Assignment 1

何晓昕 17307130334

Pattern Recognition and Machine Learning Fudan University @ 2020 Spring 2020 年 4 月 15 日

1 数据生成

在本节中,将设计3个二维高斯分布,分别标记为类别A、B、C,从这三个高斯分布中随机采样得到数据集。

1.1 二维高斯分布

对每个二维高斯分布,分别定义三个参数:均值 μ ,协方差 σ ,数据规模 sz,概率密度函数如下,

$$f(x) = \frac{1}{2\pi\sqrt{\det(\sigma)}} \exp(-\frac{1}{2}(x-\mu)^T \sigma^{-1}(x-\mu))$$
 (1)

1.2 数据集

数据集(data.data)中,三个高斯分布的均值分别为 (4,3),(0,0),(-3,4),协方差矩阵均为 [(1,0),(0,1)],样本数量均为 100。在采样完成后,进行随机排序,使不同类别的样本在数据集中均匀分布。

可通过调用函数 gendata(),调整参数(均值、协方差、样本数量),产生不同的数据集,详见第 4 节代码运行说明。

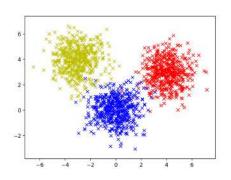


图 1: 大数据集样本分布

2 模型构建

在本节中,首先将构建两个线性分类模型:一个生成模型 (Generative Model)——朴素贝叶斯模型,和一个判别模型 (Discriminative Model)——逻辑斯谛回归; 然后比较它们之间的差异。

2.1 生成模型

本节叙述朴素贝叶斯法, 及其代码实现。

2.1.1 朴素贝叶斯

朴素贝叶斯 (naive Bayes) 法是基于贝叶斯定理与特征条件独立假设的分类方法。对于给定的训练数据集,首先基于特征条件独立假设学习输入输出的联合概率分布; 然后基于此模型, 对给定的输入 x, 利用贝叶斯定理求出后验概率最大的输出 y。朴素贝叶斯实现简单, 学习和预测的效率都很高,是一种常用的方法。

2.1.2 问题描述

设输入空间 $\chi \subseteq \mathbb{R}^2$ 为 2 维向量的集合,输出空间为类标记集合 $\gamma = \{c_1, c_2, c_3\}$ 。输入为特征向量 $x \in \chi$,输出为类标记 $y \in \gamma$ 。P(X,Y) 是 X 和 Y 的联合概率分布。训练数据集

$$T = \{(x_0, y_0), (x_1, y_1), ..., (x_N, y_N)\}\$$

由 P(X,Y) 独立同分布产生。朴素贝叶斯法通过训练数据集学习联合概率分布 P(X,Y)。具体地,学习以下先验概率分布及条件概率分布。先验概率分布

$$P(Y = c_k), k = 1, 2, 3 \tag{2}$$

条件概率分布

$$P(X = x|Y = c_k) = P(X^{(1)} = x^{(1)}, X^{(2)} = x^{(2)}|Y = c_k)$$
(3)

于是学习到联合概率分布 P(X,Y)。朴素贝叶斯法对条件概率分布作了条件独立性的假设

$$P(X = x | Y = c_k) = P(X^{(1)} = x^{(1)}, X^{(2)} = x^{(2)} | Y = c_k)$$

$$= \prod_{j=1}^{3} P(X^{(j)} = x^{(j)} | Y = c_k)$$
(4)

朴素贝叶斯法分类时, 对给定的输入 x, 通过学习到的模型计算后验概率 $P(Y = c_k | X = x)$, 将后验概率最大的类作为 x 的类输出。后验概率计算根据贝叶斯定理进行:

$$P(Y = c_k | X = x) = \frac{P(X = x | Y = c_k) P(Y = c_k)}{\sum_k P(X = x | Y = c_k) P(Y = c_k)}$$
(5)

将公式 (3) 代入 (4), 有

$$P(Y = c_k | X = x) = \frac{P(Y = c_k) \prod_j P(X^{(j)} = x^{(j)} | Y = c_k)}{\sum_k P(Y = c_k) \prod_j P(X^{(j)} = x^{(j)} | Y = c_k)}$$
(6)

这是朴素贝叶斯法分类的基本公式。于是, 朴素贝叶斯分类器可以表示为

$$y = f(x) = \underset{c_k}{\operatorname{argmax}} \frac{P(Y = c_k) \prod_{j} P(X^{(j)} = x^{(j)} | Y = c_k))}{\sum_{j} P(Y = c_k) \prod_{j} P(X^{(j)} = x^{(j)}) | Y = c_k)}$$
(7)

注意到,分母对所有 c_k 都是相同的,所以,

$$y = \underset{c_k}{\operatorname{argmax}} P(Y = c_k) \prod_{j} P(X^{(j)} = x^{(j)} | Y = c_k))$$
(8)

2.1.3 实现细节

本节将介绍朴素贝叶斯算法的实现细节,分为如下4个部分:

• Step 1: 计算先验概率

• Step 2: 计算条件概率

• Step 3: 计算后验概率

• Step 4: 确定实例的类

Step 1: 计算先验概率分布

我们需要根据数据所属的类别,来计算每个类别的概率,即先验概率。

$$P(Y = c_k) = \frac{\sum_{i=1}^{N} I(y_i = c_k)}{N}, k = 1, 2, 3$$

因此首先需要将训练数据按类分开,可以创建一个 dictionary 对象,键为类别,值为该类别所对应的全部数据记录。由如下的 separate_by_class() 函数实现。

```
# Split the dataset by class values, returns a dictionary

def separate_by_class(dataset):
    separated = dict()

for i in range(len(dataset)):
```

```
vector = dataset[i]
class_value = vector[-1]
if (class_value not in separated):
    separated[class_value] = list()
separated[class_value].append(vector)
return separated
```

Step 2: 计算条件概率分布

对于连续变量 x,如何去估计似然度 $P(x|y_i)$ 呢?我们可以假设在 y_i 的条件下,x 服从高斯分布(正态分布)。根据正态分布的概率密度函数即可计算出 $P(x|y_i)$,公式如下,

$$f(x) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma} exp(-\frac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2})$$
(9)

因此,对于给定的数据集,我们需要其两个统计信息:均值 μ 和标准差 σ ,公式如下,

$$\mu = \frac{sum(X)}{count(X)}$$

$$\sigma = \sqrt{\sum_{i=1}^{N} \frac{(x_i - mean(x))^2}{N - 1}}$$
(10)

首先,把数据集按照类标记分为若干个子数据集;然后,计算子数据集中每列数据的均值和标准差;最后,返回统计列表。由如下的 summarize_by_class()函数实现。

由返回的统计列表,容易计算条件概率

$$P(X^{(j)} = a_j)|Y = c_k) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma} exp(-\frac{(a_j - \mu)^2}{2\sigma^2})$$

Step 3: 计算后验概率

对给定的实例 $X = (x^{(1)}, x^{(2)})^T$, 计算

$$P(Y = c_k) \prod_{j=1}^{n} (X^j = x^j | Y = c_k), k = 1, 2, 3$$

由函数 calculate_class_probabilities() 实现。

Step 4: 确定实例的类

计算出后验概率后,可以确定实例 x 的类

$$y = \underset{c_k}{argmax} P(Y = c_k) \prod_{j=1}^{n} P(X^{(j)} = x^{(j)} | Y = c_k)$$

由函数 predict() 实现。

```
# Predict the class for a given row
def predict(summaries, row):
    probabilities = calculate_class_probabilities(summaries, row)
    best_label, best_prob = None, -1
    for class_value, probability in probabilities.items():
        if best_label is None or probability > best_prob:
        best_prob = probability
        best_label = class_value
    return best_label
```

2.2 判別模型

本节叙述逻辑斯蒂回归, 及其代码实现。

2.2.1 逻辑斯谛回归

逻辑斯谛回归 (logistic regression) 是统计学习中的经典分类方法,属于对数线性模型。

2.2.2 问题描述

二元逻辑斯谛回归模型是如下的条件概率分布:

$$P(Y = 0|x) = \frac{exp(-wx + b)}{1 + exp(-wx + b)}$$

$$P(Y = 1|x) = \frac{1}{1 + exp(-wx + b)}$$
(11)

这里, $x \in \mathbb{R}^n$ 是输入, $Y \in \{0,1\}$ 是输出, $w \in \mathbb{R}^n$ 和 $b \in \mathbb{R}$ 是参数, w 称为权值向量, b 称为偏置, wx 为 w 和 x 的内积。

对于给定的输入实例 x,按照公式 (11) 可以求得 P(Y = 1|x) 和 P(Y = 0|x) 。逻辑斯谛回 归比较两个条件概率值的大小,将实例 x 分到概率值较大的那一类。

有时为了方便,将权值向量和输入向量加以扩充,仍记作w,x,即 $w = (b, w^{(1)}, w^{(2)}, ..., w^{(n)})^T$, $x = (1, x^{(1)}, x^{(2)}, ..., x^{(n)})^T$ 。这时,逻辑斯谛回归模型如下,

$$P(Y = 0|x) = \frac{exp(-wx)}{1 + exp(-wx)}$$

$$P(Y = 1|x) = \frac{1}{1 + exp(-wx)}$$
(12)

2.2.3 实现细节

本节将介绍逻辑斯谛回归算法的实现细节,分为如下3个部分:

• Step 1: 作出预测

• Step 2: 参数估计

• Step 3: 多项逻辑斯谛回归

Step 1: 作出预测

对于给定的训练数据集 $T = \{(x_1, y_1), (x_2, y_2), ..., (x_N, y_N), \}$, 其中, $x_i \in \mathbb{R}^n, y_i \in \{0, 1\}$, 用逻辑斯谛回归模型对每个样本 $x^{(n)}$ 进行预测,输出其标签为 1 的后验概率,记为 $\hat{y}^{(n)}$,

$$\hat{y}^{(n)} = \sigma(w^T x^{(n)})$$

由于 $\hat{y} \in \{0,1\}$,样本 $(x^{(n)}, y^{(n)})$ 的真实条件概率可以表示为

$$P(y^{(n)} = 1|x^{(n)}) = y^{(n)},$$

 $P(y^{(n)} = 0|x^{(n)}) = 1 - y^{(n)}$

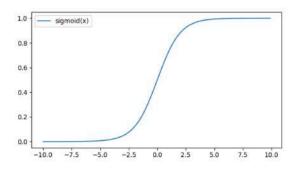
这时,线性函数的值越接近正无穷,概率的值就越接近 1; 这时,线性函数的值越接近负无穷,概率的值就越接近 0 (如图 2 所示)。由函数 dis predict() 实现。

```
# Make a prediction with coefficients

def dis_predict(row, coefficients):
    yhat = coefficients[0]

for i in range(len(row) - 1):
    yhat += coefficients[i + 1] * row[i]

return sigmoid(yhat)
```



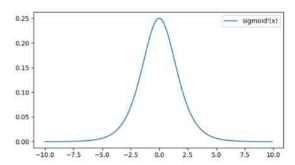


图 2: 逻辑斯谛分布的分布函数与密度函数

Step 2: 参数估计

逻辑斯谛回归采用交叉熵作为损失函数,并使用梯度下降法来对参数进行优化。其风险函数为

$$L(w) = -\frac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} [y^{(n)} log \hat{y}^{(n)} + (1 - y^{(n)}) log (1 - \hat{y}^{(n)})]$$
(13)

风险函数 L(w) 关于参数 w 的偏导数为

$$\frac{\partial L(w)}{\partial w} = -\frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} x^{(n)} (y^{(n)} - \hat{y}^{(n)})$$
(14)

采用梯度下降法,逻辑斯谛回归的训练过程为: 初始化 $w_0 \leftarrow 0$,然后通过下式来迭代更新参数:

$$w_{t+1} \leftarrow w_t + \alpha \frac{1}{N} \sum_{n=1}^{N} x^{(n)} (y^{(n)} - \hat{y}_{w_t}^{(n)})$$
 (15)

其中 α 是学习率, $\hat{y}_{wt}^{(n)}$ 是当参数为 w_t 时,逻辑斯谛回归模型的输出。由函数 coefficients_sgd() 实现,

```
def coefficients_sgd(train, l_rate, n_epoch):
    coef = [0.0 for i in range(len(train[0]))]
    for epoch in range(n_epoch):
        sum_error = 0
```

Step 3: 多项逻辑斯谛回归

用 3 个二分类器来实现一个三项分类器。3 个二分类器分别检测类别 1、类别 2 和类别 3,最后用 argmax 函数,看哪个分类预测的概率最高,就将实例 x 划分为哪一类。由函数 $logistic_regression()$ 实现。

```
| # Linear Regression Algorithm With Stochastic Gradient Descent
def logistic_regression(train, test, l_rate, n_epoch):
      predictions = list()
      coefs=list()
      for i in range(0,3):
          train_copy=copy.deepcopy(train)
          for row in train_copy:
               if(row[-1]==i+1):
                   row[-1]=1
               else:
10
                   row[-1]=0
11
          coef = coefficients_sgd(train_copy, l_rate, n_epoch)
12
          coefs.append(coef)
13
      for row in test:
14
          maxp=-1
15
          label=0
16
          for i in range(0,3):
17
               yhat = dis_predict(row, coefs[i])
               if (yhat>maxp):
19
                   maxp=yhat
20
                   label=i+1
21
          predictions.append(label)
22
      return (predictions)
23
```

2.3 模型比较

1. 生成方法由数据学习联合概率分布 P(X,Y), 然后求出条件概率分布 P(Y|X) 作为 预测的模型,即生成模型:

$$p(Y|X) = \frac{P(X,Y)}{P(X)}$$

而判别方法由数据直接学习条件概率分布 P(Y|X) 作为预测的模型。

- 2. 生成模型表示了给定输入 X 产生输出 Y 的生成关系,而判别方法关心的是对给定的输入 X,应该预测什么样的输出 Y。
- 3. 生成方法的学习收敛速度更快,即当样本容量增加的时候,学到的模型可以更快地收敛于真实模型
- 4. 判别方法直接学习的是条件概率 P(Y|X), 直接面对预测, 往往学习的准确率更高。

3 实验

在这一部分中,将重新组织数据集的规模,调整不同高斯分布之间的重叠,通过 5 次交叉检验的方法,从运行时间和分类准确度的角度,来检验模型的性能。

3.1 调整数据规模

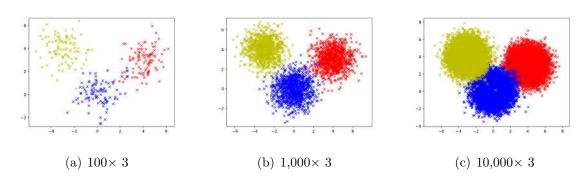


图 3: 调整数据规模

生成模型				
数据集规模	准确率 (%)	运行时间 (s)		
50	99.33	0.000		
100	97.00	0.001		
200	99.33	0.001		
500	99.40	0.003		
1000	99.10	0.005		
2000	99.35	0.012		
5000	99.21	0.030		
10000	99.19	0.061		

判别模型				
数据集规模	准确率 (%)	运行时间 (s)		
50	98.67	0.052		
100	98.00	0.010		
200	99.00	0.218		
500	98.33	0.518		
1000	98.83	1.242		
2000	98.83	2.307		
5000	98.89	5.717		
10000	99.03	12.042		

表 1: 数据规模对生成/判别模型准确率及运行时间的影响

由表 1 可看出,随着数据规模的扩大,

- 准确率方面,生成模型和判别模型都无明显变化,均能保持较高的准确率
- 运行时间方面,生成模型运行时间随着数据规模线性增长,判别模型运行时间呈非线性增长

3.2 调整数据重叠

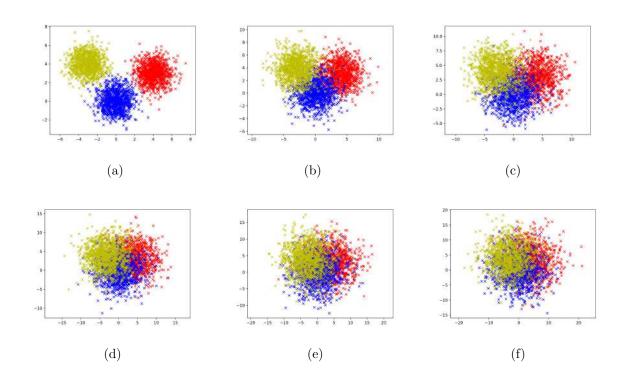


图 4: 调整数据重叠 (a)-(f) 协方差分别为,[[1, 0], [0, 1]],[[3, 0], [0, 3]],[[5, 0], [0, 5]],[[10, 0], [0, 10]],[[15, 0],[0, 15]],[[20, 0], [0, 20]]

生成模型				
协方差	准确率 (%)	运行时间 (s)		
[[1, 0], [0, 1]]	99.33	0.005		
[[2, 0], [0, 2]]	95.30	0.005		
[[3, 0], [0, 3]]	88.57	0.005		
[[4, 0], [0, 4]]	85.20	0.006		
[[5, 0], [0, 5]]	81.97	0.006		
[[10, 0], [0, 10]]	69.97	0.005		
[[15, 0], [0, 15]]	63.13	0.005		
[[20, 0], [0, 20]]	58.93	0.005		

判别模型				
协方差	准确率 (%)	运行时间 (s)		
[[1, 0], [0, 1]]	98.77	1.063		
[[2, 0], [0, 2]]	95.00	1.083		
[[3, 0], [0, 3]]	87.60	1.146		
[[4, 0], [0, 4]]	84.70	1.157		
[[5, 0], [0, 5]]	79.60	1.144		
[[10, 0], [0, 10]]	69.60	1.149		
[[15, 0], [0, 15]]	62.60	1.154		
[[20, 0], [0, 20]]	58.73	1.090		

表 2: 数据重叠对生成/判别模型准确率及运行时间的影响

由图 4 和表 2 可知,随着重叠率增加,

- 生成模型和判别模型准确率都降低
- 数据规模不变,运行时间不随着协方差变化

4 代码运行

图 5: 代码运行示例

产生数据:

```
$ python source.py gendata
```

可调参数:

- 数据规模 sz (default sz:100)
- 均值 mean (default mean:[4, 3],[0, 0],[-3, 4])
- 协方差 cov (default cov:[[1, 0], [0, 1]]

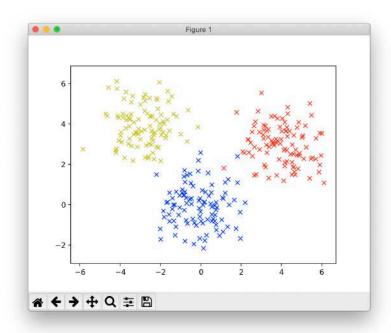


图 6: gendata() 运行结果

产生模型:

```
$ python source.py generative_model
```

判别模型:

```
s python source.py generative_model
```

可调参数:

- 学习率 l_rate (default l_rate: 0.1)
- 训练周期 n_epoch (default n_epoch: 100)

运行结果: 5 折交叉检验的平均准确率和平均运行时间