

Accès à la ligne de commande

Avant d'utiliser la ligne de commande de Linux pour effectuer des analyses bioinformatiques, vous devez savoir comment accéder à la ligne de commande. Suivez les instructions ci-dessous qui correspondent à votre type d'ordinateur.

Quel que soit le système d'exploitation de votre ordinateur (Windows, Mac ou Linux), vous utiliserez une application appelée *Terminal* pour accéder à la ligne de commande. Un terminal est une application qui ouvre une interface textuelle à travers laquelle vous pouvez utiliser la ligne de commande.

Linux

Nous recommandons d'utiliser la distribution Ubuntu 20.04 LTS de Linux. Sur tout système Linux, l'application de terminal s'appelle *Terminal* et est préinstallée. Aucune installation supplémentaire n'est nécessaire.

Mac

Sur tout système Mac, l'application de terminal s'appelle *Terminal* et est préinstallée. Vous pouvez exécuter des commandes Linux sur le terminal de Mac avec un minimum de modifications. Aucune installation supplémentaire n'est nécessaire.

Windows

Les ordinateurs Windows disposent d'un terminal, mais celui-ci ne peut pas accepter les commandes Linux. Vous devrez donc ajouter une nouvelle application de terminal (en particulier, un *bash* shell) pour exécuter des commandes Linux sur un ordinateur Windows.

Si votre ordinateur fonctionne sous Windows 10 (édition 64 bits), vous pouvez activer un bash shell en suivant ces instructions : <https://www.howtogeek.com/249966/how-to-install-and-use-the-linux-bash-shell-on-windows-10/>.

Si vous utilisez une version plus ancienne de Windows, vous devrez installer un logiciel externe. Il existe plusieurs options de logiciels compatibles avec Windows qui vous permettront d'utiliser un terminal Linux :

- Option 1 : Installer PuTTY, disponible gratuitement sur ce site Web : <https://www.putty.org/>.
- Option 2 : installer cygwin, disponible gratuitement sur ce site Web : <https://www.cygwin.com/>. Des instructions supplémentaires sur l'installation de ce logiciel sont disponibles ici : <https://www.youtube.com/watch?v=QonIPpKodCw>.

Une fois la ligne de commande Linux configurée, vous utiliserez le terminal *bash* nouvellement installé pour saisir des commandes. Vous ne devez effectuer ces étapes de configuration qu'une seule fois. Une fois que votre ordinateur est correctement configuré, vous pouvez exécuter n'importe quelle commande Linux (bien que vous puissiez encore avoir besoin d'installer des logiciels nécessaires pour effectuer vos analyses bioinformatiques spécifiques).