

径向基函数与自组织特征映射神经网络

机器学习研究室

计算机科学与技术学院
吉林大学

大纲

- 径向基函数
- 径向基函数神经网络
- 广义径向基函数神经网络
- 广义径向基函数神经网络训练算法
- 径向基函数神经网络与多层感知器比较
- 径向基函数神经网络用于分类
- 径向基函数神经网络应用：函数逼近
- 自组织特征映射神经网络

神经网络的典型应用

- 分类问题

$$l = f(\mathbf{x})$$

$$\mathbf{x} \in X \subset R^m$$

$$l \in C \subset N$$

- 函数逼近(回归问题)

$$\mathbf{y} = f(\mathbf{x})$$

$$\mathbf{x} \in X \subset R^n$$

$$\mathbf{y} \in Y \subset R^m$$

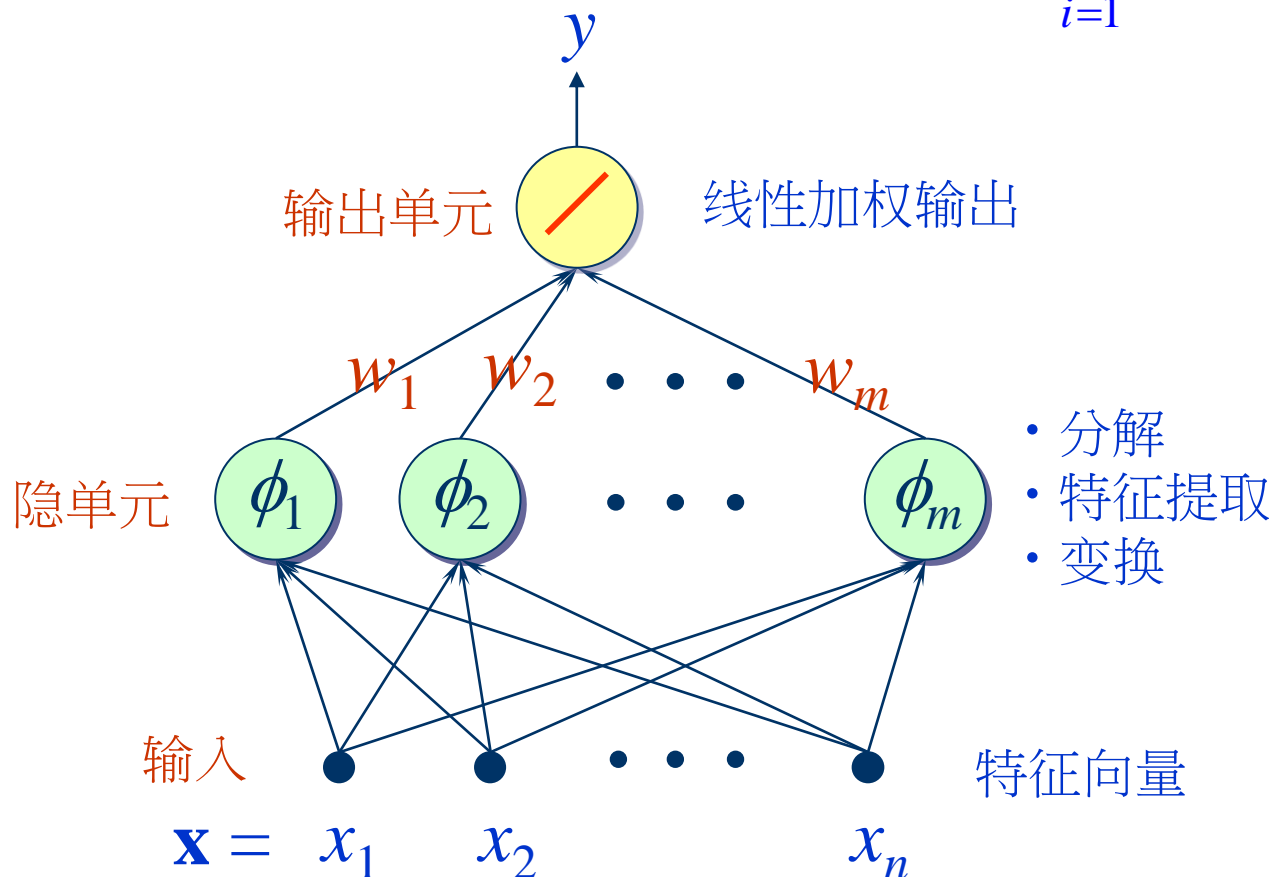
- 时间序列分析

$$\mathbf{x}(t) = f(\mathbf{x}_{t-1}, \mathbf{x}_{t-2}, \mathbf{x}_{t-3}, \dots)$$

神经网络的典型应用

- 函数逼近(回归问题)

$$f(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^m w_i \phi_i(\mathbf{x})$$



径向基函数

径向基函数 (Radial basis function)

- 径向基函数是一个它的值(y)只依赖于变量(x)距原点距离的函数, 即

$$\phi(X) = \phi(\|X\|)$$

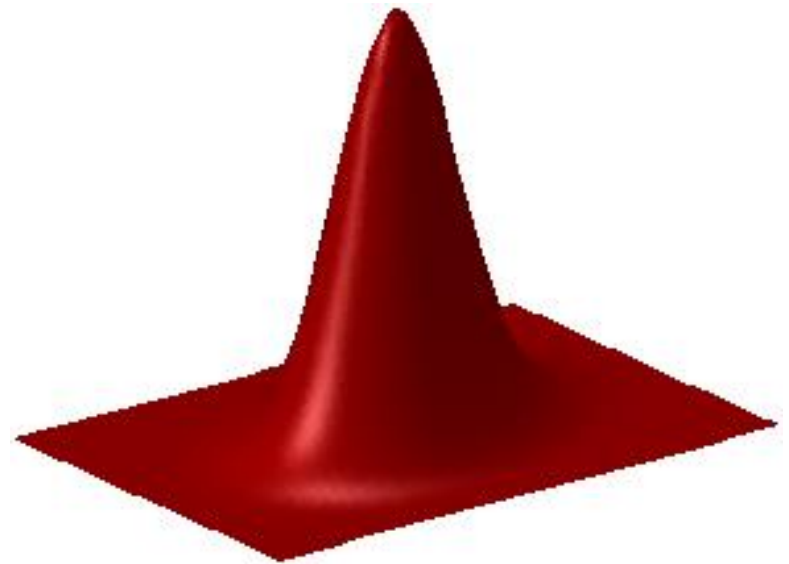
也可以是距其他某个中心点的距离, 即

$$\phi(X) = \phi(\|X - c\|)$$

任一满足 $\phi(X) = \phi(\|X - c\|)$ 的函数都可称作径向函数。其中, 范数一般为欧几里得距离, 不过亦可使用其他距离函数。

径向基函数 (Radial basis function)

- 径向函数 $\phi(X) = \phi(\|X - c\|)$ 包含三个参数:
- 中心: c ;
- 距离度量: $r = \|X - c\|$;
- 形状: ϕ 。



径向基函数 (Radial basis function)

- 常见的径向基函数包括: ($r = \|X - c\|$)

- 高斯函数:

$$\phi(r) = e^{-(\varepsilon r)^2}$$

- 多二次函数 (multiquadric):

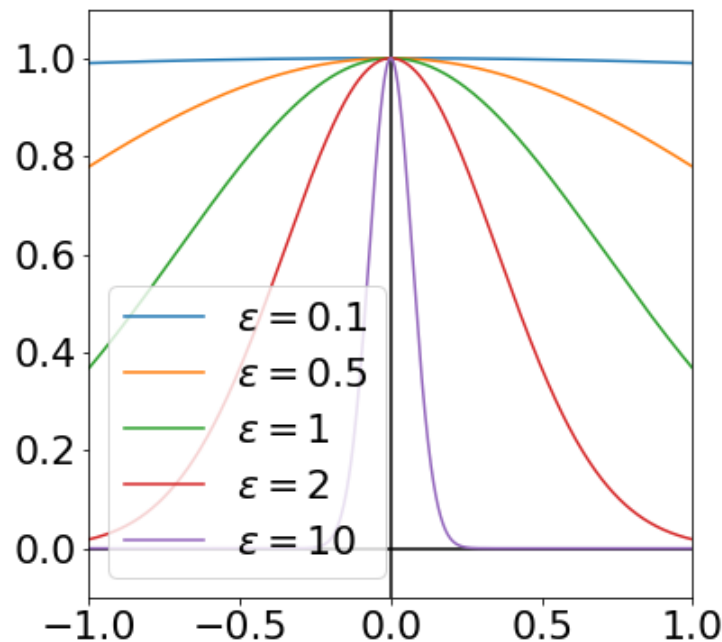
$$\phi(r) = \sqrt{1 + (\varepsilon r)^2}$$

- 逆二次函数 (inverse quadratic):

$$\phi(r) = \frac{1}{1 + (\varepsilon r)^2}$$

- 逆多二次函数 (inverse multiquadric):

$$\phi(r) = \frac{1}{\sqrt{1 + (\varepsilon r)^2}}$$



径向基(RBF)神经网络

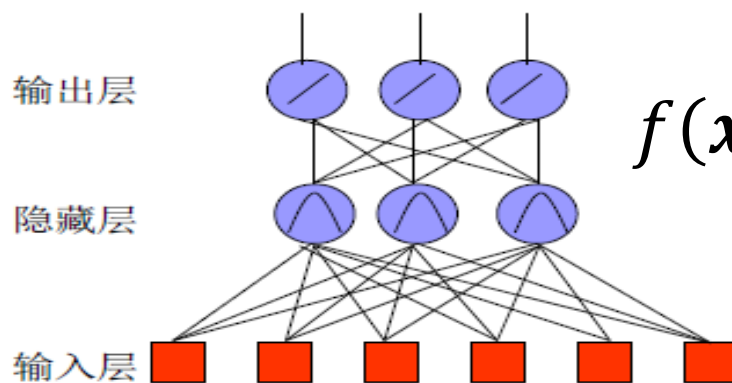
径向基(RBF)神经网络

- 1988--- D Lowe, D Broomhead

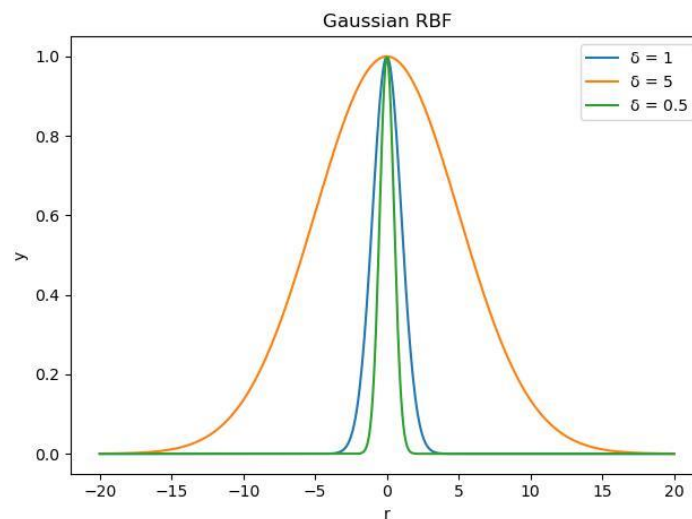
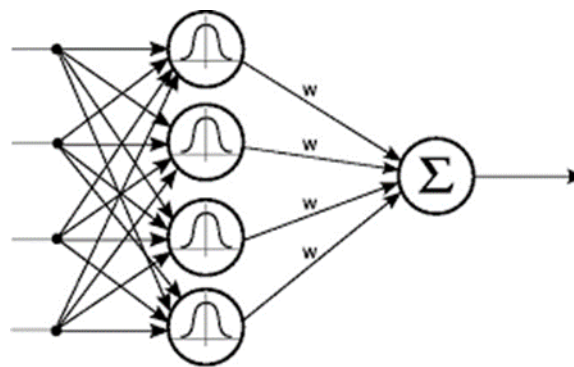
Multivariable functional interpolation and adaptive networks (Complex systems) 被引用次数: 6733

- 径向基函数网络是一种以**径向基函数**作为**激活函数**的人工神经网络。
- 网络的输出是输入和神经元参数的径向基函数的**线性组合**，能够以任意精度逼近任意连续函数。
- 径向基函数网络有许多用途，包括函数逼近、时间序列预测、分类和系统控制。
- **一个隐层**：激活函数为径向函数，例如，高斯函数。
- 神经元的输入离该中心点越远，神经元的激活程度就越低。隐节点的这一特性常被称为“**局部特性**”。

径向基(RBF)神经网络



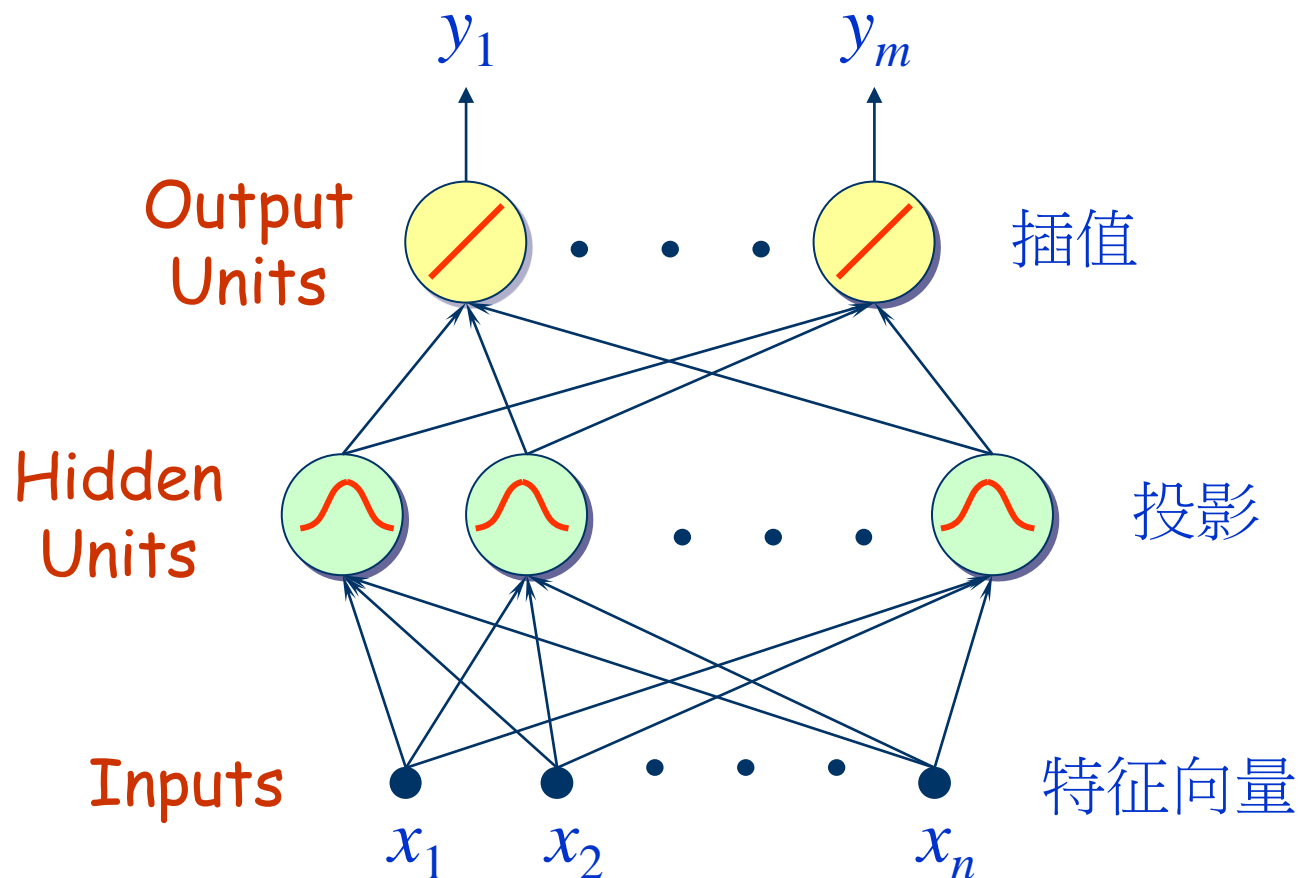
$$f(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^m w_m \phi(\|\mathbf{x} - \mathbf{c}_m\|)$$



径向基(RBF)神经网络

- 函数逼近(回归问题)

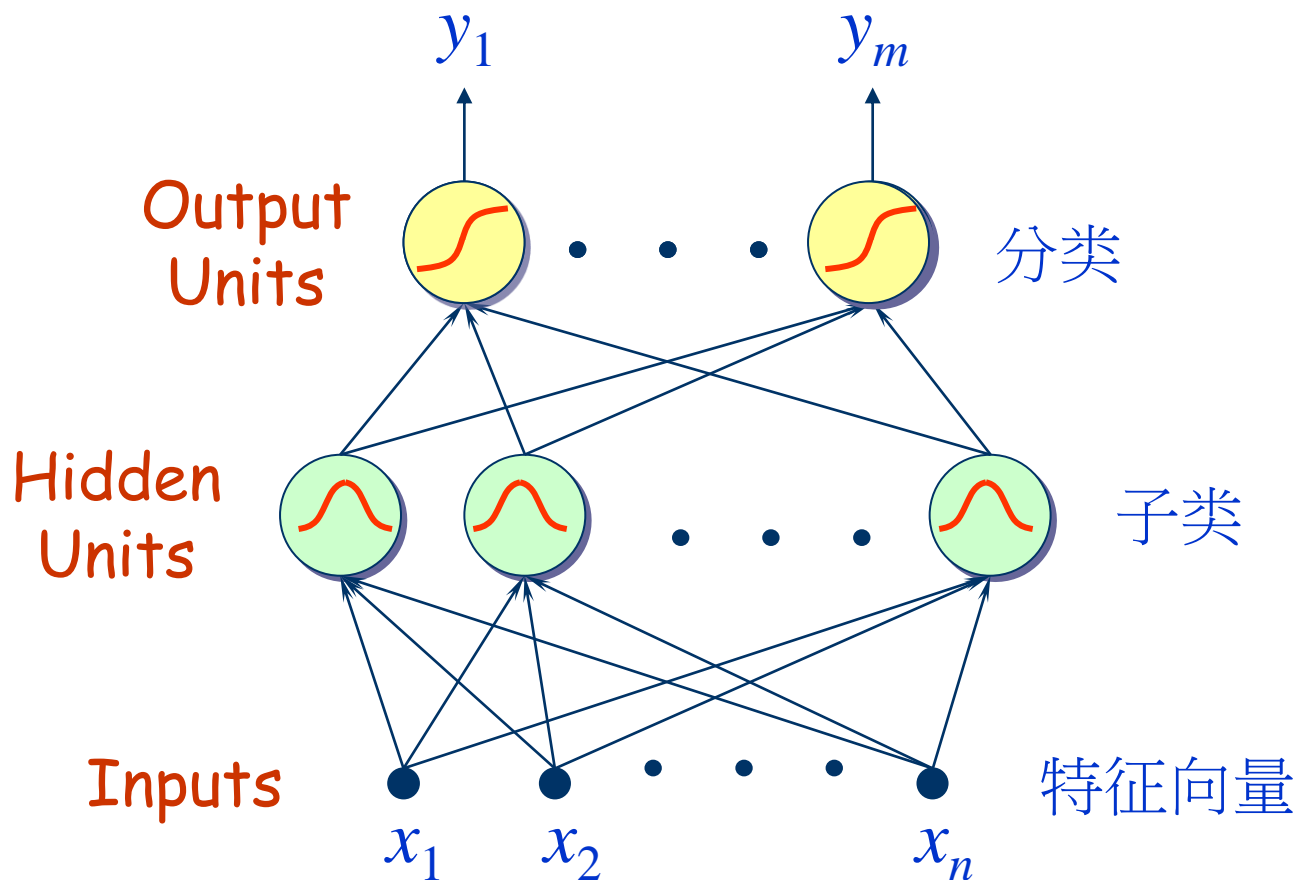
$$f(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^m w_m \phi(\|\mathbf{x} - \mathbf{x}_m\|)$$



径向基(RBF)神经网络

- 分类问题

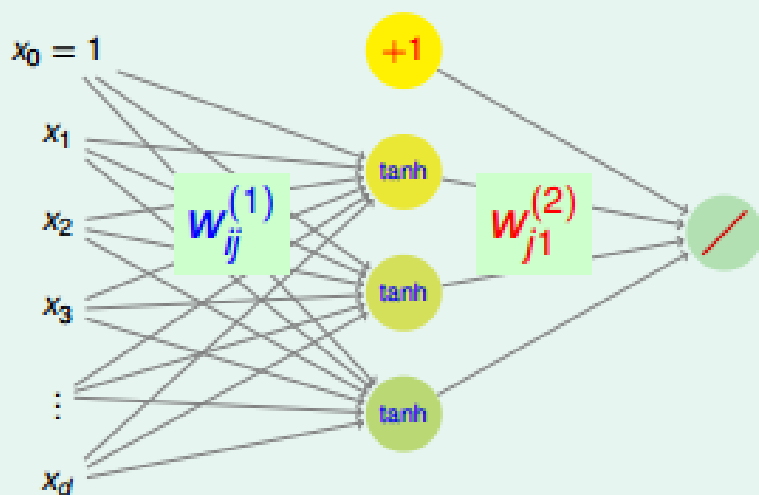
$$f(\mathbf{x}) = \sum_{i=1}^m w_m \phi(\|\mathbf{x} - \mathbf{c}_m\|)$$



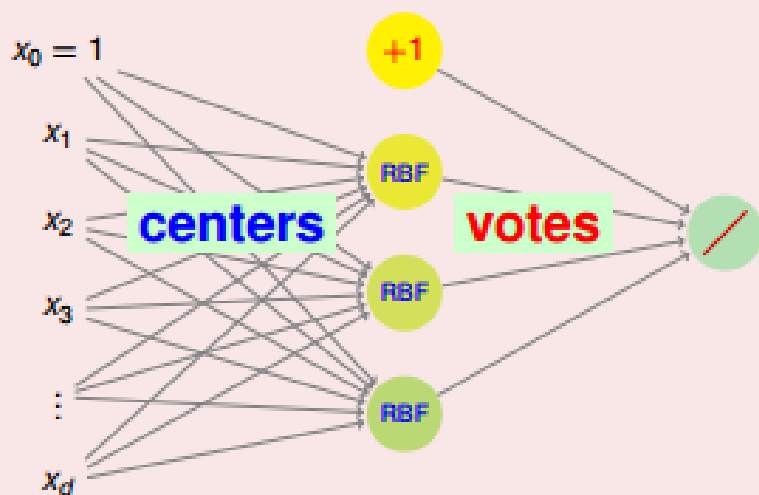
径向基(RBF)神经网络

- RBF网络与经典神经网络的区别

Neural Network



RBF Network



- hidden layer different:
(inner-product + tanh) versus (distance + Gaussian)
- output layer same: **just linear aggregation**

完全径向基(RBF)神经网络

- 径向基神经网络局部函数逼近
- 插值问题描述:
 - 考虑N维空间到一维空间的映射.
- 设N维空间有 P 个输入向量 x_p , $p = 1, 2, \dots, P$. 它们在输入空间相应的目标值为 d_p , $p = 1, 2, \dots, P$. 插值的目的是寻找一个非线性映射函数 $F(x)$, 使得满足下述插值条件

$$F(x_p) = d_p, p = 1, 2, \dots, P$$

完全径向基(RBF)神经网络

径向基函数解决插值问题---1985年Powell

选择 P 个基函数,对应每个训练数据:

$$\phi(\|x - x_p\|), p = 1, 2, \dots, P$$

基函数的自变量为 x 与中心 x_p 的距离,由于距离是径向同性的,因此称径向基函数.基于径向基函数的插值函数定义为基函数的线性组合:

$$f(x) = \sum_{p=1}^P w_p \phi(\|x - x_p\|), p = 1, 2, \dots, P$$

对于任意数据 x_i 代入插值条件, 可得:

$$\sum_{p=1}^P w_p \phi(\|x_i - x_p\|) = d_i, i = 1, 2, \dots, P$$

完全径向基(RBF)神经网络

- 中心点为所有的样本点, ϕ 为参数固定的径向基函数, 因此需要求解的参数只有 w_p 。

令

$$\phi_{ip} = \phi(\|x_i - x_p\|), i, p = 1, 2, \dots, P$$

则可得到关于 w_p 的 P 阶线性方程组。

$$\begin{array}{c} \text{样本1} \\ \text{样本2} \\ \vdots \\ \text{样本P} \end{array} \begin{array}{c} \text{中心1} \quad \text{中心2} \quad \cdots \quad \text{中心P} \\ \left(\begin{array}{cccc} \phi_{11} & \phi_{12} & \cdots & \phi_{1P} \\ \phi_{21} & \phi_{22} & \cdots & \phi_{2P} \\ \vdots & \vdots & & \vdots \\ \phi_{P1} & \phi_{P2} & \cdots & \phi_{PP} \end{array} \right) \left(\begin{array}{c} w_1 \\ w_2 \\ \vdots \\ w_P \end{array} \right) \end{array} = \left(\begin{array}{c} d_1 \\ d_2 \\ \vdots \\ d_P \end{array} \right)$$

完全径向基(RBF)神经网络

写成向量形式为: $\Phi W = d$

称 Φ 为插值矩阵, 若其可逆, 则可由上式解出 W :

$$W = \Phi^{-1}d$$

Micchelli定理给出了 Φ 的可逆性条件:

对于一大类函数, 如果 $\phi_1, \phi_2, \dots, \phi_p$ 各不相同, 则其可逆. 许多径向基函数满足Micchelli定理, 例如

1) 高斯函数:

$$\phi(r) = \exp\left(-\frac{r^2}{2\delta^2}\right)$$

完全径向基(RBF)神经网络

2) Reflected Sigmoidal (反演S型) 函数

$$\phi(r) = \frac{1}{1 + \exp(-\frac{r^2}{\delta^2})}$$

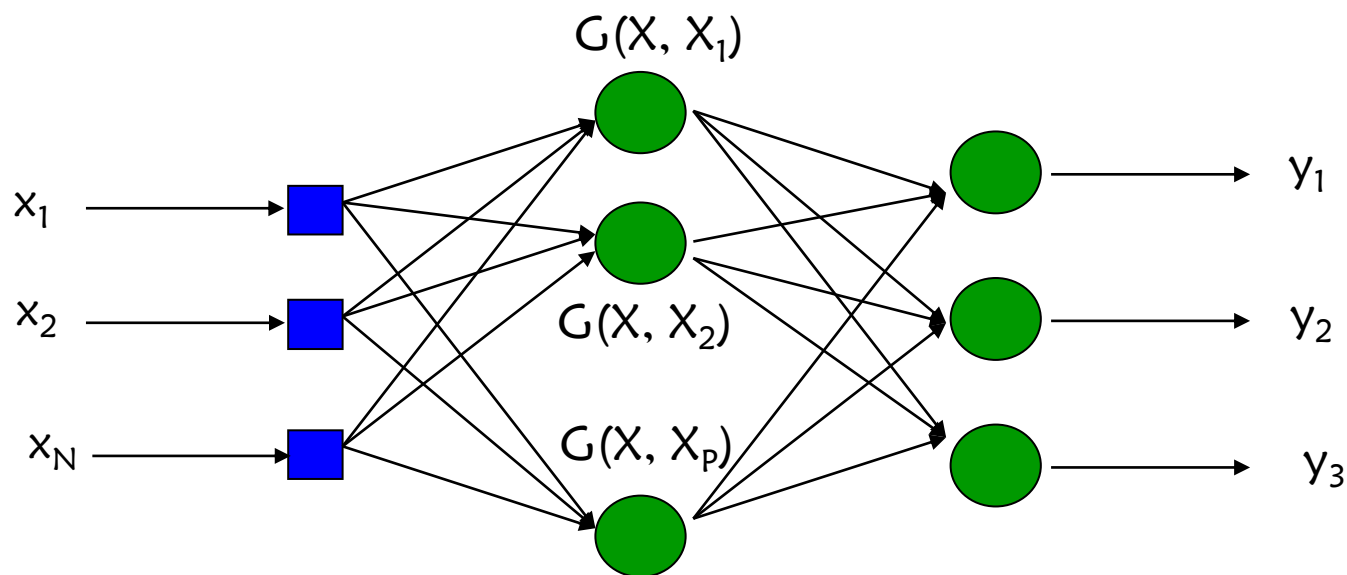
3) Inverse multiquadrics (逆多二次) 函数

$$\phi = \frac{1}{(r^2 + \delta^2)^{1/2}}$$

完全径向基(RBF)神经网络

完全内插存在的问题(正则化RBF网络):

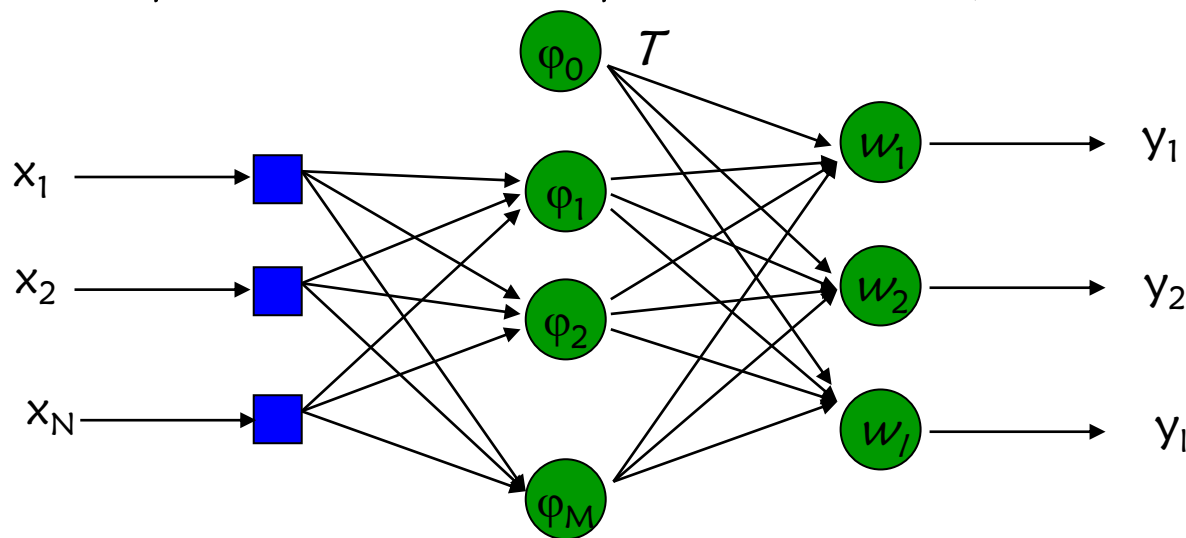
- 1) 经过所有训练数据点, 当存在噪声时, 泛化能力差
- 2) 径向基函数数目与训练样本数相同, 当训练样本数远远大于系统的固有自由度时, 问题是超定的, 插值矩阵求逆容易不稳定



广义径向基(RBF)神经网络

广义RBF网络

- 1) 径向基函数数目 M 与训练样本数 P 不同, 且一般 $M \ll P$
- 2) 径向基函数的中心不再限制在数据点上, 由训练确定
- 3) 各径向基函数的扩展常数不再统一, 由训练确定
- 4) 输出函数的线性中包含阈值参数, 用于补偿函数在样本集上的平均值与目标之平均值之间的差别

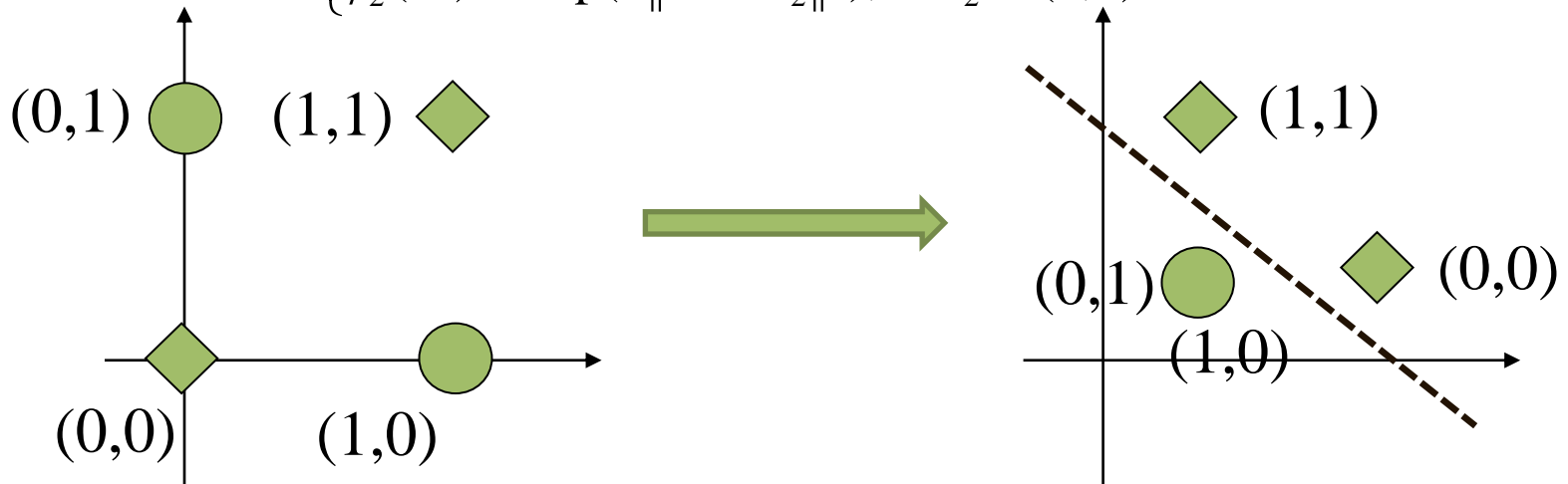


$$f(x) = \alpha \left(\sum_{i=1}^m w_m \phi(\|x - c_m\|) \right)$$

$$\phi(r) = \exp\left(-\frac{r^2}{2\delta^2}\right)$$

广义RBF网络

RBF网络将输入空间的模式点非线性映射到一个高维空间的做法是:设置一隐层,令 $\phi(X)$ 为隐节点的激活函数,并令隐节点数 M 大于等于输入节点数 N . 若 M 足够大,则在隐空间是线性可分的.从隐层到输出层可采用与感知器类似的解决线性可分问题的算法. 如:

$$\begin{cases} \phi_1(X) = \exp(-\|X - C_1\|^2), & C_1 = (1,1) \\ \phi_2(X) = \exp(-\|X - C_2\|^2), & C_2 = (0,0) \end{cases}$$


广义径向基神经网络的 训练算法

广义RBF网络的学习算法

结构设计(多凭经验)和参数学习(3种参数:各基函数的中心,扩展常数以及输出节点的权值)

- 输出节点的权值一般由有监督的学习算法确定
- 各基函数的中心及扩展常数可由下列三种方法确定:

1) 数据中心从样本中选取:样本密集的地方中心多些,稀疏的地方少些.若数据均匀分布,中心也可均匀分布.总之,选出的数据中心应有代表性.扩展常数由分布确定,如 $\delta = d_{max}/\sqrt{2M}$, d_{max} 是数据中心的最大距离, M 是中心数目.

2) 数据中心的聚类选择(k-means, SOM)

3) 数据中心的监督学习算法

广义RBF网络的聚类学习算法

如何确定各基函数的中心?

首先估计中心的数目 M , 设 $C(k)$ 表示第 k 次迭代时的中心.

1) 初始化中心: $c_1(0), c_2(0), \dots, c_M(0)$

2) 计算各样本点与聚类中心的欧氏距离:

$$\|X_p - c_j(k)\|, p = 1, 2, \dots, P; j = 1, 2, \dots, M$$

3) 相似匹配: 当 $\|X_p - c_{j^*}(k)\| = \min_j \|X_p - c_j(k)\|, p = 1, 2, \dots, P$ 时,
 X_p 被归为第 j^* 类.

4) 更新各类聚类中心

(i) 均值方法(k-means) $c_j(k+1) = \frac{1}{N_j} \sum_{X \in U_j(k)} X$

(ii) 竞争学习算法(SOM)
$$c_j(k+1) = \begin{cases} c_j(k) + \eta[X_p - c_j(k)] & j = j^* \\ c_j(k) & j \neq j^* \end{cases}$$

广义RBF网络的聚类学习算法

5) $k++$, 若不满足终止条件 ($C(k)$ 的改变两小于阈值), 则转2

扩展常数的确定: 设 $d_j = \min_i \|c_j - c_i\|$ (所有中心点最小距离), 则扩展常数可取为 $\delta_j = \lambda \cdot d_j$

输出层权值的确定:

(i) 最小均方算法(类似线性回归)

(ii) 伪逆法: 令 $\varphi_{pj} = \varphi(\|X_p - c_j\|)$, $p = 1, 2, \dots, P$; $j = 1, 2, \dots, M$

则隐层输出矩阵为 $\hat{\Phi} = (\varphi_{pj})_{P \times M}$,

令 $W = (w_1, w_2, \dots, w_M)$, 则

$$F(X) = \hat{\Phi} W = d \longrightarrow W = \hat{\Phi}^+ d$$

$$\hat{\Phi}^+ = (\hat{\Phi}^T \hat{\Phi})^{-1} \hat{\Phi}^T$$

广义RBF网络的数据中心的监督学习算法

● 广义RBF网络的数据中心的监督学习算法

类似BP算法的梯度下降方法(假定单输出):

$$E = \frac{1}{2} \sum_{i=1}^P e_i^2 = \frac{1}{2} \sum_{i=1}^P (d_i - F(x_i))^2 = \frac{1}{2} \sum_{i=1}^P \left(d_i - \sum_{j=1}^M w_j G(\|X_i - c_j\|) \right)^2$$

$$\Delta c_j = -\eta \frac{\partial E}{\partial c_j} \quad \Delta \delta_j = -\eta \frac{\partial E}{\partial \delta_j} \quad \Delta w_j = -\eta \frac{\partial E}{\partial w_j} \quad G(r) = \exp\left(-\frac{r^2}{2\delta^2}\right)$$

$$\Delta c_j = \eta \frac{w_j}{\delta_j^2} \sum_{i=1}^P e_i G(\|X_i - c_j\|) (X_i - c_j)$$

$$\Delta \delta_j = \eta \frac{w_j}{\delta_j^3} \sum_{i=1}^P e_i G(\|X_i - c_j\|) \|X_i - c_j\|^2$$

$$\Delta w_j = \eta \sum_{i=1}^P e_i G(\|X_i - c_j\|)$$

广义RBF网络的数据中心的监督学习算法

类似BP算法的梯度下降方法(每个数据修正一次):

$$E = \frac{1}{2} e^2$$

$$\Delta c_j = \eta \frac{w_j}{\delta_j^2} e G(\|X - c_j\|) (X - c_j)$$

$$\Delta \delta_j = \eta \frac{w_j}{\delta_j^3} e G(\|X - c_j\|) \|X - c_j\|^2$$

$$\Delta w_j = \eta e G(\|X - c_j\|)$$

广义径向基神经网络与多层感知器比较

RBF网络与多层感知器MLP的比较

•Classification

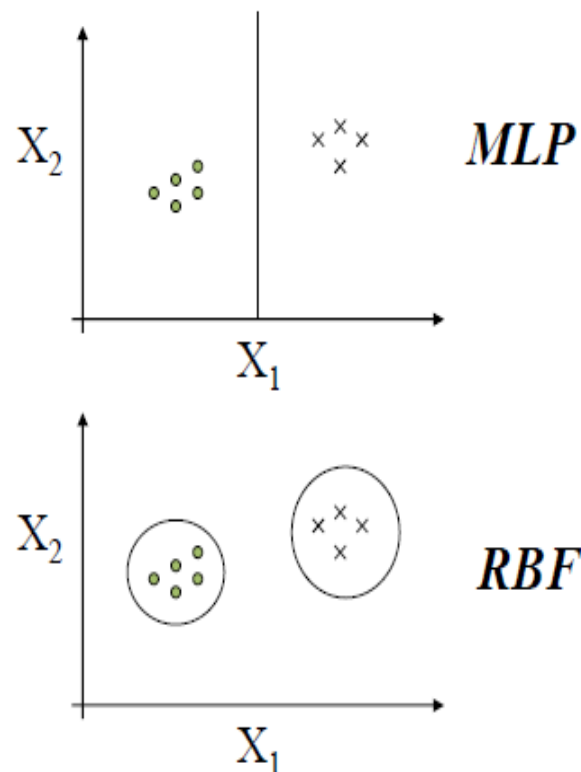
- MLPs 通过**超平面**分类
- RBFs 通过**超球体**分类

•Learning

- MLPs 使用全局化学习
- RBFs 使用局部化学习
- RBFs 训练更快
- RBFs : 局部近似快速学习

•Structure

- MLPs 有一个或多个隐藏层
- RBFs 只有一个隐藏层
- RBFs 需要更多的隐藏神经元 => 维数灾难



RBF网络与多层感知器MLP的比较

- **Relationship**

- RBF: 隐层为非线性，输出层为线性或非线性。
- MLP: 隐层和输出层对于分类是非线性的，而输出层对于非线性回归是线性的。

- **Solution**

- RBF: 求解析解简单
 - MLP: 求解析解困难
-

径向基函数神经网络用于分类

RBFN for classification

- 通过测量输入与训练集样本的相似度。
- 每个RBFN神经元存储一个代表，它只是训练集中的一个例子。
- 每个RBF神经元计算输入与其代表向量(取自训练集)之间的相似性度量。
- 当对新输入进行分类时，每个神经元计算输入与其代表之间的欧几里得距离，输出一个介于0到1之间的值，作为相似性的度量。
- 相似函数的选择==激活函数的选择。
- 粗略地说，如果输入更接近于A类代表而不是B类代表，则将其归类为A类。



径向基函数神经网络应用实例： 函数逼近

应用实例：函数逼近

- 构造一个RBF网络类

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import os

class RBFnetwork(object):
    def __init__(self, hidden_nums, r_w, r_c, r_sigma):
        self.h = hidden_nums          #隐含层神经元个数
        self.w = 0                     #线性权值
        self.c = 0                     #神经元中心点
        self.sigma = 0                 #高斯核宽度
        self.r = {"w":r_w,
                  "c":r_c,
                  "sigma":r_sigma}    #参数迭代的学习率
        self.errList = []              #误差列表
        self.n_iters = 0               #实际迭代次数
        self.tol = 1.0e-5               #最大容忍误差
        self.X = 0                     #训练集特征
        self.y = 0                     #训练集结果
        self.n_samples = 0             #训练集样本数量
        self.n_features = 0            #训练集特征数量
```

应用实例：函数逼近

- 定义训练过程中用到的函数

#计算径向基距离函数

```
def guass(self, sigma, X, ci):  
    return np.exp(-np.linalg.norm((X-ci), axis=1)**2/(2*sigma**2))
```

#将原数据高斯转化成新数据

```
def change(self, sigma, X, c):  
    newX = np.zeros((self.n_samples, len(c)))  
    for i in range(len(c)):  
        newX[:,i] = self.guass(sigma[i], X, c[i])  
    return newX
```

#初始化参数

```
def init(self):  
    sigma = np.random.random((self.h, 1))           #(h,1)  
    c = np.random.random((self.h, self.n_features)) #(h,n)  
    w = np.random.random((self.h+1, 1))             #(h+1,1)  
    return sigma, c, w
```

应用实例：函数逼近

- 定义训练过程中用到的函数

#给输出层的输入加一列截距项

```
def addIntercept(self, X):  
    return np.hstack((X,np.ones((self.n_samples,1))))
```

#计算整体误差

```
def calSSE(self, prey, y):  
    return 0.5*(np.linalg.norm(prey - y))**2
```

#求L2范数的平方

```
def l2(self, X, c):  
    m,n = np.shape(X)  
    newX = np.zeros((m, len(c)))  
    for i in range(len(c)):  
        newX[:,i] = np.linalg.norm((X-c[i]), axis=1)**2  
    return newX
```

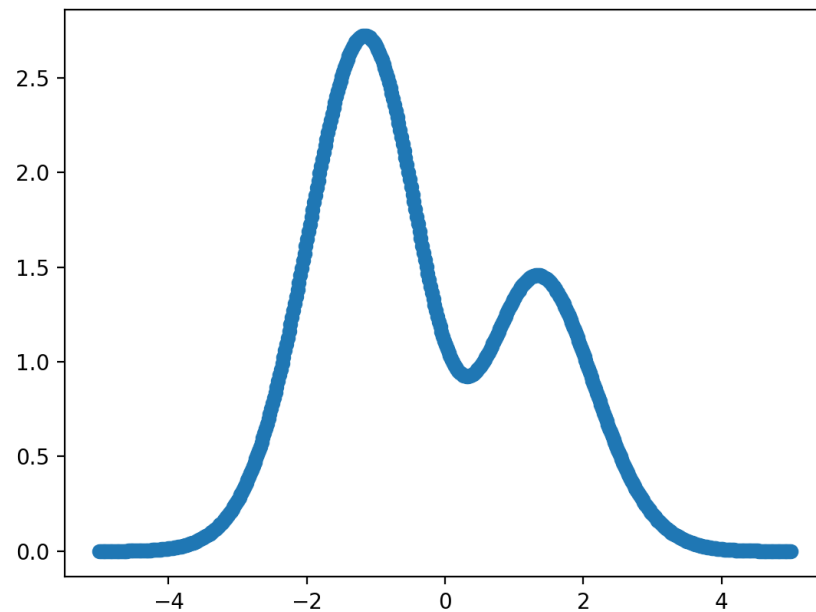
应用实例：函数逼近

• 训练函数

```
#训练
def train(self, X, y, iters):
    self.X = X
    self.y = y.reshape(-1,1)
    self.n_samples, self.n_features = X.shape
    sigma, c, w = self.init() #初始化参数
    for i in range(iters):
        ##正向计算过程
        hi_output = self.change(sigma,X,c) #隐含层输出(m,h)，即通过径向
        yi_input = self.addIntercept(hi_output) #输出层输入(m,h+1)，因为是纵
        yi_output = np.dot(yi_input, w) #输出预测值(m,1)
        error = self.calSSE(yi_output, y) #计算误差
        if error < self.tol:
            break
        self.errList.append(error) #保存误差
        ##误差反向传播过程
        deltaw = np.dot(yi_input.T, (yi_output-y)) # (h+1,m)x(m,1)
        w -= self.r['w']*deltaw/self.n_samples
        deltasigma = np.divide(np.multiply(np.dot(np.multiply(hi_output,self.l2(X,
            (yi_output-y)), w[:-1])), sigma**3) # (h,m)x(m,1)
        sigma -= self.r['sigma']*deltasigma/self.n_samples
        deltac1 = np.divide(w[:-1],sigma**2) # (h,1)
        deltac2 = np.zeros((1,self.n_features)) # (1,n)
        for j in range(self.n_samples):
            deltac2 += (yi_output-y)[j]*np.dot(hi_output[j], X[j]-c)
        deltac = np.dot(deltac1,deltac2) # (h,1)x(1,n)
        c -= self.r['c']*deltac/self.n_samples
    self.c = c
    self.w = w
    self.sigma = sigma
    self.n_iters = i
```

应用实例：函数逼近

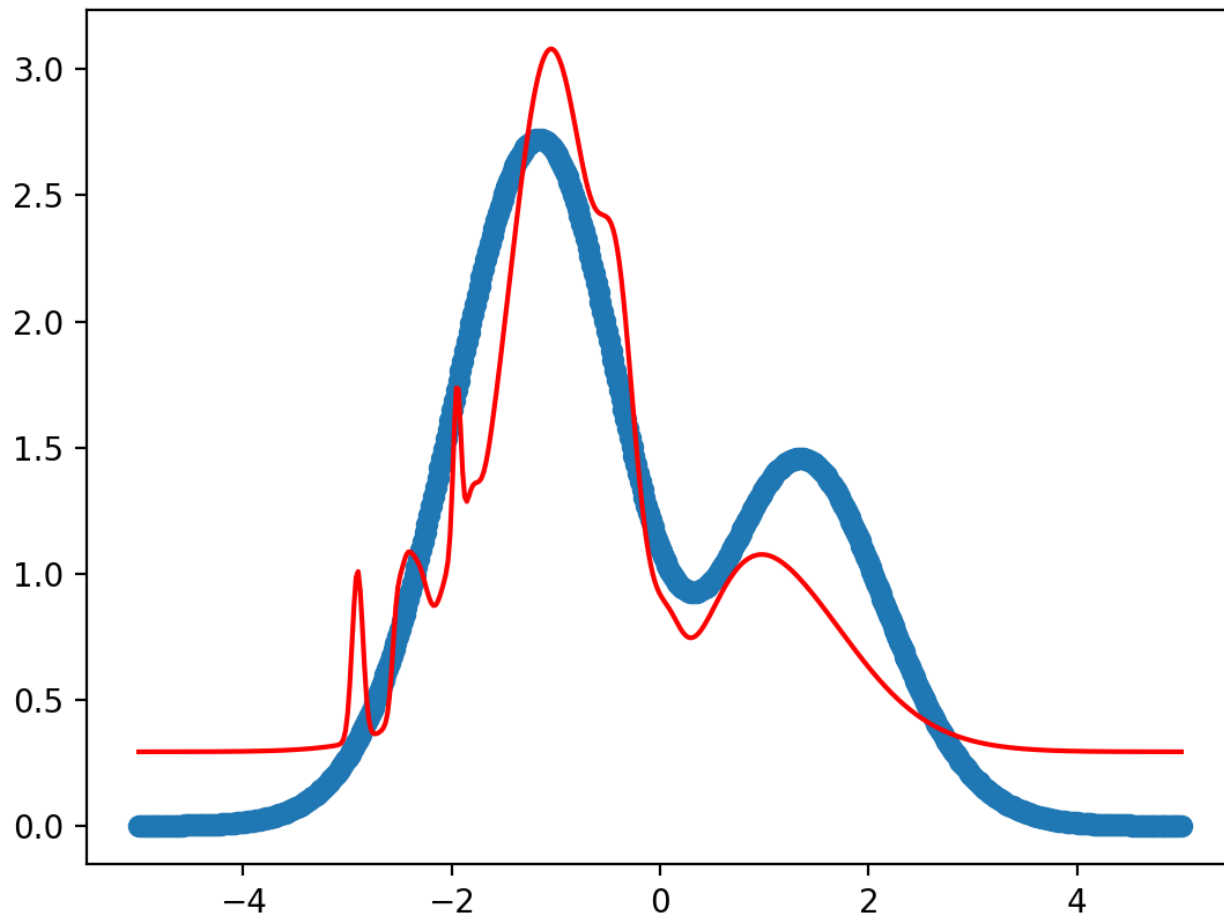
- 拟合的是Hermit多项式



```
if __name__ == "__main__":  
    #拟合Hermit多项式  
    X = np.linspace(-5, 5, 500)[: , np.newaxis]  
    y = np.multiply(1.1*(1-X+2*X**2), np.exp(-0.5*X**2))  
    rbf = RBFnetwork(50, 0.1, 0.2, 0.1)  
    rbf.train(X, y, 1000)
```

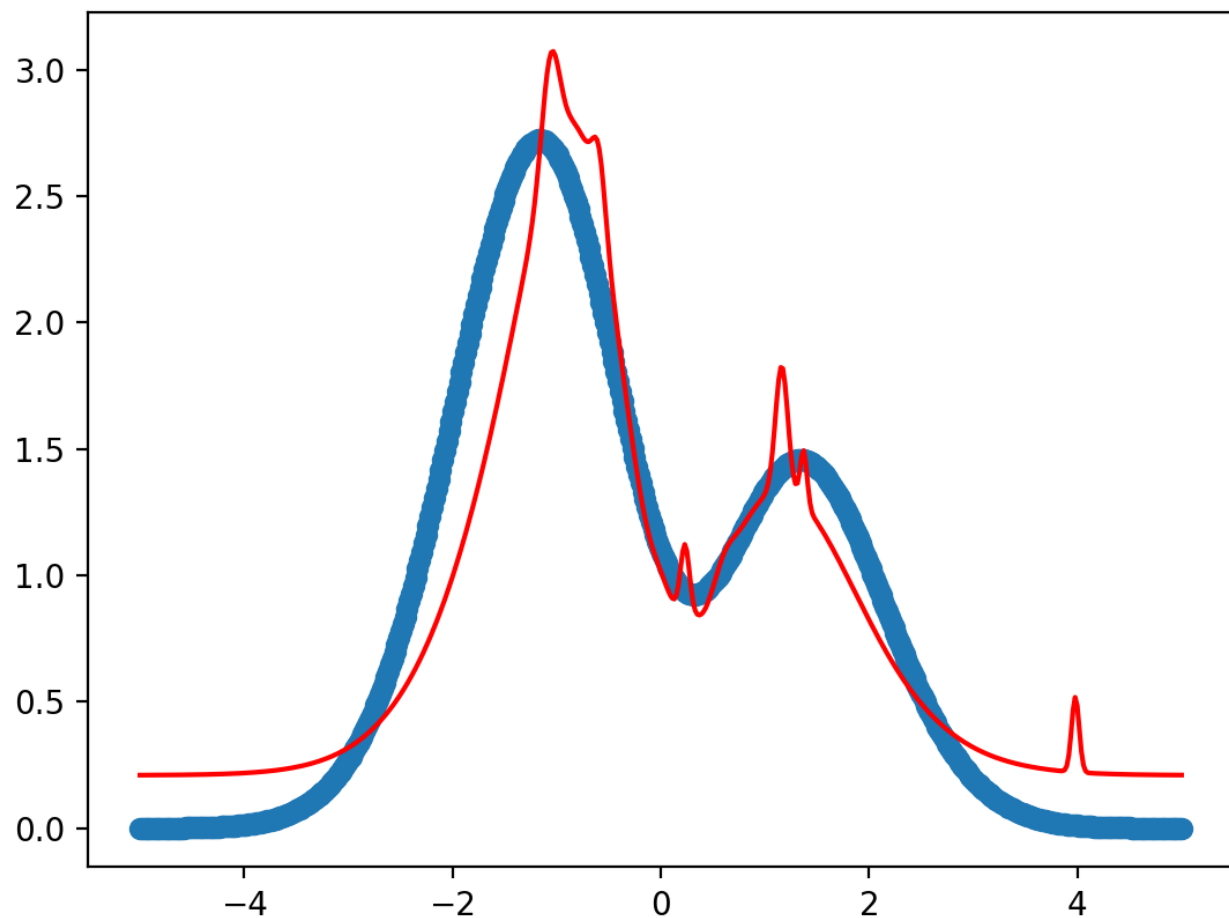

应用实例：函数逼近

- 第0轮迭代:



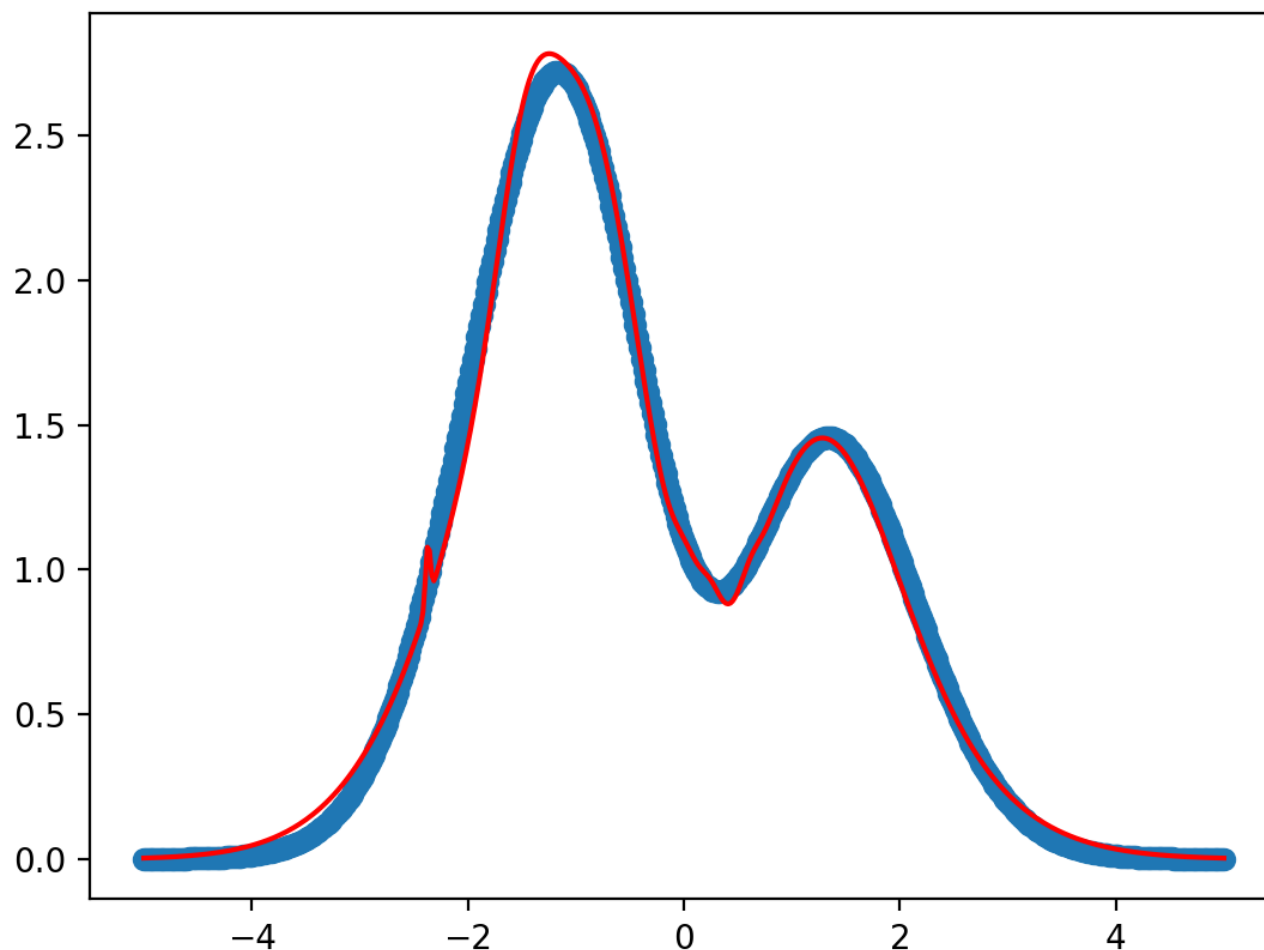
应用实例：函数逼近

- 第100轮迭代：



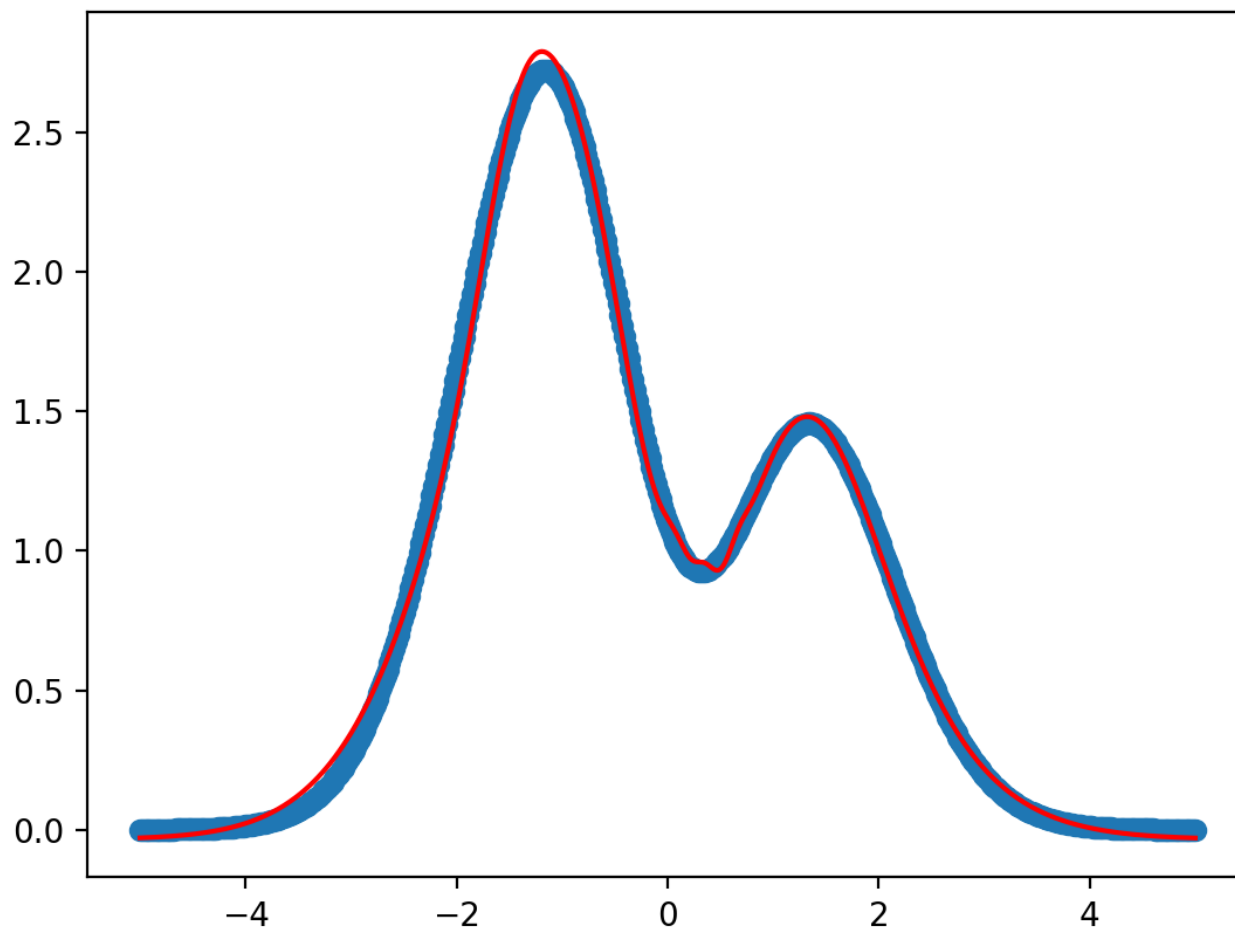
应用实例：函数逼近

- 第500轮迭代：



应用实例：函数逼近

- 第1000轮迭代：



自组织特征映射神经网络

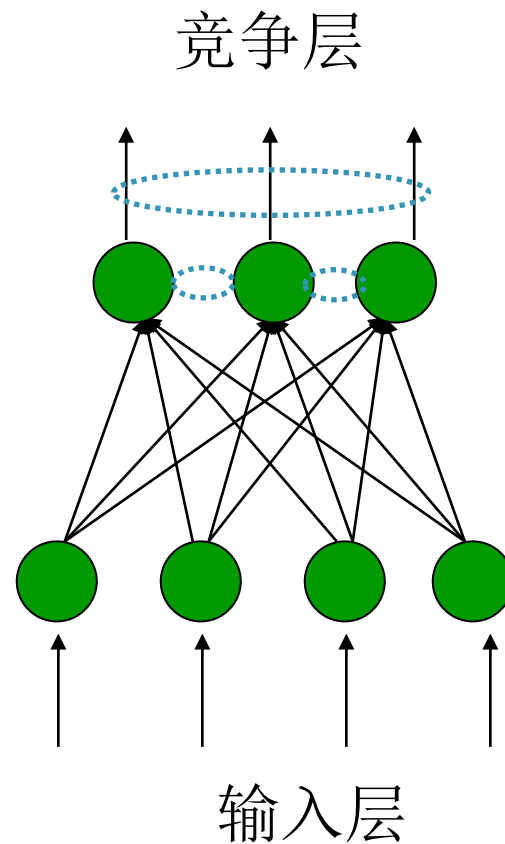
自组织特征映射神经网络

- 自组织映射(SOM)或自组织特征映射(SOFM)由Kohonen教授于1981年提出，是一种无监督机器学习技术，用于生成高维数据集的低维(通常是二维)表示，同时保留数据的拓扑结构。
- 不同于一般神经网络基于损失函数的反向传递来训练，它运用竞争学习(competitive learning)策略,依靠神经元之间互相竞争逐步优化网络。且使用近邻关系函数(neighborhood function)来维持输入空间的拓扑结构。

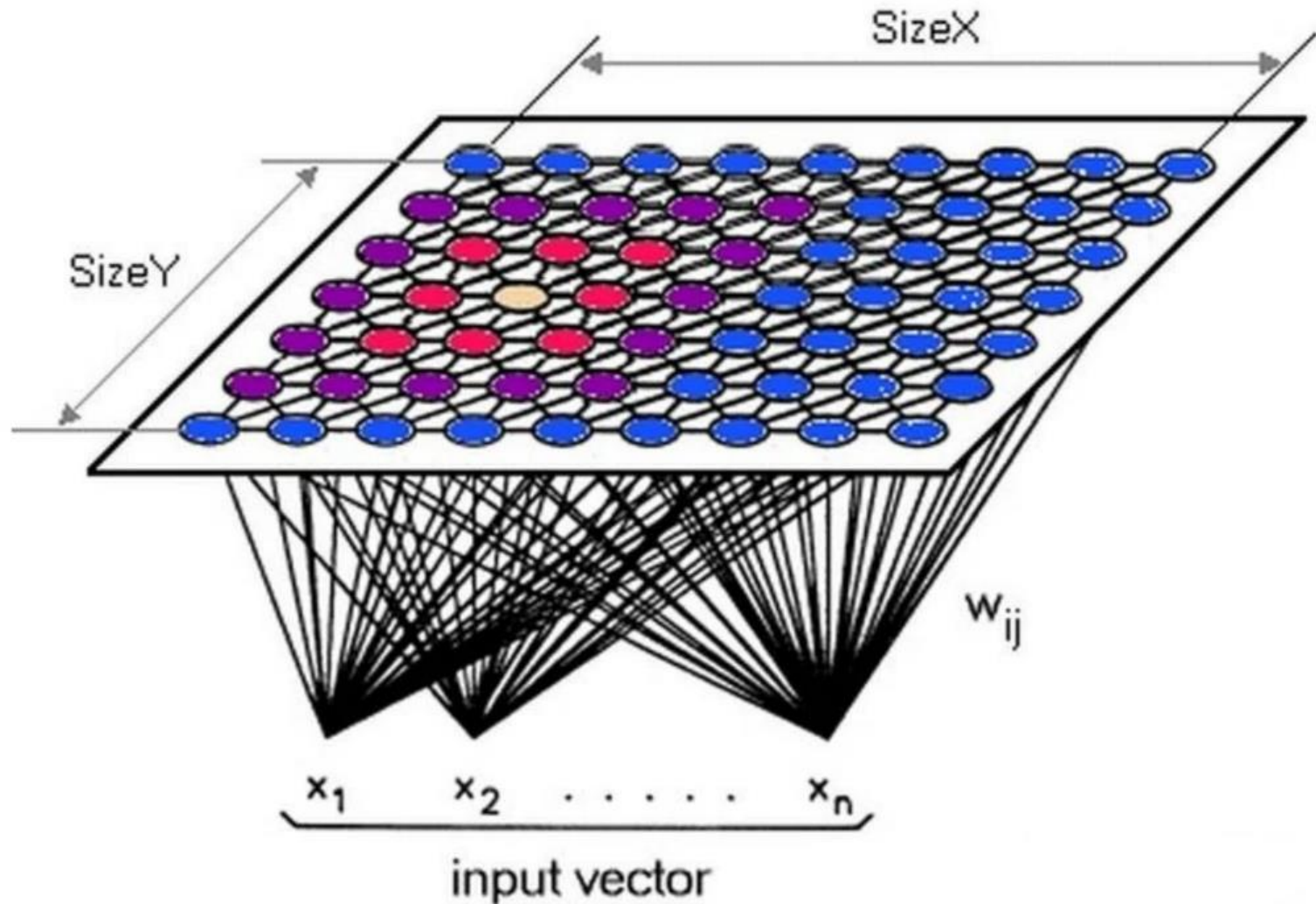
自组织特征映射神经网络

主要特点：

- 神经网络，竞争学习策略
- 无监督学习，不需要额外标签
- 非常适合高维数据的可视化，能够维持输入空间的拓扑结构
- 具有很高的泛化能力，它甚至能识别之前从没遇过的输入样本
- SOM的权重存储了竞争层每个节点的特征



自组织特征映射神经网络



自组织特征映射神经网络

竞争学习策略

侧抑制与竞争：在生物的神经细胞中存在一种侧抑制现象，即当一个神经细胞兴奋后，会对其周围的神经细胞产生抑制作用，从而产生竞争。开始时可能多个细胞同时兴奋，但一个兴奋程度最强的神经细胞对周围神经细胞的抑制作用也越强，其结果使周围细胞兴奋度减弱。这种抑制作用一般满足某种分布关系。最简单是“胜者为王”。

自组织特征映射神经网络

- Kohonen规则聚类

- 1) 先随机初始化k个聚类中心点;
- 2) 然后每次选出一个样本，将离它最近的聚类中心往它移动，使该聚类中心更靠近它，如此反复m次，具体更新法则如下：

$$w_k = w_k + lr * (x - w_k)$$

其中

w_k ：离样本最近的聚类中心点

lr：学习率



自组织特征映射神经网络

- “胜者为王”学习策略

- 1) 向量归一化: $X \rightarrow \hat{X}, w_j \rightarrow \hat{w}_j$

- 2) 寻找获胜神经元 (欧式距离):

$$\|\hat{X} - \hat{w}_{j*}\| = \min_{1 \leq j \leq m} \{\|\hat{X} - \hat{w}_j\|\}$$

$$\|\hat{X} - \hat{w}_{j*}\| = \sqrt{(\hat{X} - \hat{w}_{j*})^T (\hat{X} - \hat{w}_{j*})} = \sqrt{\hat{X}^T \hat{X} - 2\hat{w}_{j*}^T \hat{X} + \hat{w}_{j*}^T \hat{w}_{j*}} = \sqrt{2(1 - \hat{w}_{j*}^T \hat{X})}$$

等价于求最大点积问题 (正是竞争层神经元的输入)

$$\hat{w}_{j*}^T \hat{X} = \max_{j \in \{1, 2, \dots, m\}} (\hat{w}_j^T \hat{X})$$

- 3) 网络输出与权值调整

$$\begin{cases} W_{j*}(t+1) = \hat{w}_{j*}(t) + \alpha(\hat{X} - \hat{w}_{j*}) \\ W_j(t+1) = W_j(t) \end{cases} \quad j \neq j^*$$

$$O_j(t+1) = \begin{cases} 1 & j = j^* \\ 0 & j \neq j^* \end{cases}$$

自组织特征映射神经网络

自组织映射神经网络(SOFM)的学习算法:

1)权重初始化: $w_j \rightarrow \hat{w}_j$, $j = 1, 2, \dots, m$; $N_{j^*}(0)$; $\eta(0)$

2)样本选择: 从训练集中随机选取一个输入样本并归一化

$$X^p \rightarrow \hat{X}^p, \quad p \in \{1, 2, \dots, P\}$$

3)寻找获胜神经元(竞争过程): $\hat{w}_{j^*}^T \hat{X}^p = \max_{j \in \{1, 2, \dots, m\}} (\hat{w}_j^T \hat{X}^p)$

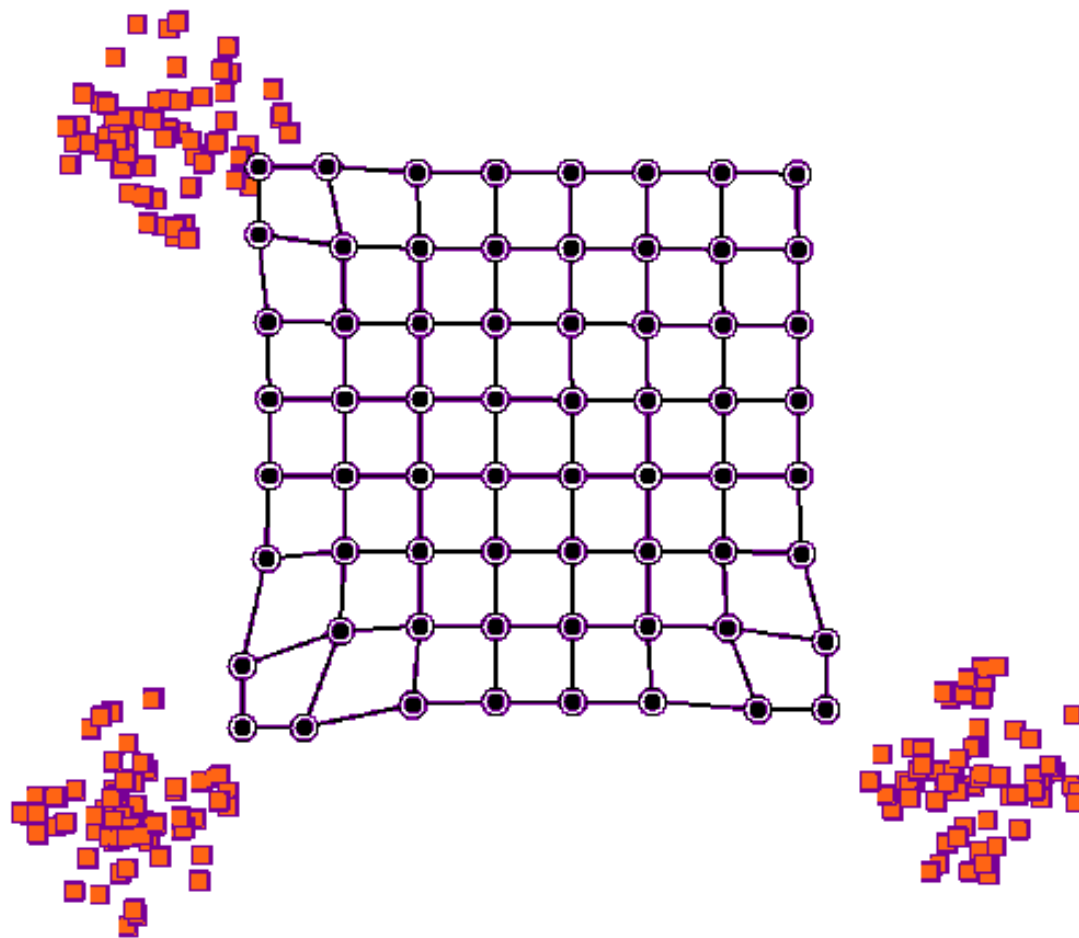
4)定义优胜邻域(自组织过程) $N_{j^*}(t)$: 一般初始时较大,以后逐渐收缩,可正方形,六角形等

5)调整权值: $w_{ij}(t+1) = w_{ij}(t) + \eta(t, N)[x_i^p - w_{ij}(t)]$, $i = 1, 2, \dots, n$; $j \in N_{j^*}(t)$

$$\eta(t, N): \quad t \uparrow \rightarrow \eta \downarrow, N \uparrow \rightarrow \eta \downarrow \quad \text{如: } \eta(t, N) = \eta(t)e^{-N}$$

6)结束检查: $\eta(t)$ 是否衰减到足够小(不存在输出误差概念)

自组织特征映射神经网络



自组织特征映射神经网络

SOM学习算法实现细节:

1) 权重初始化:

- 随机初始化 Random initialization
- 随机样本初始化 Initialization using initial samples
- 线性初始化 Linear initialization

2) 计算优胜节点:

- 优胜节点是指与样本特征相似度最高(距离最近)的竞争层节点。在预处理输入样本时可以考虑进行标准化(均值为0, 标准差为1); 这样有助于使每个特征对于计算相似度的贡献相同。

自组织特征映射神经网络

SOM学习算法实现细节:

3) 计算邻域函数:

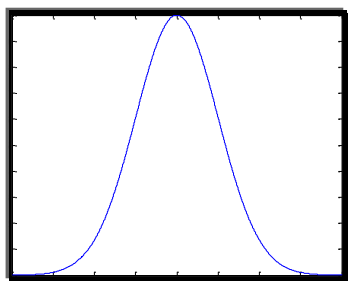
- 邻域函数用来确定优胜节点对其余所有节点的影响，以权重的形式体现。距离优胜节点越近的节点对应的权重越高，距离优胜节点越远的节点对应的权重越低。权重影响更新幅度，因此优胜邻域内的节点具有较大的更新程度。常用的邻域函数包括：
 - ① Gaussian函数;
 - ② Bubble函数。

自组织特征映射神经网络

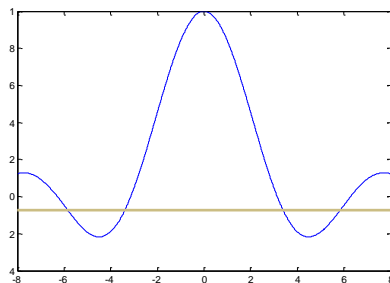
SOM学习算法实现细节:

3) 计算邻域函数:

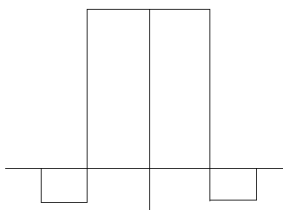
权值调整域: 由近及远, 由兴奋转为抑制



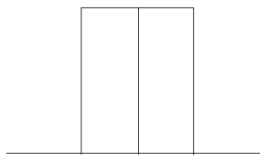
正态分布型



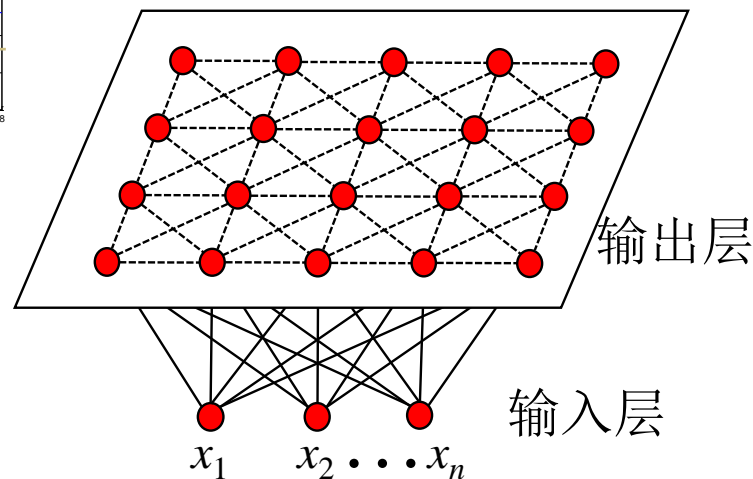
墨西哥帽型



大礼帽型



厨师帽型



自组织特征映射神经网络

SOM学习算法实现细节:

4) 学习率和邻域半径的衰减:

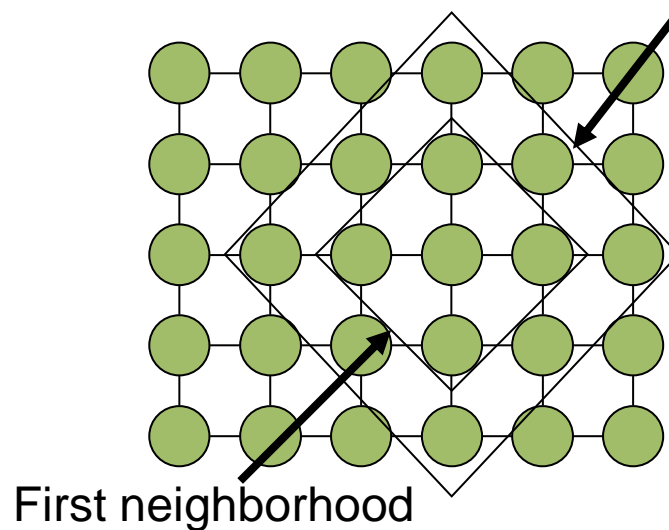
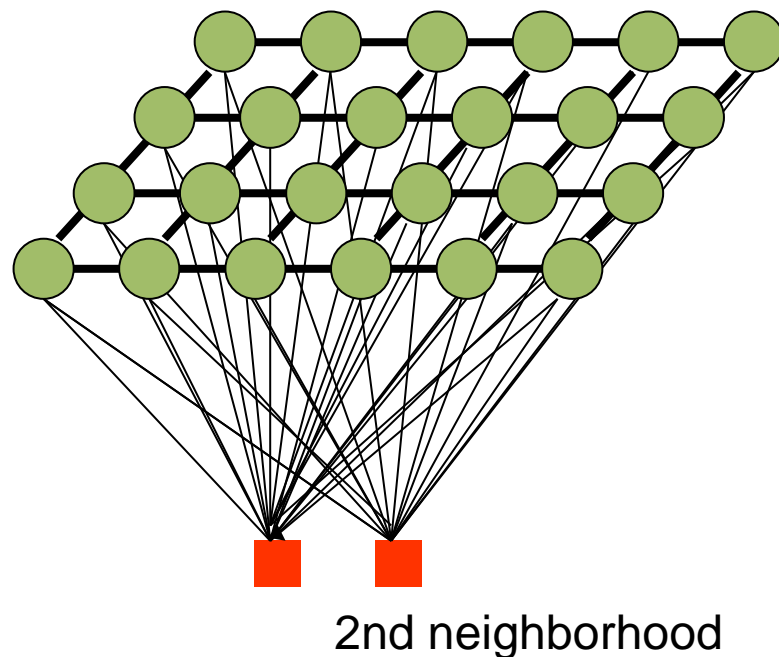
随着迭代次数的增大, 学习率 η 应该逐步减少, 以促进模型的收敛。邻域半径 σ 也应该逐渐减小, 其目的是更精细地调整权重。

若记 T 为总迭代次数, t 为当前迭代次数, 则参数衰减公式表示为:

$$\eta = \frac{\eta_0}{1 + \frac{t}{T/2}}, \quad \sigma = \frac{\sigma_0}{1 + \frac{t}{T/2}}$$

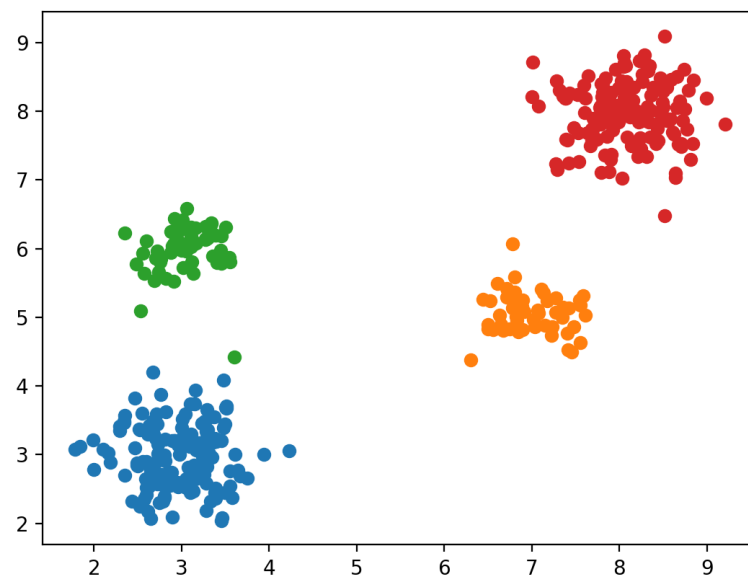
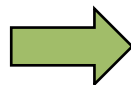
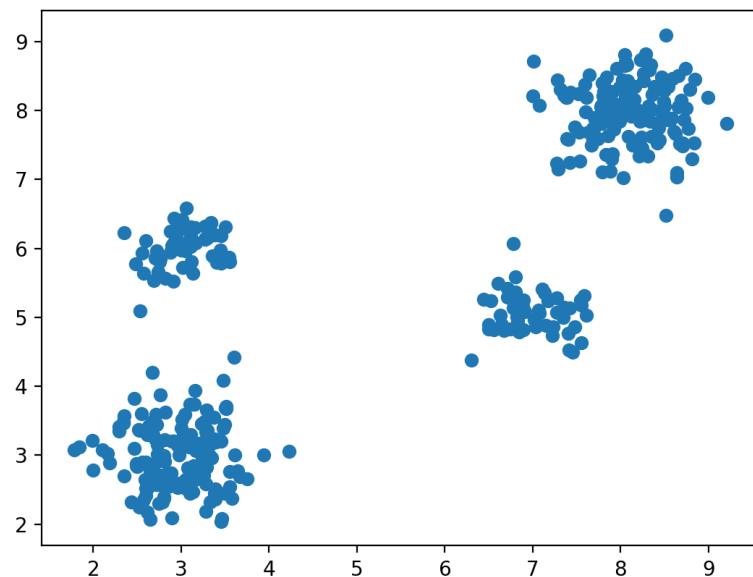
领域参数设置:

- 神经元的激活在其直接邻域内扩散=>邻域对相同的输入模式变得更灵敏
- 邻居的规模最初很大,但随着时间的推移而减少=>网络特异性

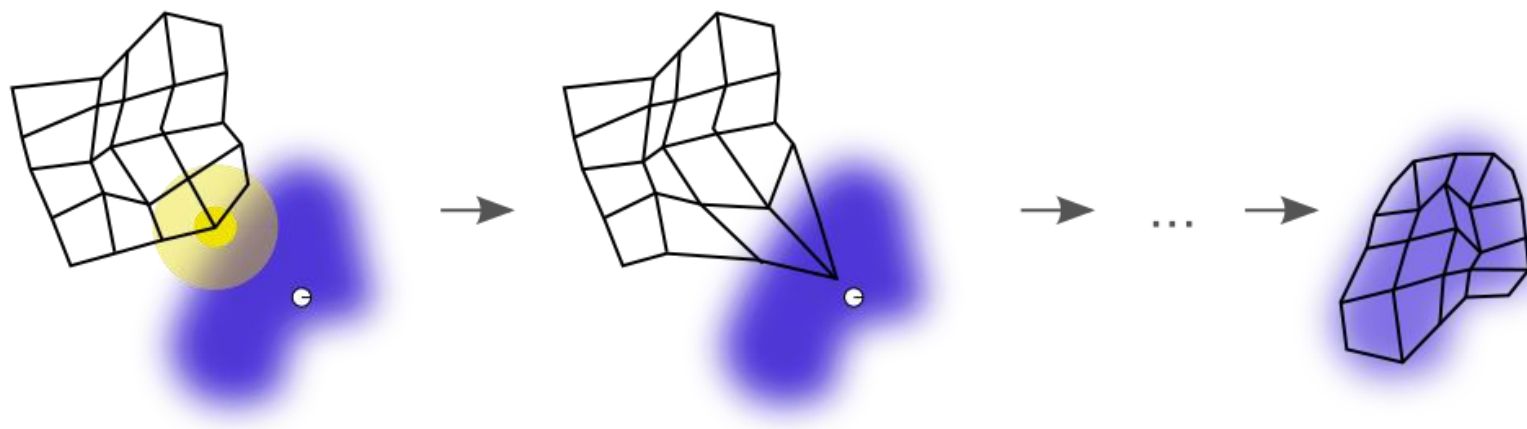


自组织特征映射神经网络

自组织映射神经网络(SOFM)用于聚类:



自组织特征映射神经网络



训练自组织映射的图示。蓝色的区域是训练数据的分布，白色的圆点是从该分布中提取的当前训练数据。首先(左)SOM节点在数据空间中的位置是任意的。选择最接近训练数据的节点(以黄色突出显示)。它被移向训练基准，就像它在网格上的邻居一样(在较小程度上)。经过多次迭代，网格趋向于近似数据分布(右)。

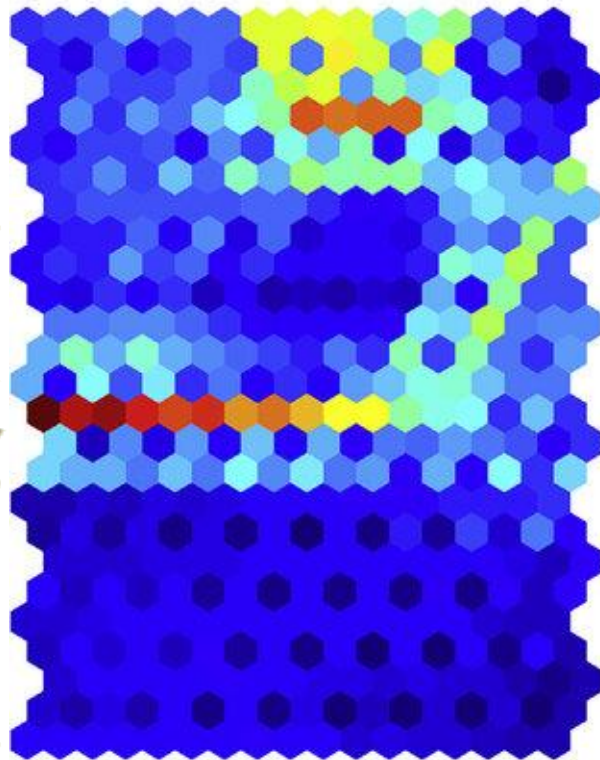
https://en.wikipedia.org/wiki/Self-organizing_map

U-Matrix

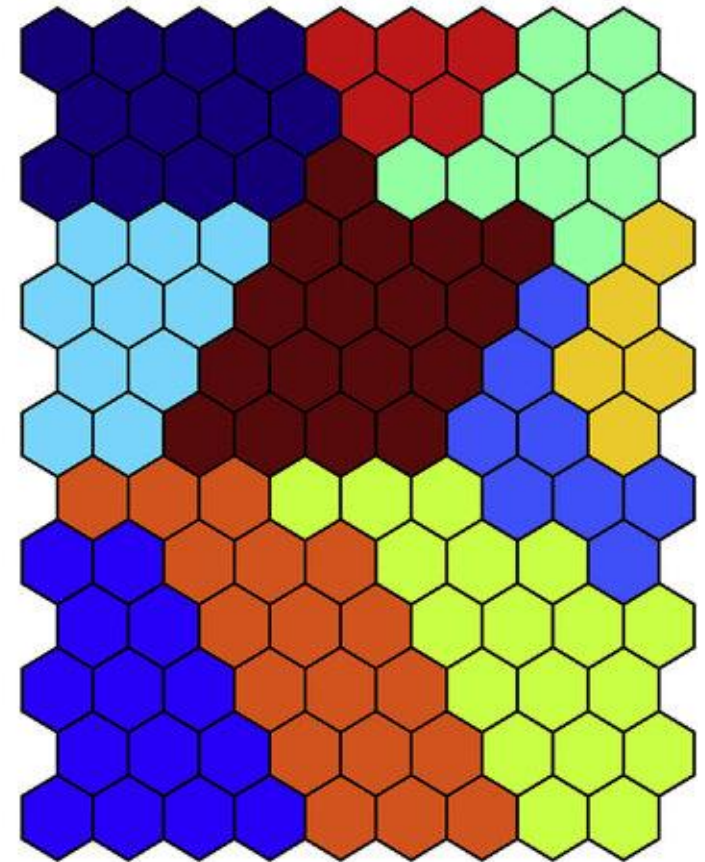
- 在自组织映射（Self-Organizing Maps, 简称SOM）中，U-Matrix（Unified Distance Matrix, 统一距离矩阵）是一个用于描述映射中相邻单元之间距离关系的矩阵。它提供了关于SOM拓扑结构的重要信息，有助于揭示数据在映射上的分布和聚类情况。
- 具体来说，U-Matrix中的每个元素代表SOM网格中相邻单元之间的平均距离。这些距离可以是欧几里得距离、曼哈顿距离或其他合适的度量。通过可视化U-Matrix，研究人员可以观察到在SOM中哪些单元是紧密相邻的，以及它们之间的距离变化。通常，U-Matrix的可视化使用颜色编码来表示距离的大小，从而形成一个直观的拓扑图。
- U-Matrix在自组织映射中的应用广泛，它有助于：
 1. **识别聚类**：通过观察U-Matrix中颜色或灰度级的变化，可以轻易地识别出数据在SOM上的聚类区域。聚类区域通常对应于U-Matrix中颜色较为一致或平滑的区域。
 2. **发现边界**：U-Matrix中的高值区域通常表示数据在SOM上的边界或分隔区域。这些边界可以帮助用户理解数据的分布和拓扑结构。
 3. **解释和解释SOM**：通过U-Matrix，研究人员可以更好地解释和解释SOM的输出结果。它提供了一个直观的方式来展示数据在SOM上的组织方式，从而有助于用户理解和利用这些信息。
- 总的来说，U-Matrix是自组织映射中一个重要的可视化工具，它帮助用户更好地理解 and 解释数据在SOM上的分布和聚类情况。通过U-Matrix的可视化，研究人员可以更加深入地了解数据的结构和特征，进而进行更有效的分析和决策。

U-Matrix

U-matrix



Clusters



SOM实例

Iris Data Set

Download: [Data Folder](#), [Data Set Description](#)

Abstract: Famous database; from Fisher, 1936



Data Set Characteristics:	Multivariate	Number of Instances:	150	Area:	Life
Attribute Characteristics:	Real	Number of Attributes:	4	Date Donated	1988-07-01
Associated Tasks:	Classification	Missing Values?	No	Number of Web Hits:	720483

Source:

Creator:

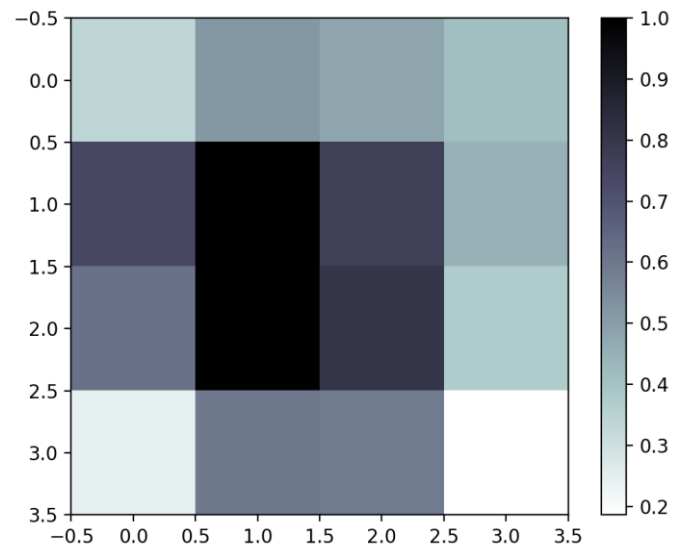
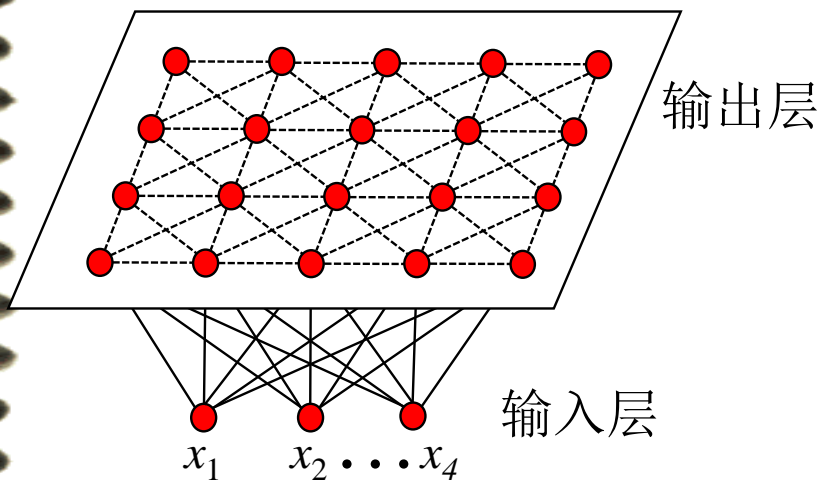
R.A. Fisher

Donor:

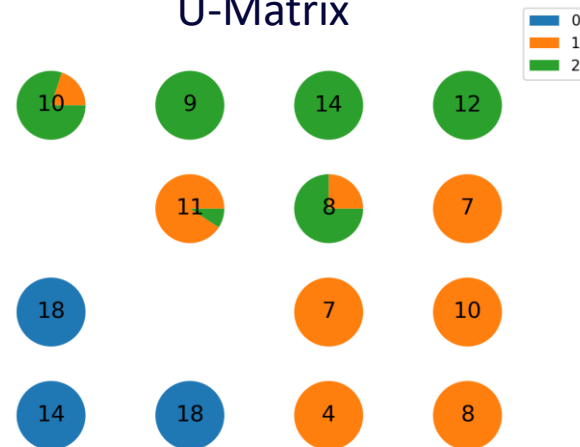
Michael Marshall (MARSHALL%PLU '@' io.arc.nasa.gov)

- 150个样本
- 属于鸢尾属下的三个亚属: 山鸢尾、变色鸢尾和维吉尼亚鸢尾
- 四个特征: 花萼和花瓣的长度和宽度

SOM实例



U-Matrix



输出节点