



## 徐春晖

☎ 15905192398    ✉ xuch@sibs.ac.cn    📍 上海  
👤 应届毕业生    📍 上海



### 教育经历

**中国科学院大学** - 细胞生物学 博士 上海营养与健康研究所 2016.09 - 2022.06  
预期于2022年6月毕业  
**南京大学** - 生物科学 本科 生命科学学院 2012.09 - 2016.06

### 研究经历

**人类\*\*基因家族新基因的发现与鉴定 (投稿中)** - 项目负责人, 实验操作者, 数据分析师 2020.03 - 2021.11

通过对二代转录组数据及表观组数据分析, 首次在人类基因组中发现了一个新的基因, 它隶属于\*\*基因家族。本人作为第一完成人从表达该基因的肿瘤细胞中克隆出该基因并进行了进化及物种表达分析, 为研究基因调节和进化机制提供了一种罕见而有趣的模型。

**急性髓系白血病中增强子突变的鉴定及其功能研究** - 项目负责人, 实验操作者, 数据分析师 2018.01 - 2021.11

利用转录组数据和表观组数据在t(8;21)急性髓系白血病细胞全基因组范围内鉴定了增强子(Enhancer)和超级增强子(SuperEnhancer)的存在, 探索了增强子对急性髓系白血病基因表达模式的调控作用, 为临床治疗和疾病预后提供了新的观察角度。

**单细胞水平建立t(8;21)急性髓系白血病干细胞分化图谱** - 项目负责人, 实验操作者, 数据分析师 2019.04 - 2021.11

通过对t(8;21)急性髓系白血病人不同发病和治疗阶段的细胞的基因/蛋白表达谱及表观遗传特征进行分析, 建立了白血病干细胞分化图谱。

### 编程技能

#### Linux

熟练配置Linux进行二代及三代测序数据的分析, 分析经验包括RNA-seq, ChIP-seq, ATAT-seq, WGBS, WGS, scRNA-seq, GATK-pipeline, 进化分析;  
能够熟练使用例如NCBI, ENSEMBL等网站进行数据分析。

#### R语言

精通R语言进行统计分析与可视化作图, 能够进行bookdown编写与R包的编写;  
在单细胞转录组学领域有较多的分析经验。

#### 科研软件

熟练使用例如IGV, GSEA, MEGA-X等科研软件。

#### 其他

熟练使用office套件进行文稿工作, 能够进行基础python编程。

### 实验技能

#### 熟练:

细胞生物学, 分子生物学, 遗传生物学, 生物化学, 组织学, 动物解剖学等常规手段

#### 软件:

熟练使用Graphpad, ImageJ, FlowJo, Mega-X, ClustalX2等专业软件的使用与统计分析, 熟练使用AI, PS等软件进行图片排版

## 擅长：

质粒构建（过表达，点突变，插入敲除，标签基因）；造血干细胞的分离、培养与分化；细胞流式分析、分选术；CRISPR-CAS9 基因敲除敲入，逆转录病毒介导的基因过表达；肿瘤细胞培养及爬片；shRNA介导的基因敲低；人源细胞小鼠移植模型（PDX model）；蛋白免疫沉淀及蛋白免疫印迹；染色质免疫沉淀技术及建库（ChIP-seq、ATAC-seq）；微量mRNA鉴定的RNAscope；GPI锚定蛋白的重组构建

## 发表文章

Zhang, Fan, et al. "Selective and competitive functions of the AAR and UPR pathways in stress-induced angiogenesis." **Cell discovery** 7.1 (2021): 1-17.

Xue, Kai, et al. "Chidamide triggers BTG1-mediated autophagy and reverses the chemotherapy resistance in the relapsed/refractory B-cell lymphoma." **Cell death & disease** 12.10 (2021): 1-11.

Chen, Bing-Yi, et al. "SETD2 deficiency accelerates MDS-associated leukemogenesis via S100a9 in NHD13 mice and predicts poor prognosis in MDS." **blood** 135.25 (2020): 2271-2285.

Xie, Yangyang, et al. "ARHGEF12 regulates erythropoiesis and is involved in erythroid regeneration after chemotherapy in acute lymphoblastic leukemia patients." **haematologica** 105.4 (2020): 925.

Zhang, Meng-Meng, et al. "Destabilization of AETFC through C/EBP $\alpha$ -mediated repression of LYL1 contributes to t (8; 21) leukemic cell differentiation." **Leukemia** 33.7 (2019): 1822-1827.

Liu, Na, et al. "Different roles of E proteins in t (8; 21) leukemia: E2-2 compromises the function of AETFC and negatively regulates leukemogenesis." **Proceedings of the National Academy of Sciences** 116.3 (2019): 890-899.

Zhang, Yuan-Liang, et al. "Setd2 deficiency impairs hematopoietic stem cell self-renewal and causes malignant transformation." **Cell research** 28.4 (2018): 476-490.

## 荣誉奖项

中国科学院大学2019-2020年度三好学生

2020

## 社会实践领域

### 生信媛 微信公众号

#### 联合创始人

本人和其他几个研究生同学共同发起创建了生信媛公众号，共输出达600+推送；作为拥有一万多粉丝的公众号，生信媛旨在分享生信入门方法与课程，持续记录生信相关的分析pipeline，python和R在生物信息学中的应用。

### 简书 生信分析技术分享 个人博客

#### [徐春晖-简书](#)

本人在简书平台上持续作生信分析技术分享，输出50+学习记录，总阅读量超10W。

### 中国科学院营养与健康研究所信息中心系列讲座

#### 创始人，主讲人

本人于2021年度在中国科学院营养与健康研究所信息中心推出了R语言学习和RNA-seq分析学习系列在线讲座，全系列讲座达15+课时。