属邮箱: jiang.visualize.ml@gmail.com

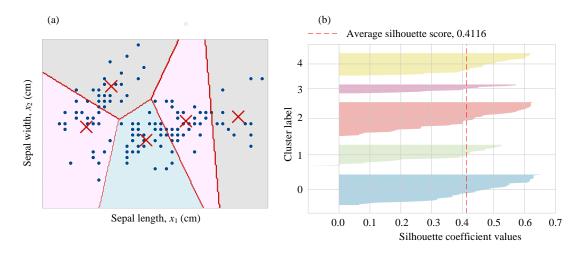


图 10. K均值算法聚类鸢尾花数据和轮廓图,K=5



代码 Bk7_Ch11_03.py 绘制图 8、图 9 和图 10。

11.6 沃罗诺伊图

沃罗诺伊图 (Voronoi diagram),是由俄国数学家格奥尔吉·沃罗诺伊 (Georgy Voronoy) 发明的空间分割算法。本章介绍的 K 均值聚类,本书前文介绍的最近质心分类器 (Nearest Centroid Classifier),实际上都依赖沃罗诺伊图确定决策边界。

图 11 所示为平面 4 点构造的沃罗诺伊图。距离较近的两点连线,绘制中垂线;若干中垂线便是分割平面区域的边界线。

scipy.spatial.Voronoi 函数获得沃罗诺伊图相关数据。 scipy.spatial.voronoi_plot_2d 函数绘制沃罗诺伊图。图 12 所示为随机生成平面 30 个点,以及它们构造的沃罗诺伊图。

K 均值聚类,相当于在利用圆圈 (欧氏距离) 描述每个簇质心;而实际上,描述簇数据更好的形状可能是正椭圆,甚至旋转椭圆。这就是下一章高斯混合模型 GMM 需要解决的问题。

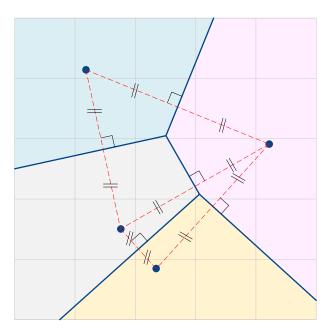


图 11.4 点平面沃罗诺伊图

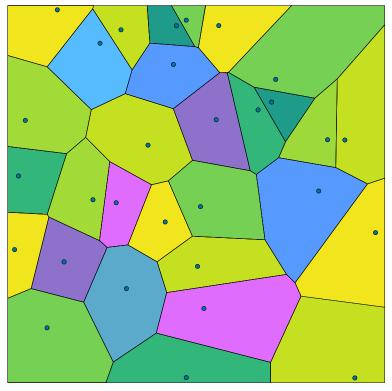


图 12.30 点平面沃罗诺伊图



代码 Bk7_Ch11_04.py 绘制图 12。



注意,K-means 聚类结果的簇质心并不是从样本数据点挑选出来的;如果从样本数据点所在位置挑选合适的位置作为簇质心的话,这种方法叫做 k 中心聚类 (k-medoids clustering)。请大家参考下例,这个例子还使用不同距离度量。

https://scikit-learn-extra.readthedocs.io/en/latest/auto_examples/cluster/plot_kmedoids_digits.html