



PRACTICA 4: Agrupamiento.

APRENDIZAJE AUTOMATICO

CÉSAR ALEJANDRO HERNÁNDEZ OROZCO

Matricula: 1990010

GRUPO 003

MAESTRO: JOSÉ ANASTASIO HERNÁNDEZ SALDAÑA

INTRODUCCIÓN:

En esta tarea, se centra en la implementación y evaluación de un modelo de agrupamiento utilizando el algoritmo k-means. El objetivo principal es identificar el número óptimo de clusters en el conjunto de datos y comparar el rendimiento del modelo de agrupamiento con el modelo de clasificación previamente evaluado.

Este proyecto se realizo usando el conjunto de datos proporcinado por varios hospitales de distintas partes del mundo. Este es usado para tratar de encontrar si existe alguna enfermedad del corazon en los pacientes de estos hospitales.

En este conjunto de datos podemos encontrar bastante información de los distintos pacientes como lo son su edad, su sexo, si han tenido problemas cardiacos y como variable de respuesta se tiene si cuentan con un diagnostico de enfermedad del corazon.

En esta práctica se hizo uso del agrupamiento. El agrupamiento es una técnica no supervisada que busca identificar grupos o clústeres en un conjunto de datos sin tener etiquetas previas. Este análisis es útil para descubrir patrones y estructuras ocultas en los datos que pueden no ser evidentes a partir de la clasificación supervisada.

DESARROLLO:

Lo primero que hicimos para realizar esta practica fue empezar a conocer un poco mas como esta estructurado este conjunto de datos:

```
name
             role
                       type demographic \
                  Integer Age
      age Feature
      sex Feature Categorical
1
                                  Sex
      cp Feature Categorical
2
                                None
3 trestbps Feature Integer
4 chol Feature Integer
                                None
                                None
5
      fbs Feature Categorical
                                None
6 restecg Feature Categorical
                                None
  thalach Feature Integer
                                None
7
    exang Feature Categorical
                                None
8
9
   oldpeak Feature Integer
                                None
                                None
10
   slope Feature Categorical
11
      ca Feature Integer
                                 None
12
     thal Feature Categorical
                                None
      num Target Integer
                                  None
                                  description units missing_values
0
                                        None years
1
                                        None
                                             None
                                                           no
2
                                        None None
                                                          no
3
  resting blood pressure (on admission to the ho... mm Hg
4
                           serum cholestoral mg/dl
5
                 fasting blood sugar > 120 mg/dl None
                                                          no
                                        None None
6
                                                          no
7
                     maximum heart rate achieved None
                                                           no
8
                        exercise induced angina
                                             None
9
  ST depression induced by exercise relative to ... None
                                                           no
10
                                        None None
                                                          no
11 number of major vessels (0-3) colored by flour... None
                                                         yes
12
                                       None None
                                                          yes
13
                     diagnosis of heart disease None
```

Podemos ver que este conjunto de datos esta bastante bien estructurado y nos presenta incluso como podemos trabajar con estos datos.

En esta practica se hizo uso de el algoritmo K-Means: Este es un algoritmo de agrupamiento que particiona el conjunto de datos en k clusters basándose en la minimización de la variación intra-cluster. K-means asigna cada punto de datos al cluster cuyo centroide está más cercano, y luego actualiza los centroides para minimizar la distancia total entre los puntos de datos y sus centroides.

La variable con la trabajaremos principalmente es "num". Esta variable toma el valor 1 si se diagnostica a esta persona con una enfermedad del corazon y y 0 si esta no tiene una enfermedad del corazon diagnosticada.

Las demas variables con las cuales trabajaremos para obtener un buen agrupamiento son las siguientes:

Las variables con las que trabajaremos seran sex, cp, fbs y exang.

```
Sex =Sex (1=male,0=female)

cp = Chest Pain (1=typical, 2=atypical,3=non-anginal pain, 4=asymptomatic)

fbs= Fasting Blood Sugar (1=true,0=false)

exang=exercise induced angina (1=yes,0=no)
```

Para mejorar el rendimiento de nuestro codigo decidimos eliminar los demas datos no relevantes y se aseguro que este interpretara todas estas variables como categoricas.

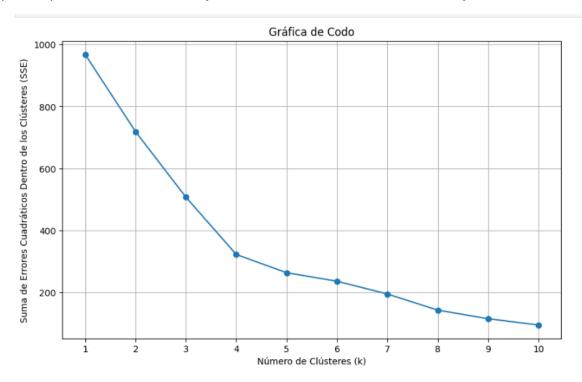
Durante el desarrollo de esta practica vimos que la gran mayoria de los datos estaban completos, aun asi se eliminaron 6 registros que estaban vacios.

Una vez limpiamos los datos vacios se dividio el conjunto de datos en una de entrenamiento y uno de pruebas dejando el 80% de los datos para entrenar y el 20% para probar.

Una vez se dividio el conjunto de datos en partes para poder trabajar se normalizaron las caracteristicas de cada uno de los nuevos datasets.

Para empezar a trabajar con el metodo K-means tenemos que decidir cuantos clusteres queremos implementar. Para obtener el numero mas optimo de clusteres podemos hacer uso de una grafica de codo para saber cual es el numero mas optimo para trabajar.

Empezaremos a calcular la suma de las distancias cuadradas de cada punto al centroide con el que cuenta cada numero de clusters. Al hacer esto podremos obtener una grafica de codo que nos permita ver cual es el mejor numero de clusteres con el cual trabajar.



Podemos ver con esta grafica que nos conviene mas usar 4 clusteres para trabajar con este conjunto de datos ya que cuenta con un buen balance entre el SSE y no hace uso de tantos clusteres.

Una vez decidimos que trabajaremos con 4 clusteres entonces podemos empezar a hacer prediciones y a compararlas con los datos del conjunto de pruebas haciendo usos de matrices de contingencia para apoyar en la comparación.

Al realizar todos estos metodos podemos ver que nuestro modelo de agrupamiento cuenta con una pureza o precisión del 0.4554 para predecir los datos de este conjunto de datos. Si recordamos en la practica anterior nuestro mejor modelo de clasificacion contaba con una precisión de 0.5708. Así que al menos en esta practica y con estos metodos podemos decir que un algoritmo de clasificación es mejor que una de agrupamiento al momento de predecir si un paciente tiene diagnosticada una enfermedad del corazon.

Conclusión:

El análisis del método del codo permite identificar el número de clusters que mejor representa la estructura de los datos. La comparación con el modelo de clasificación proporciona una visión adicional sobre la utilidad del agrupamiento en la identificación de patrones y estructuras subyacentes en los datos. Los resultados obtenidos ayudarán a comprender mejor la segmentación de los datos y su relación con las etiquetas de clasificación.

Bibliografia:

UCI Machine Learning Repository. (2019). Uci.edu.

https://archive.ics.uci.edu/dataset/45/heart+disease