**序列化结构解释器1.0**

**研发三部**

模块名： <weedong/core/seq/seq\_parser.h>

依赖: <weedong/core/seq/seq\_log.h>

简介(详细请看<weedong/core/ seq/seq\_parser.h > )：

提供对序列化结构信息进行解释

相关函数

/\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*

Description: 将序列化记录基本信息解释为seqlog

Input: start 需要解释的基本信息起始指针

end 需要解释的基本信息结束指针

Return: 类记录列表

\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*/

std::list< CSeqLog > parse( char \*start, char \*end );

使用示例：

#include <weedong/core/seq/seq\_parser.h>

#include <weedong/core/seq/seq\_writer.h>

int main( int argc, char\* argv[] )

{

//声明一个CTest 结构化基本信息

char seq[] =

"/\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\n"

" 定义CSampleBase\n"

"\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*\*/\n"

"CSampleBase\n"

"{\n"

" id : uint16 = 65535; //Id号\n"

" name : string = \"示例基类描述\"; //名称\n"

"}\n";

//解释结构化信息

std::list< wd::CSeqLog > logs = wd::CSeqParser::parse( seq, seq + sizeof( seq ) );

//输出C++类声明

std::string cppString = wd::CSeqWriter::transformCPP( \*logs.begin() );

//输出AS类声明

std::string asString = wd::CSeqWriter::transformAS( \*logs.begin() );

return 0;

}