

Práctica 2: SVMs

Alfons Juan, Jorge Civera

Departament de Sistemes Informàtics i Computació

Índice

1	Introducción	1
2	Breve revisión teórica	2
3	Actividades	4
	Tarea MNIST	
3.2	Training y dev	. 5
3.3	Experimento con el kernel lineal	. /
4	Eiercicio	13

1. Introducción

- En esta práctica aplicamos SVMs (a MNIST) con el paquete sym de la librería sklearn, basado en la librería libsym, cuya guía se recomienda para más detalles de los que se dan seguidamente
- Primero veremos una breve revisión teórica para contextualizar los aspectos más relevantes en el entrenamiento de SVMs
- Segundo veremos algunas actividades guiadas para el entrenamiento de SVMs con kernel lineal en MNIST
- ► Por último se propone un ejercicio a realizar que, en esencia, consiste en repetir con otros kernels las actividades hechas
- Se dispone de una tarea PoliformaT para entregar el resultado del ejercicio en el plazo de la práctica

2. Breve revisión teórica

▶ Dadas N muestras $\{(\boldsymbol{x}_n,y_n)\}_{n=1}^N$, $\boldsymbol{x}_n \in \mathbb{R}^D$, $\boldsymbol{y} \in \{-1,+1\}^N$, las SVMs usuales requieren resolver el problema de optimización:

$$\begin{bmatrix} \boldsymbol{w}^* \\ w_0^* \\ \boldsymbol{\xi}^* \end{bmatrix} = \underset{\boldsymbol{w}, w_0, \boldsymbol{\xi}}{\operatorname{arg \, min}} \ \frac{1}{2} ||\boldsymbol{w}||^2 + C \sum_n \xi_n \quad \text{s.a. } \{y_n f_n \ge 1 - \xi_n, \ \xi_n \ge 0\}$$

donde

- $\triangleright f_n \triangleq w^t \phi(x_n) + w_0$ es el resultado de clasificar linealmente una transformación ϕ de x_n a algún espacio (de alta dimensión)
- $\triangleright C \ge 0$ es el parámetro de *penalización* o *regularización*
 - $\rightarrow C \uparrow$: $\xi^* = 0$, restricciones fuertes, menor regularización
 - $\mapsto C \downarrow$: $\xi^* \ge 0$, restricciones débiles, mayor regularización

La resolución del problema requiere calcular una función *kernel*, $\mathcal{K}(\boldsymbol{x}_i, \boldsymbol{x}_j) \triangleq \phi(\boldsymbol{x}_i)^t \phi(\boldsymbol{x}_j)$, con alguno de cuatro modelos básicos:

$$riangleright$$
 Lineal: $\mathcal{K}(oldsymbol{x}_i,oldsymbol{x}_j)=oldsymbol{x}_i^toldsymbol{x}_j$

- ho Gaussiano (o RBF): $\mathcal{K}(\boldsymbol{x}_i, \boldsymbol{x}_j) = \exp(-\gamma \|\boldsymbol{x}_i \boldsymbol{x}_j\|^2)$, $\gamma > 0$
 - \rightarrow Cumple $0 < \mathcal{K}_{ij} \le 1$
 - $\rightarrow \gamma \uparrow$: kernel estrecho, requiere mayor regularización
 - $\rightarrow \gamma \downarrow$: kernel ancho, requiere menor regularización
- ightharpoonup Polinómico: $\mathcal{K}(\boldsymbol{x}_i, \boldsymbol{x}_j) = (\gamma \boldsymbol{x}_i^t \boldsymbol{x}_j + r)^d$, $\gamma > 0$
 - $\mapsto d \uparrow$: tiende a ∞ si $\gamma x_i^t x_j + r > 1$; a 0 si $\gamma x_i^t x_j + r < 1$
- \triangleright Sigmoide: $\mathcal{K}(\boldsymbol{x}_i, \boldsymbol{x}_j) = \tanh(\gamma \boldsymbol{x}_i^t \boldsymbol{x}_j + r)$
- La aplicación de SVMs a una tarea requiere elegir un kernel apropiado, ajustar C y, si procede, también γ , d (degree) y r (coef0)

3. Actividades

3.1. Tarea MNIST

- Vamos a aplicar el clasificador de mixturas de Gaussianas a MNIST proyectada mediante PCA a 20 dimensiones
- Descarga los siguientes ficheros de PoliformaT:

```
▷train-images-idx3-ubyte.pca20.npz (vectores)
```

```
▷train-labels-idx1-ubyte.pca20.npz (etiquetas)
```

3.2. Training y dev

Script para obtener una partición tr-dev a partir de MNIST:

```
_____ part.py
   #!/usr/bin/env python
   import sys
   import numpy as np
   if len(sys.argv)!=8:
     print('%s <dat> <lab> <tr%%> <dv%%> <seed>  <dv>' % sys.argv[0]);
     sys.exit(1);
8
   X=np.load(sys.argv[1]); X=X[X.files[0]]; # imágenes MNIST en npz
   xl=np.load(sys.argv[2]); xl=xl[xl.files[0]]; # etiquetas MNIST en npz
   trper=int(sys.argv[3]); # porcentaje para training
12
   dvper=int(sys.argv[4]); # porcentaja para dev
   seed=int(sys.argv[5]); # semilla
   tr=sys.argv[6];  # nombre ficheros tr (tr imágenes y trl labels)
dv=sys.argv[7];  # nombre ficheros dv (dv imágenes y dvl labels)
N=X.shape[0];  # número de datos
15
16
17
18
   # permutamos aleatoriamente todos los datos
19
   np.random.seed(seed); p=np.random.permutation(N); X=X[p]; xl=xl[p];
20
21
   # quardamos imágenes y labels de tr y dv en formato npz
22
   Ntr=round(trper/100*N); Ndv=round(dvper/100*N);
23
   np.savez_compressed(tr, dat=X[:Ntr]);
24
   np.savez_compressed(tr+'1', dat=x1[:Ntr])
25
   np.savez compressed(dv, dat=X[N-Ndv:]);
   np.savez_compressed(dv+'l', dat=x1[N-Ndv:])
26
```

▶ Obtén una partición tr-dev con un 20 % y 10 % de MNIST:

```
./part.py train-images-idx3-ubyte.pca20.npz

→ train-labels-idx1-ubyte.pca20.npz 20 10 23 tr dv
```

Comprueba que tienes los siguientes ficheros:

```
du -sh tr.npz trl.npz dv.npz dvl.npz

1,8M tr.npz

12K trl.npz

900K dv.npz

8,0K dvl.npz
```

Comprueba informalmente que estén bien:

```
>>> import numpy as np
>>> z=np.load('tr.npz')
>>> z.files
['dat']
>>> z['dat'].shape
(12000, 20)
>>> ... # haz lo mismo con trl.npz, dv.npz y dvl.npz
```

3.3. Experimento con el kernel lineal

Script para realizar un experimento con el kernel lineal:

```
linear.py
   #!/usr/bin/env python
   import sys
   import numpy as np
   from sklearn import svm
   if len(sys.argv)!=5:
     print('Usage: %S <tr.npz> <trl.npz> <dv.npz> <dvl.npz>' % sys.arqv[0]);
8
     sys.exit(1);
   tr=np.load(sys.argv[1]); tr=tr[tr.files[0]];
   trl=np.load(sys.argv[2]); trl=trl[trl.files[0]];
12
   dv=np.load(sys.argv[3]);    dv=dv[dv.files[0]];
13
   dvl=np.load(sys.argv[4]); dvl=dvl[dvl.files[0]];
14
15
   # normalizamos las características en [-1,1]
16
   S=max(tr.max(), abs(tr.min())); tr/=S; dv/=S;
17
18
   # probamos diferentes valores para el parámetro de penalización C, C>0,
19
   # y hallamos el error en tr y dv para cada uno de ellos
20
   for C in [1e-3, 1e-2, 1e-1, 1, 1e1, 1e2, 1e3, 1e4]:
21
     clf=svm.SVC(kernel='linear',C=C).fit(tr, trl)
22
     etr=(trl!=clf.predict(tr)).mean();
23
     edv=(dvl!=clf.predict(dv)).mean();
24
     print("%8q %8.2f %8.2f" % (C,etr*100,edv*100));
```

Experimento con el kernel lineal:

```
./linear.py tr.npz trl.npz dv.npz dvl.npz >linear.out &
```

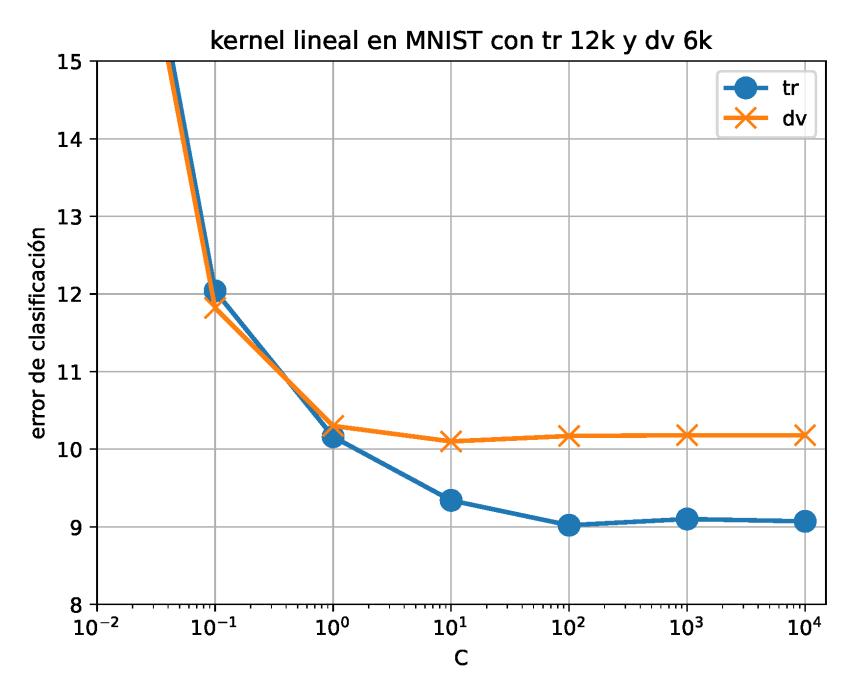
▷ Examinamos el resultado con cat o tail -f:

```
tail -f linear.out
                                linear.out _
   0.001
            88.61
                      88.82
    0.01
            20.20
                      19.82
            12.04
                      11.82
     0.1
            10.16
                      10.30
                      10.10
             9.34
      10
            9.02
                      10.17
     100
             9.10
                      10.18
    1000
                      10.18
   10000
             9.07
```

- \triangleright Observamos que el error en tr y dv decrece al aumentar C hasta 10; luego se estabiliza tanto en tr (9.1) como en dv (10.1)
- \triangleright La debilitación de restricciones ($C \rightarrow 0^+$) no parece ayudar
- \triangleright Con restricciones fuertes $(C \to \infty)$ obtenemos un error cercano al $10\,\%$, lo cual parece indicar que las características originales no son suficientes para "linearizar" los datos

Script para hacer una gráfica con los resultados:

```
linear_plot.py
   #!/usr/bin/env python
   import numpy as np
   import matplotlib.pyplot as plt
4
   d=np.loadtxt('linear.out')
   fig, ax = plt.subplots()
   ax.set title('kernel lineal en MNIST con tr 12k y dv 6k');
   ax.grid();
   ax.set xscale('log');
10
   ax.set_xlim([1e-2,1.5e4]);
11
   ax.set xlabel('C');
12
   ax.set_ylim([8,15]);
13
   ax.set ylabel('error de clasificación');
14
   ax.plot(d[:,0], d[:,1], label='tr', lw=2, marker='o', markersize=10)
15
   ax.plot(d[:,0], d[:,2], label='dv', lw=2, marker='x', markersize=10)
16
   ax.legend();
17
   plt.savefig('linear.pdf');
18
   plt.show();
```





Script para entrenar con todos los datos y guardar el modelo:

```
linear_save.pv
   #!/usr/bin/env python
   import numpy as np
   from sklearn import svm
   import pickle
   tr=np.load('train-images-idx3-ubyte.pca20.npz'); tr=tr[tr.files[0]];
   trl=np.load('train-labels-idx1-ubyte.pca20.npz'); trl=trl[trl.files[0]];
   S=max(tr.max(),abs(tr.min())); tr/=S;
   C=10;
10
   clf=svm.SVC(kernel='linear',C=C).fit(tr,trl);
11
   etr=(trl!=clf.predict(tr)).mean();
   print("%8g %8.2f" % (C,etr*100));
12
   pickle.dump(clf,open('linear_save.clf','wb'));
```

```
./linear_save.py >linear_save.out &

10 9.60
```

```
du -sh linear_save.clf
```

```
3,4M—>linear_save.clf
```

Script para comprobar que el modelo guardado está bien:

```
linear_check.py
   #!/usr/bin/env python
   import numpy as np
   from sklearn import svm
   import pickle
5
   tr=np.load('train-images-idx3-ubyte.pca20.npz');  tr=tr[tr.files[0]];
   trl=np.load('train-labels-idx1-ubyte.pca20.npz'); trl=trl[trl.files[0]];
   S=max(tr.max(),abs(tr.min())); tr/=S;
   clf=pickle.load(open('linear save.clf', 'rb'));
10
   etr=(trl!=clf.predict(tr)).mean();
11
   print("%8g %8.2f" % (clf.C,etr*100));
   pickle.dump(clf,open('linear save.clf','wb'));
12
```

```
./linear_check.py >linear_check.out &

10 9.60
```

4. Ejercicio

- Repite el experimento con el kernel lineal haciendo uso de los otros tres kernels disponibles: poly, rbf y sigmoid
- ▶ Los principales parámetros a explorar son $C \ge 0$ y $\gamma > 0$
 - ▷ poly también depende de d (degree) y r (coef0)
 - ⊳ sigmoid también depende de r (coef0)
- Los resultados con cada kernel deberán presentarse mediante gráficas apropiadas que faciliten su interpretación, siendo de especial interés identificar qué parámetros y valores tienen mayor efecto en el grado de subajuste o sobreajuste de los modelos
 - ▷ Ejemplo: un modelo entrenado con C muy pequeño debilitará mucho las restricciones, por lo que se hallará fuertemente regularizado y posiblemente subajustado (en dv y también en tr)

- Elabora una memoria en pdf que describa los experimentos realizados y resultados obtenidos; en particular, por cada uno de los tres kernels a probar, la memoria debe:
 - Describir los scripts experimentales empleados
 - ▷ Incluir (al menos) una gráfica con los resultados obtenidos
 - Discutir los resultados de la gráfica
 - Proporcionar los valores de los parámetros escogidos para entrenar el modelo final con todos los datos, así como una estimación de su error (con tr)
- Sube la memoria y el modelo final más prometedor (de los tres obtenidos) a la tarea Poliformat de la práctica

 - Si la práctica se hace en pareja, basta que la entregue una persona e indique claramente el nombre de la otra