

# 基础知识

字符串：

建立（转为）：

数字转字符串：`str()`

列表转字符串：`"( 连接符 )".join(list)`

处理：

分割：`str.split("( 分隔符 )")`

大写：`str.upper()`

小写：`str.lower()`

首字母：`str.title()`

合并：`+`

特征：长度：`len()`

列表：

建立：`list()`

列表推导式：`[声明变量 for 声明变量 in 某集合 if 共同满足的条件]`

处理：

切片：`list[起点：终点+1]`（不填默认起点为`list[0]`，终点为列表末尾）

遍历：`for ( 临时变量名 ) in list:`

在末尾添加元素：`list.append(元素)`

添加多个元素：`list.extend([a,b,c,...])`

插入元素：`list.insert(index, 元素)`；`bisect`库

删除已知元素：`list.remove(元素)`

删除已知索引的元素：`del list[index]`

弹出元素：`list.pop(index)`

顺序排序：`list.sort()`（ASCII码顺序）

倒序排序：`list.sort(reverse=True)`

指定顺序排序：`list.sort(key= lambda s: 排序指标 ( 与s相关 ) )`

拼接：`list1+list2`

特征：

长度：`len()`

寻找索引：`list.index(元素)`

正数第`n`个元素：`list[n-1]`

倒数第`n`个元素：`list[-n]`

元素个数：`list.count(元素)`

`itertools` 库

判断共有特征：`all(特征 for 元素 in 列表)`

索引，元素元组：`enumerate()`函数（遍历方法：`for index, 元素代称 in enumerate(列表)`）

字典：

建立：

`{}`

```
dict(元组)
半有序：Ordereddict()
添加/修改键值对：dict[key]=value
遍历字典的键：for 元素 in dict()；for 元素 in dict.keys() (注：一定要加s!)
遍历字典的值：for 元素 in dict.values() (一定要加s!)
删除键值对：del dict[键]
遍历键值对：for key,value in dict.items():
按顺序遍历：for key in sorted(dict.keys()):
```

元组：

建立：

```
直接定义：(..., ..., ..., ...)
含元组的列表：zip(a,b,c,...)
访问：元组[index]
```

集合：

建立：

```
set()
向集合中添加元素：set.add()
添加多个元素：set.update()
删除元素：set.remove() 或 set.discard() (前者有KeyError风险，后者没有)
随机删除：set.pop()
并集：set1 | set2 (竖杠“|”在回车键上方)
交集：set1 & set2
差集 (补集)：set1 - set2
对称差集 (补集之交)：set1^set2
元素个数：len()
不可变集合：frozenset()
```

堆：heapq库

库：

注意：库中函数要先import之后才能使用。

math库：

```
向上取整：math.ceil()
向下取整：math.floor()
阶乘：math.factorial()
数学常数：math.pi (圆周率)，math.e (自然对数的底)
开平方：math.sqrt(x)
x的y次幂：math.pow(x,y)
e的x次幂：math.exp(x)
数函数：math.log(真数·底数) (不填底数默认为自然对数)
三角：math.sin(),math.cos(),math.tan()
反三角：math.asin(),math.acos(),math.atan()
```

heapq库：

列表转堆：最小值在上层：heapq.heapify(list)；最大值在上层：

heapq.\_heapify\_max(list)

插入元素：heapq.heappush(堆名，被插元素)

弹出元素：`heapq.heappop(堆名)` (可被命名为其他变量临时调用)

(应用：堆排序：`a=[heapq.heappop(b) for _ in range(len(b))]`), 返回排序后的

b)

插入元素的同时弹出顶部元素：`heapq.heappushpop(堆名, 被插元素)`

(或`heapq.heapreplace(堆名, 被插元素)`)

以上操作在最大堆中应换为“`_a_max`” (a是它们中的任意一个)

建堆时，先定义一个空列表，然后一个一个往里面压入元素。

**itertools库：**

整数集：`itertools.count(x,y)` (从x开始往大数的整数，间隔为y)

循环地复制一组变量：`itertools.cycle(list)`

所有排列：`itertools.permutations(集合, 选取个数)`

所有组合：`itertools.combinations`

拼接列表的另一种方式：`itertools.chain(list1,list2)`

已排序列表去重：`[i for i,_ in itertools.groupby(list)]` (每种元素只能保留一个)  
或者`list(group)[:n]` (group被定义为分组，保留每组的n个元素)

**collections库：**

双端队列：创建：`a=deque(list)`

从末尾添加元素：`a.append(x)`

从开头添加元素：`a.appendleft(x)`

从末尾删除元素：`b=a.pop()`

从开头删除元素：`b=a.popleft()`  
(其中b用于接收a弹出的元素)

有序字典：`Ordereddict()`

默认值字典：`a=defaultdict(默认值)`，如果键不在字典中，会自动添加值为默认值的键值对，而不报`KeyError`。

计数器：`Counter(str)`，返回以字符种类为键，出现个数为值的字典

**sys库：**

`sys.exit()`用于及时退出程序

`sys.setrecursionlimit()`用于调整递归限制 (尽量少用，递归层数过多会引起MLE)

**statistics库：**

**statistics** 是 Python 标准库中用于统计学计算的模块，提供了各种用于处理统计数据的函数。

常用函数：

`mean(data)`：计算数据的平均值 (均值)。

`harmonic_mean(data)`：计算数据的调和平均数。

`median(data)`：计算数据的中位数。

`median_low(data)`：计算数据的低中位数。

`median_high(data)`：计算数据的高中位数。

`median_grouped(data, interval=1)`：计算分组数据的估计中位数。

`mode(data)`：计算数据的众数。

`pstdev(data)`：计算数据的总体标准差。

`pvariance(data)`：计算数据的总体方差。

`stdev(data)`：计算数据的样本标准差。

`variance(data)`：计算数据的样本方差。

```
数据处理：
    二进制：bin()
    八进制：oct()
    十六进制：hex()
    整型：int()
    浮点型：float()
    保留n位小数：round(原数字，保留位数)（如不写保留位数，则默认保留到整数）；'%.nf'%原数字；'{:.nf}'.format(原数字)；
    n位有效数字：'%.ng'%原数字；'{:.ng}'.format(原数字)
    最大值max(),最小值min()
    ASCII转字符：chr();字符转ASCII：ord()
    判断数据类型：isinstance(object,class)

其他：
    if, while循环；try, except 某error；
    类的创建：
        class type(father):
        def __init__(self,specific_level):
        self.character=specific_level
```

广度优先搜索的辅助：队列；伸缩：栈

# 算法的定义和特性

序号	操作	含义	时间复杂度
1	init(n)	生成一个n个元素的顺序表，元素值随机	O(1)
2	init(a <sub>0</sub> ,a <sub>1</sub> ,...a <sub>n</sub> )	生成元素为a <sub>0</sub> ,a <sub>1</sub> ,... a <sub>n</sub> 的顺序表	O(n)
3	length()	求表中元素个数	O(1)
4	append(x)	在表的尾部添加一个元素x	O(1)
5	pop()	删除表尾元素	O(1)
6	get(i)	返回下标为i的元素	O(1)
7	set(i,x)	将下标为i的元素设置为x	O(1)
8	find(x)	查找元素x在表中的位置	O(n)
9	insert(i,x)	在下标i处插入元素x	O(n)
10	remove(i)	删除下标为i的元素	O(n)

# 常用的算法思想

- **枚举法**：对所有可能的解进行逐个验证，直到发现真正的解。
- **二分法**：对于有些问题，将所有可能解排序，通过对位于解的查找区间中点的解进行一次验证，就可以找到解或缩小查找区间到原来的一半，这样就能很快找到解或宣告无解。
- **贪心法**：在寻找解的过程中，每一步都只选取眼前最优的做法，不考虑后续影响。并不适用于所有要求最优解的问题。
- **递归法和分治法**：为解决问题，可以先采取一步行动，剩下的问题就变成和原问题形式相同、但是规模更小的问题，这样就可以用递归解决。或者，将原问题分解为几个和原问题形式相同、但是规模更小的子问题，子问题都解决，原问题也就解决，这就叫分治。分治往往用递归实现
- **深度优先搜索、回溯和分支限界法**：在许多问题中，搜索解的过程，可以抽象为在迷宫中找出口。走迷宫的一个策略就是能往前走就往前走，这就叫深度优先；走不动了就回退到上一个岔路口选没走过的岔道继续走，这就叫回溯。有的情况下有办法预判一个岔道走下去肯定没前途，于是就不会走它，这就叫分支限界法。回溯和分支限界都是深度优先搜索过程中使用的手段
- **广度优先搜索法**：解决问题，可能需要采取多步行动，每步行动都有不同选择。先把第一步能采取的所有选择都试一遍，看看问题有没有解决。如果没有，再把采取两步行动的所有方案都试一遍，看看问题有没有解决..... 这样当问题解决时，采取的步数一定是最少的

## 时间复杂度

---

表 13.7.1 各种排序算法的复杂度<sup>①</sup>

算法分类	算法名称	时间复杂度			额外空间复杂度	是否稳定
		最好	平均	最坏		
插入排序	直接插入排序	$O(n)$	$O(n^2)$	$O(n^2)$	$O(1)$	是
	Shell 排序	$O(n)$	$O(n^{1.25})$	$O(n^2)$	$O(1)$	否
选择排序	简单选择排序	$O(n^2)$	$O(n^2)$	$O(n^2)$	$O(1)$	否
	堆排序	$O(n \log(n))$	$O(n \log(n))$	$O(n \log(n))$	$O(1)$	否
交换排序	冒泡排序	$O(n)$	$O(n^2)$	$O(n^2)$	$O(1)$	是
	快速排序	$O(n \log(n))$	$O(n \log(n))$	$O(n^2)$	$O(\log(n))$	否
分配排序	桶排序	$O(n+m)$	$O(n+m)$	$O(n+m)$	$O(n+m)$	是
	计数排序	$O(n+m)$	$O(n+m)$	$O(n+m)$	$O(n+m)$	是
	基数排序	$O(d \times (n+m))$	$O(d \times (n+m))$	$O(d \times (n+m))$	$O(n+m)$	是
归并排序		$O(n \log(n))$	$O(n \log(n))$	$O(n \log(n))$	$O(n)$	是

- 常数复杂度:  $O(1)$
- 对数复杂度:  $O(\log(n))$
- 线性复杂度:  $O(n)$
- 多项式复杂度:  $O(n^k)$
- 指数复杂度:  $O(a^n)$
- 阶乘复杂度:  $O(n!)$

### ➤ $O(1)$ 复杂度的常见操作

- 1) 根据下标访问列表、字符串、元组中的元素
- 2) 在集合、字典中增删元素
- 3) 调用列表的append函数在列表末尾添加元素，以及用pop()函数删除列表末尾元素
- 4) 用in判断元素是否在集合中或某关键字是否在字典中
- 5) 以关键字为下标访问字典中的元素的值
- 6) 用len函数求列表、元组、集合、字典的元素个数



## ➤ $O(n)$ 复杂度的常见操作

1) 用 `in` 判断元素是否在字符串、元组、列表中

2) 用 `insert` 在列表中插入元素

3) 用 `remove` 或 `del` 删除列表中的元素

4) 用字符串、元组或列表的 `find`、`rfind`、`index` 等函数做顺序查找

5) 用字符串、元组或列表的 `count` 函数计算元素出现次数

6) 用 `max`、`min` 函数求列表、元组的最大值，最小值

7) 列表和元组加法



## ➤ $O(n \log(n))$ 复杂度的常见操作

Python 自带排序 `sort`、`sorted`

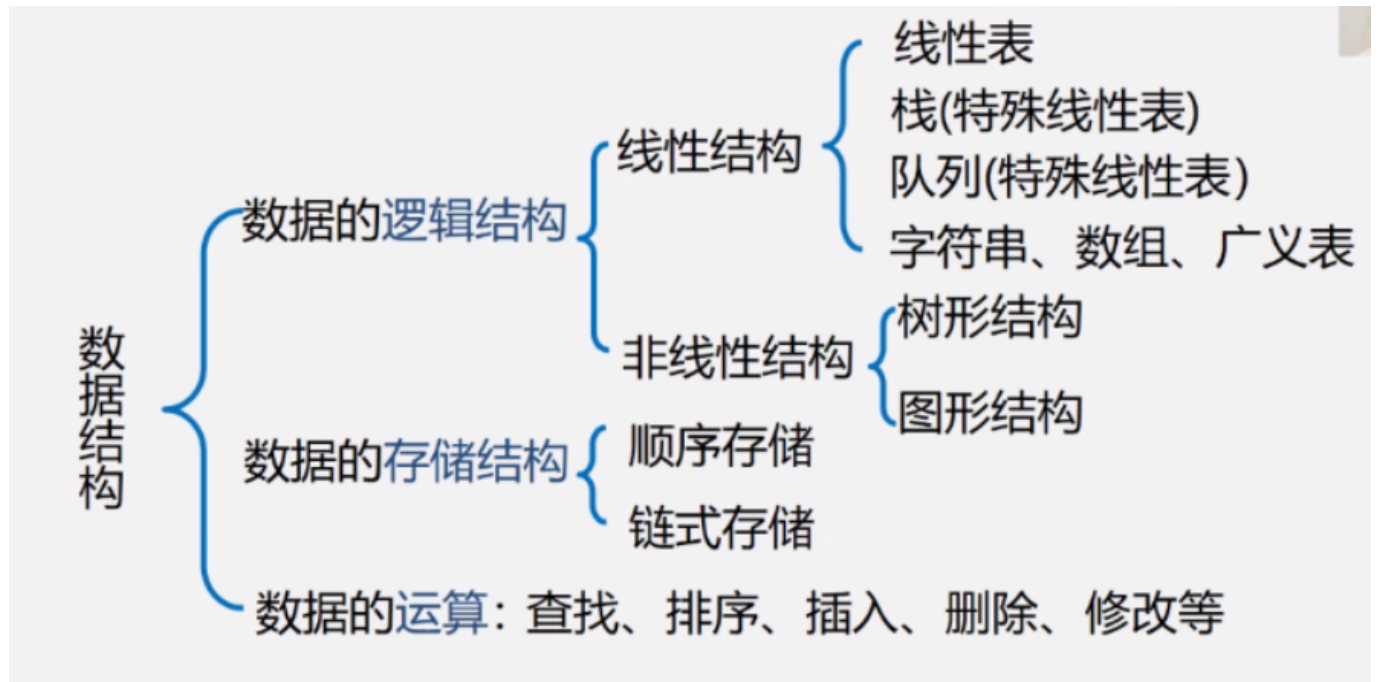
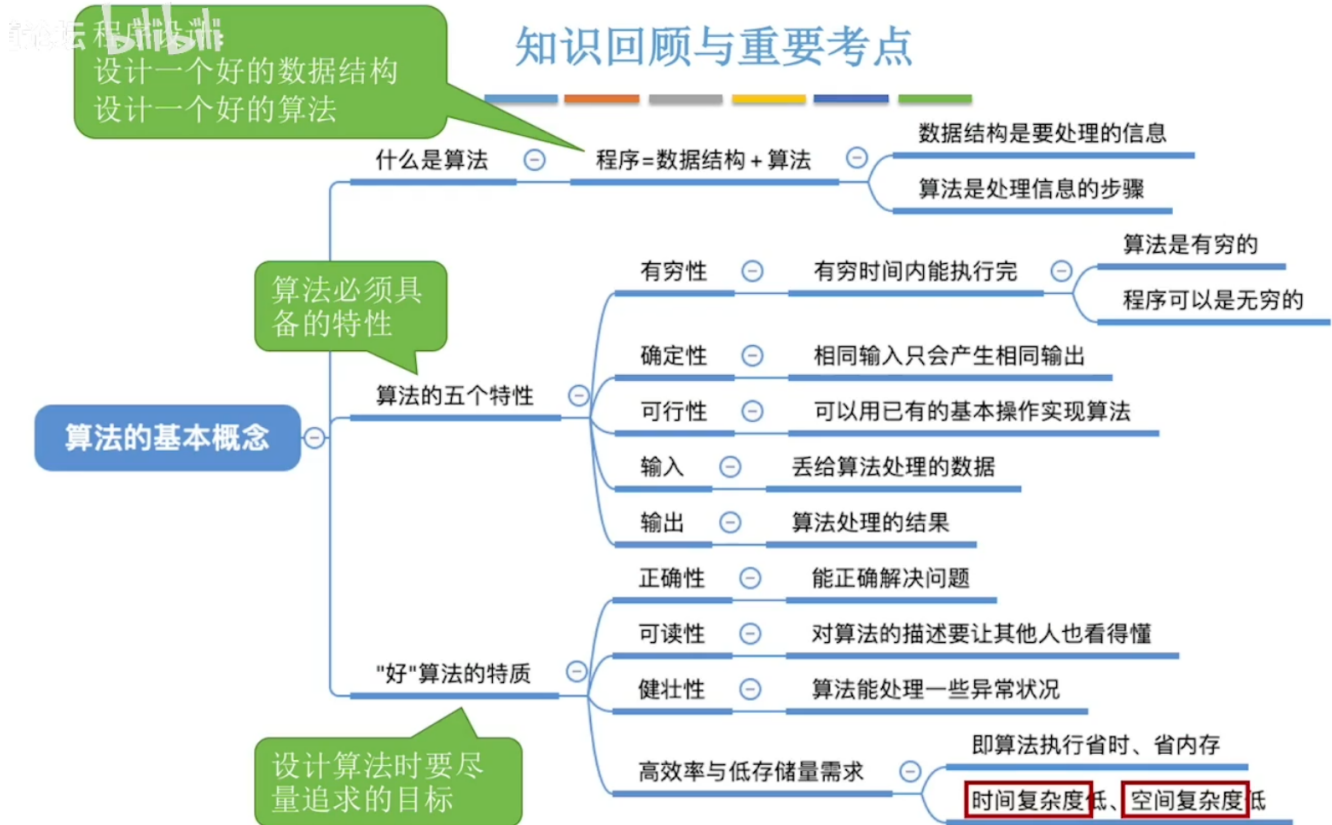
## ➤ $O(\log(n))$ 复杂度的常见操作

在排好序的列表或元组上进行二分查找（初始的查找区间是整个元组或列表，每次和查找区间中点比较大小，并缩小查找区间到原来的一半。类似于查英语词典）**有序就会找得快！** Python 并不自带二分查找函数



若是函数之和，只看增长最快的。

## 数据结构



## 数据的逻辑结构



从逻辑上描述结点之间的关系，和数据的存储方式无关。

- **集合结构**：结点之间没有什么关系，只是属于同一集合。如set。
- **线性结构**：除了最靠前的结点，每个结点有唯一前驱结点；除了最靠后的结点，每个结点有唯一后继结点。如list。
- **树结构**：有且仅有一个结点称为“根结点”，其没有前驱(父结点)；有若干个结点称为“叶结点”，没有后继(子结点)；其它结点有唯一前驱，有1个或多个后继。如家谱
- **图结构**：每个结点都可以有任意多个前驱和后继，两个结点还可以互为前驱后继。如铁路网，车站是结点。

## 数据的存储结构

- **顺序结构**：结点在内存中连续存放，所有结点占据一片连续的内存空间。如list。
- **链接结构**：结点在内存中可不连续存放，每个结点中存有指针指向其前驱结点和/或后继结点。如链表，树。
- **索引结构**：将结点的关键字信息（比如学生的学号）拿出来单独存储，并且为每个关键字x配一个指针指向关键字为x的结点，这样便于按照关键字查找到相应的结点。
- **散列结构**：设置散列函数，散列函数以结点的关键字为参数，算出一个结点的存储位置。

--

1. 数据的逻辑结构和存储结构无关
2. 一种逻辑结构的数据可用不同的存储结构来存储。
3. 树结构、图结构、线性结构 可用 链接结构/顺序结构存储

## 线性表

定义：

由 $n(n \geq 0)$ 个数据元素构成的有限序列，表中由且只有一个根结点和一个终端结点，除根元素外的其它元素有且只有一个前件，除终端元素外的其它元素有且只有一个后件（如：春→夏→秋→冬）

分类：

线性表的顺序存储结构叫做顺序表（随机存取）

线性表的链式存储结构叫做线性链表（顺序存取）

顺序表和链表的选择：

顺序表：

中间插入太慢

链表：

访问第*i*个元素太慢

顺序访问也慢（现代计算机有cache，访问连续内存域比跳着访问内存区域快很多）

还多费空间

结论：

尽量选用顺序表（比如栈和队列，都没必要用链表实现）

基本只有在找到一个位置后反复要在该位置周围进行增删，才适合用链表

1. 顺序表

- 1. 线性表中所有元素所占的存储空间是连续的
- 2. 线性表中数据元素在存储空间中是按逻辑顺序依次存放的
- 3. 可以随机访问数据元素
- 4. 做插入、删除时需移动大量元素，因此线性表不便于插入和删除元素
- 5. 其存储空间连续，各个元素所占字节数相同，元素的存储顺序与逻辑顺序一致

顺序表支持的操作

序号	操作	含义	时间复杂度
1	init(n)	生成一个n个元素的顺序表，元素值随机	O(1)
2	init(a <sub>0</sub> ,a <sub>1</sub> ,...a <sub>n</sub> )	生成元素为a <sub>0</sub> ,a <sub>1</sub> ,... a <sub>n</sub> 的顺序表	O(n)
3	length()	求表中元素个数	O(1)
4	append(x)	在表的尾部添加一个元素x	O(1)
5	pop()	删除表尾元素	O(1)
6	get(i)	返回下标为i的元素	O(1)
7	set(i,x)	将下标为i的元素设置为x	O(1)
8	find(x)	查找元素x在表中的位置	O(n)
9	insert(i,x)	在下标i处插入元素x	O(n)
10	remove(i)	删除下标为i的元素	O(n)

2. 链表

1. 各数据结点的存储空间可以不连续
2. 各数据元素的存储顺序与逻辑顺序可以不一致，可任意
3. 所占存储空间大于顺序存储结构（每节点多出至少一个指针域）
4. 查找结点时要比顺序存储慢
5. 插入删除元素比顺序存储灵活

## 2a. 单链表

```
class LinkedList:
    class Node:
        def __init__(self, data, next=None):
            self.data, self.next = data, next

    def __init__(self):
        self.head = self.tail = LinkedList.Node(None, None)
        self.size = 0

    def print(self):
        ptr = self.head
        while ptr is not None:
            print(ptr.data, end=',')
            ptr = ptr.next

    def insert(self, p, data):
        nd = LinkedList.Node(data, None)
        if self.tail is p:
            self.tail = nd
        nd.next = p.next
        p.next = nd
        self.size += 1

    def delete(self, p):
        if self.tail is p.next:
            self.tail = p
        p.next = p.next.next
        self.size -= 1

    def popFront(self):
        if self.head is None:
            raise Exception("Popping front for Empty link list.")
        else:
            self.head = self.head.next
            self.size -= 1
            if self.size == 0:
                self.head = self.tail = None
```

```
def pushFront(self, data):
    nd = LinkedList.Node(data, self.head)
    self.head = nd
    self.size += 1
    if self.size == 1:
        self.tail = nd

def pushBack(self, data):
    if self.size == 0:
        self.pushFront(data)
    else:
        self.insert(self.tail, data)

def clear(self):
    self.head = self.tail = None
    self.size = 0

def __iter__(self):
    self.ptr = self.head
    return self

def __next__(self):
    if self.ptr is None:
        raise StopIteration()
    else:
        data = self.ptr.data
        self.ptr = self.ptr.next
        return data
```

## 2b. 双链表

```
class DoubleLinkedList:
    class Node:
        def __init__(self, data, prev=None, next=None):
            self.data, self.prev, self.next = data, prev, next

    class Iterator:
        def __init__(self, p):
            self.ptr = p

        def get(self):
            return self.ptr.data

        def set(self, data):
            self.ptr.data = data

        def __iter__(self):
            self.ptr = self.ptr.next
            if self.ptr is None:
                return None
            else:
```

```
        return DoubleLinkedList.Iterator(self.ptr)

    def prev(self):
        self.ptr = self.ptr.prev
        return DoubleLinkedList.Iterator(self.ptr)

    def __init__(self):
        self.head = self.tail = DoubleLinkedList.Node(None, None, None)
        self.size = 0

    def _insert(self, p, data):
        nd = DoubleLinkedList.Node(data, p, p.next)
        if self.tail is p:
            self.tail = nd
        if p.next:
            p.next.prev = nd
        p.next = nd
        self.size += 1

    def _delete(self, p):
        if self.size == 0 or p is self.head:
            return Exception("Illegal deleting.")
        else:
            p.prev.next = p.next
            if p.next:
                p.next.prev = p.prev
            if self.tail is p:
                self.tail = p.prev
            self.size -= 1

    def clear(self):
        self.tail = self.head
        self.head.next = self.head.prev = None
        self.size = 0

    def begin(self):
        return DoubleLinkedList.Iterator(self.head.next)

    def end(self):
        return None

    def insert(self, i, data):
        self._insert(i.ptr, data)

    def delete(self, i):
        self._delete(i.ptr)

    def pushFront(self, data):
        self._insert(self.head, data)

    def pushBack(self, data):
        self._insert(self.tail, data)

    def popFront(self):
```

```

        self._delete(self.head.next)

    def popBack(self):
        self._delete(self.tail)

    def __iter__(self):
        self.ptr = self.head.next
        return self

    def __next__(self):
        if self.ptr is None:
            raise StopIteration()
        else:
            data = self.ptr.data
            self.ptr = self.ptr.next
            return data

    def find(self, val):
        ptr = self.head.next
        while ptr is not None:
            if ptr.data == val:
                return DoubleLinkedList.Iterator(ptr)
            ptr = ptr.next
        return self.end()

    def printList(self):
        ptr = self.head.next
        while ptr is not None:
            print(ptr.data, end=',')
            ptr = ptr.next

```

## 2c. 循环链表

```

class CircleLinkedList:
    class Node:
        def __init__(self, data, next=None):
            self.data, self.next = data, next

    def __init__(self):
        self.tail = None
        self.size = 0

    def is_empty(self):
        return self.size == 0

    def pushFront(self, data):
        nd = CircleLinkedList.Node(data)
        if self.is_empty():
            self.tail = nd
            nd.next = self.tail
        else:

```



```
        nd.next = self.tail.next
        self.tail.next = nd
    self.size += 1

def pushBack(self, data):
    self.pushFront(data)
    self.tail = self.tail.next

def popFront(self):
    if self.is_empty():
        return None
    else:
        nd = self.tail.next
        self.size -= 1
        if self.size == 0:
            self.tail = None
        else:
            self.tail.next = nd.next
    return nd.data

def popBack(self):
    if self.is_empty():
        return None
    else:
        nd = self.tail.next
        while nd.next != self.tail:
            nd = nd.next
        data = self.tail.data
        nd.next = self.tail.next
        self.tail = nd
        return data

def printList(self):
    if self.is_empty():
        print('Empty!')
    else:
        ptr = self.tail.next
        while True:
            print(ptr.data, end=',')
            if ptr == self.tail:
                break
            ptr = ptr.next
        print()
```

### 3. 链表+顺序表

`collections.deque` :

结合链表和顺序表的特点

是一张双向链表，每个结点是一个64个元素的顺序表

```
class Node:
    def __init__(self, prev=None, next = None):
        self.data = [0 for i in range(64)]
        self.data[0], self.data[-1] = prev, next
```

## 二分查找函数

---

1. 前提：单调性
2. 写一个函数BinarySearch，在从小到大排序的列表a里查找元素p，如果找到，则返回元素下标，如果找不到，则返回None。
3. 复杂度 $O(\log(n))$

```
def binarySearch(a,p,key = lambda x : x):
    L,R = 0,len(a)-1 #查找区间的左右端点，区间含右端点
    while L <= R: #如果查找区间不为空就继续查找
        mid = L+(R-L)//2 #取查找区间正中元素的下标
        if key(p) < key(a[mid]):
            R = mid - 1 #设置新的查找区间的右端点
        elif key(a[mid]) < key(p):
            L = mid + 1 # 设置新的查找区间的左端点
        else:
            return mid
    return None
```

## 栈

---

1. 栈的入口和出口是同一个口，只能在栈顶进行插入和删除
2. 栈的修改原则是“先进后出”或“后进先出”
3. 栈的栈底指针bottom和栈顶指针top，从入栈到栈满再到退栈，栈底指针bottom不变，栈中元素随栈顶指针的变化而动态变化（指针存放的是地址而非数据）
4. 栈能临时保存数据，具有记忆功能
5. 栈支持子程序调用
6. 可用列表可实现栈

支持的操作	操作的功能	操作的实现 ( <b>stack</b> 为一个列表 )
top()	返回栈顶元素	stack[-1]
push(x)	将x压入栈中	stack.append(x)
pop()	弹出并返回栈顶元素	stack.pop()
isEmpty()	看栈是否为空	len(stack) == 0

要求上面操作复杂度都是O (1)

## 单调栈

```
#模版 ( 找右边第一个大于ai的下标 · i=1..n)
def monotonic_stack(arr,n): #n = len(arr)
    i = 0
    stack = []
    ans = [0 for _ in range(n)] #不存在用0表示
    while i < n:
        while stack and arr[i]>arr[stack[-1]]:
            ans[stack.pop()] = i+1
        stack.append(i)
        i += 1
    return ans

# 找左边第一个比自己(严格)小的元素/右边第一个比自己小的元素,结果都以标号形式输出
# 维护(严格)递增栈
def first_min(arr):
    stack = [-1]
    left_first_min = [-1 for i in range(len(arr))] #最终结果-1表示没有比自己小的
    right_first_min = [len(arr) for i in range(len(arr))] #最终结果len(arr)表示没有
    比自己小的
    for i in range(len(arr)):
        while len(stack) > 1 and arr[i] <= arr[stack[-1]]: #加等号 · 左侧严格递增 · 右
        侧非严格
            right_first_min[stack[-1]] = i
            left_first_min[stack[-1]] = stack[-2]
            stack.pop()
        stack.append(i)
    for i in range(1,len(stack)):
        left_first_min[stack[i]] = stack[i-1]
    return left_first_min,right_first_min #求总的 ( 不比之小的 ) 范围 · 相减-1即可

# 找左边第一个比自己(严格)大的元素/右边第一个比自己大的元素,结果都以标号形式输出
# 维护(严格)递减栈
def first_max(arr):
    stack = [-1]
    left_first_max = [-1 for i in range(len(arr))] #最终结果-1表示没有比自己大的
    right_first_max = [len(arr) for i in range(len(arr))] #最终结果len(arr)表示没有
    比自己大的
```

```

    for i in range(len(arr)):
        while len(stack) > 1 and arr[i] >= arr[stack[-1]]: #加等号，左侧严格递减，右侧非严格
            right_first_max[stack[-1]] = i
            left_first_max[stack[-1]] = stack[-2]
            stack.pop()
        stack.append(i)
    for i in range(1, len(stack)):
        left_first_max[stack[i]] = stack[i-1]
    return left_first_max, right_first_max
#求总的（不比之大的）范围，相减-1即可

```

### 例题1:字符串中的括号配对

```

def match(s): #复杂度O(n)
    stack = []
    pairs = {"(": ")", "[": "]", "{": "}" }
    for x in s:
        if x in "([{":
            stack.append(x)
        elif x in ")]}":
            if len(stack) == 0 or stack[-1] != pairs[x]:
                return False
            stack.pop()
    return len(stack) == 0

print(match(input()))

```

### 例题2：后序表达式求值

```

def countSuffix(s): #计算后序表达式s的值，复杂度O(n)
    s = s.split()
    stack = []
    for x in s:
        if x in "+-*/":
            a, b = stack.pop(), stack.pop()
            stack.append(eval(str(b) + x + str(a)))
        else:
            stack.append(float(x))
    return stack[0]

```

## 队列

- 1、队列中队头指针`front`指向队头元素的前一位置，队尾指针`rear`指向最末元素，从入队到出队
- 2、队列的入口和出口非同一个口，只允许在队尾插入，而在队头删除

- 3、队列的修改原则是“先进先出”或“后进后出”（先到先服务的作业调度）
- 4、队列中元素随front和rear的变化而动态变化，并非固定

## 循环队列

将队列存储空间的最后一个位置绕到第一个位置，形成逻辑上的环状空间，供队列循环使用

```
class Queue:
    _initC = 8 #存放队列的列表初始容量
    _expandFactor = 1.5 #扩充容量时容量增加的倍数
    def __init__(self):
        self._q = [None for i in range(Queue._initC)]
        self._size = 0 #队列元素个数
        self._capacity = Queue._initC #队列最大容量
        self._head = self._rear = 0
    def front(self): #看队头元素
        if self._size == 0:
            return None
        return self._q[self._head]
    def back(self): #看队尾元素
        if self._size == 0:
            return None
        if self._rear > 0: #rear表示下一个要加的元素位置
            return self._q[self._rear - 1]
        else:
            return self._q[-1]
    def push(self, x):
        if self._size == self._capacity:
            tmp = [None for i in range(int(self._capacity*Queue._expandFactor))]
            k = 0
            while k < self._size:
                tmp[k] = self._q[self._head]
                self._head = (self._head+1)%self._capacity
                k += 1
            self._q = tmp
            self._q[k] = x
            self._head, self._rear = 0, k+1
            self._capacity = int(self._capacity*Queue._expandFactor)
        else:
            self._q[self._rear] = x
            self._rear = (self._rear+1) % self._capacity
            self._size += 1
    def pop(self):
        if self._size == 0:
            return None
        self._size -= 1
        self._head = (self._head+1) % len(self._q)
```

# 动态规划

---

解题思路：

1. 将原问题分解为子问题
2. 确定状态
3. 确定一些初始状态（边界状态）的值
4. 确定状态转移方程

问题的特点：

1. 问题具有最优子结构性质
2. 无后效性

常用的形式：

1. 递归型

优点：直观，容易编写

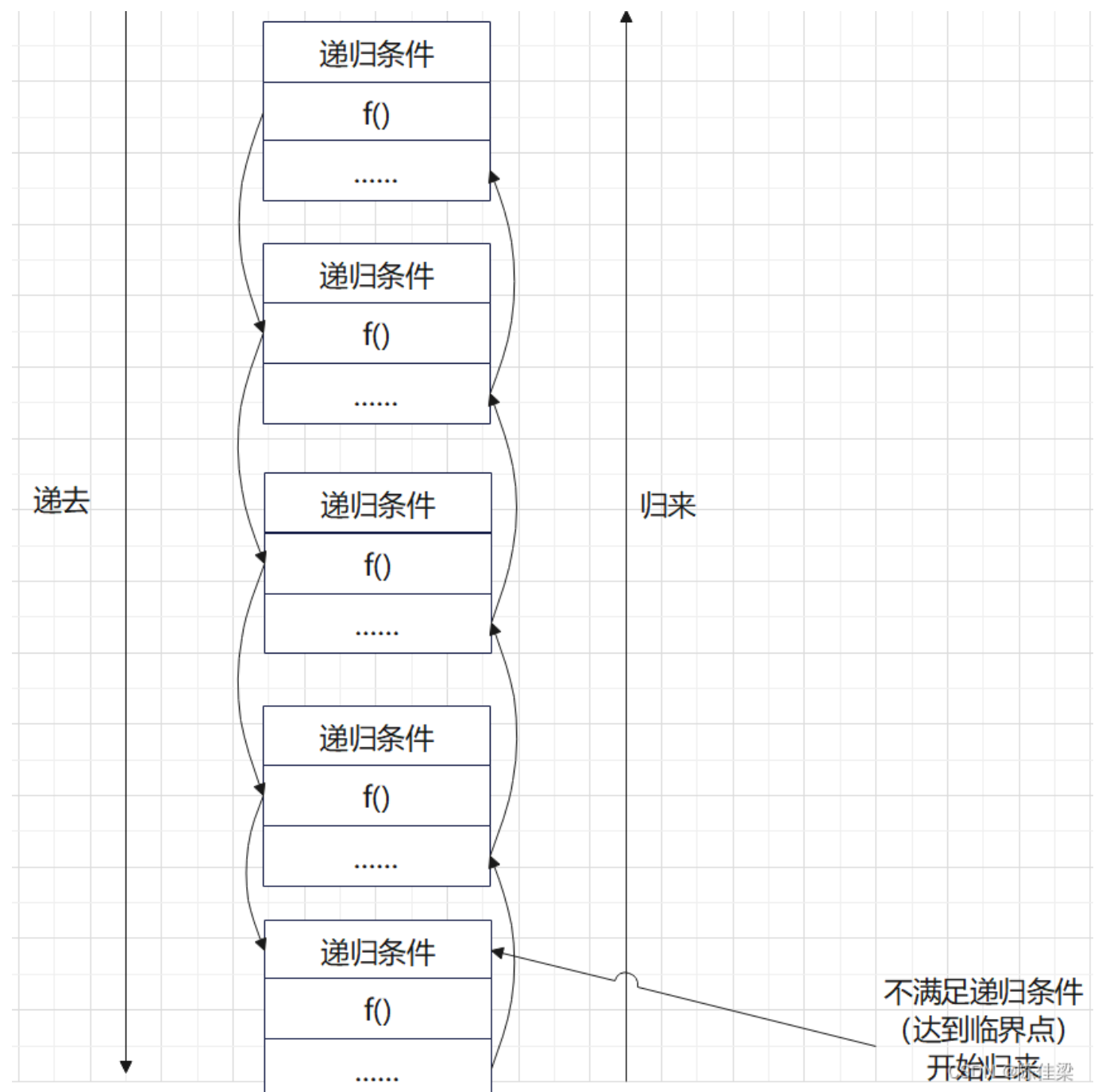
缺点：可能会因递归层数太深导致爆栈，函数调用带来额外时间开销。无法使用滚动数组节省空间。总体来说，比递推型慢。

2. 递推型

效率高，有可能使用滚动数组节省空间

## 1. 递归





1. 替代多重循环进行枚举
2. 解决本来就是用递归形式定义的问题
3. 将问题分解为规模更小的子问题进行求解
4. 可用栈实现递归
  - a. 编译器生成的代码自动维护一个栈，栈的每一层代表一个子问题
  - b. 在进入下一层函数调用前，会将本层所有参数和局部变量，以及返回地址入栈中
  - c. 返回地址表示了一个子问题解决后接下来应该做什么
  - d. 函数调用返回时，就会退一层栈

## N皇后问题

#如果只要找一组解

```
def queen(N,m):#解决N皇后问题，现在第0行到第m-1行的m个的皇后已经摆放好了
    #要摆放第m行的皇后，
    if m == N: #已经摆好了N个皇后，说明问题已经解决，输出结果即可
        for k in range(N):
            print(result[k], end=" ")
        print("")
        return True
    succeed = False
    for i in range(N): #枚举所有位置
        if isOk(m,i): #看可否将第m行皇后摆在第i列
            result[m] = i #可以摆在第i列，就摆上
            if queen(N,m+1): return True #接着去摆放第i+1行的皇后
    return succeed
```

## 2. 递推

```
n = int(input())
D = []
maxSum = [[-1 for j in range(i+1)] for i in range(n)]
def main():
    for i in range(n):
        lst = list(map(int,input().split()))
        D.append(lst)
    for i in range(n):
        maxSum[n-1][i] = D[n-1][i]
    for i in range(n-2,-1,-1):
        for j in range(0,i+1):
            maxSum[i][j] = max(maxSum[i+1][j],maxSum[i+1][j+1]) + D[i][j]
    print(maxSum[0][0])

main()
```

## 空间优化后的程序

```
n = int(input())
D = []
def main():
    for i in range(n):
        lst = list(map(int,input().split()))
        D.append(lst)
    maxSum = D[n-1]
    for i in range(n-2,-1,-1):
        for j in range(0,i+1):
```

```
        maxSum[j] = max(maxSum[j],maxSum[j+1]) + D[i][j]
    print(maxSum[0])

main()
```

# 堆

---

## 定义

1. 堆(二叉堆)是一个完全二叉树
2. 堆中任何结点优先级都高于或等于其两个子结点 ( 什么叫优先级高可以自己定义 )
3. 一般将堆顶元素最大的堆称为大根堆 ( 大顶堆 ) , 堆顶元素最小的堆称为小根堆 ( 小顶堆 )

## 性质

1. 堆顶元素是优先级最高的(啥叫优先级高可自定义)
2. 堆中的任何一棵子树都是堆
3. 往堆中添加一个元素, 并维持堆性质, 复杂度 $O(\log(n))$
4. 删除堆顶元素, 剩余元素依然维持堆性质, 复杂度 $O(\log(n))$
5. 在无序列表中原地建堆, 复杂度 $O(n)$

## 作用

1. 堆用于需要经常从一个集合中取走(即删除)优先级最高元素, 而且还要经常往集合中添加元素的场合(堆可以用来实现优先队列)
2. 可以用堆进行排序, 复杂度 $O(n\log(n))$ , 且只需要 $O(1)$ 的额外空间, 称为“堆排序”。递归写法需要 $O(\log(n))$ 额外空间, 非递归写法需要 $O(1)$ 额外空间。

# 树

---

## 概念

1. 每个结点可以有任意多棵不相交的子树

2. 子树有序，从左到右依次是子树1, 子树2.....
3. 二叉树的结点在只有一棵子树的情况下，要区分是左子树还是右子树。树的结点在只有一棵子树的情况下，都算其是第1棵子树（所以二叉树不是树）
4. 支持广度优先遍历、前序遍历（先处理根结点，再依次处理各个子树）和后序遍历（先依次处理各个子树，再处理根结点），中序遍历无明确定义

## 性质

1. 结点度数最多为K的树，第i层最多 $K^i$ 个结点(i从0开始)。
2. 结点度数最多为K的树，高为h时最多有 $(K^{h+1} - 1) / (K - 1)$  个结点。
3. n个结点的K度完全树，高度h是 $\log_k(n)$ 向下取整
4. n个结点的树有n-1条边

## 建树

```
class TreeNode:
    def __init__(self, val):
        self.val = val
        self.left = None
        self.right = None
```

## 森林

### 概念

1. 不相交的树的集合，就是森林
2. 森林有序，有第1棵树、第2棵树、第3棵树之分
3. 森林可以表示为树的列表，也可以表示为一棵二叉树

### 森林转二叉树

```
def woodsToBinaryTree(woods):
    # woods是个列表，每个元素都是一棵二叉树形式的树

    biTree = woods[0]
```

```

p = biTree
for i in range(1, len(woods)):
    p.addRight(woods[i])
    p = p.right
return biTree
#biTree和woods共用结点, 执行完后woods的元素不再是原儿子兄弟树

```

## 二叉树转森林

```

def binaryTreeToWoods(tree):
#tree是以二叉树形式表示的森林
    p = tree
    q = p.right
    p.right = None
    woods = [p]
    if q:
        woods += binaryTreeToWoods(q)
    return woods

#woods是兄弟-儿子树的列表, woods和tree共用结点
#执行完后tree的元素不再原儿子兄弟树

```

## 二叉树

### 定义

1. 二叉树是有限个元素的集合。
2. 空集合是一个二叉树，称为空二叉树。
3. 一个元素(称其为“根”或“根结点”)，加上一个被称为“左子树”的二叉树，和一个被称为“右子树”的二叉树，就能形成一个新的二叉树。要求根、左子树和右子树三者没有公共元素。

### 概念

1. 二叉树的元素称为“结点”。结点由三部分组成：数据、左子结点指针、右子结点指针。
2. 结点的度(degree)：结点的非空子树数目。也可以说是结点的子结点数目。
3. 叶结点(leaf node)：度为0的结点。
4. 分支结点：度不为0的结点。即除叶子以外的其他结点。也叫内部结点。
5. 兄弟结点(sibling)：父结点相同的两个结点，互为兄弟结点。

6. 结点的层次(level)：树根是第0层的。如果一个结点是第n层的，则其子结点就是第n+1层的。
7. 结点的深度(depth)：即结点的层次。
8. 祖先(ancestor)：
  - a. 父结点是子结点的祖先
  - b. 若a是b的祖先，b是c的祖先，则a是c的祖先。
9. 子孙(descendant)：也叫后代。若结点a是结点b的祖先，则结点b就是结点a的后代。
10. 边：若a是b的父结点，则对子- 11. 二叉树的高度(height)：二叉树的高度就是结点的最大层次数。只有一个结点的二叉树，高度是0。结点一共有n层，高度就是n-1。
- 12. 完美二叉树(perfect binary tree)：每一层结点数目都达到最大。即第i层有 $2^i$ 个结点。高为h的完美二叉树，有 $2^{h+1} - 1$ 个结点。
- 13. 满二叉树 (full binary tree)：没有1度结点的二叉树
- 14. 完全二叉树(complete binary tree)：除最后一层外，其余层的结点数目均达到最大。而且，最后一层结点若不满，则缺的结点定是在最右边的连续若干个。
  - a. 完全二叉树中的1度结点数目为0个或1个
  - b. 有n个结点的完全二叉树有 $\lfloor (n+1)/2 \rfloor$ 个叶结点。
  - c. 有n个叶结点的完全二叉树有 $2n$ 或 $2n-1$ 个结点(两种都可以构建)
  - d. 有n个结点的非空完全二叉树的高度为 $\lceil \log_2(n+1) \rceil - 1$ 。即：有n个结点的非空完全二叉树共有 $\lceil \log_2(n+1) \rceil$ 层结点。

## 性质

1. 第i层最多有 $2^i$ 个结点
2. 高为h的二叉树结点总数最多 $2^{h+1} - 1$
3. 结点数为n的树，边的数目为n-1
4. n个结点的非空二叉树至少有 $\lceil \log_2(n+1) \rceil$ 层结点，即高度至少为 $\lceil \log_2(n+1) \rceil - 1$
5. 在任意一棵二叉树中，若叶子结点的个数为 $n_0$ ，度为2的结点个数为 $n_2$ ，则 $n_0 = n_2 + 1$ 。
6. 非空满二叉树叶结点数目等于分支结点数加1。
7. 非空二叉树中的空子树数目等于其结点数加1。

## 实现方法



```
class BinaryTree:
    def __init__(self,data,left = None,right = None):
        self.data,self.left,self.right = data,left,right
    def addLeft(self,tree): #tree是一个二叉树
        self.left = tree
    def addRight(self,tree): #tree是一个二叉树
        self.right = tree
```

## 列表实现方法

```
class BinaryTree:
    def __init__(self,data,left = [],right = []):
        self.treeList = [data,left,right]
    def addLeft(self,tree):
        self.treeList[1] = tree.treeList
    def addRight(self,tree):
        self.treeList[2] = tree.treeList
```

## 遍历

广度优先遍历：使用队列，按层遍历

深度优先遍历：编写递归函数

前序遍历过程：1)访问根结点 2)前序遍历左子树 3)前序遍历右子树。

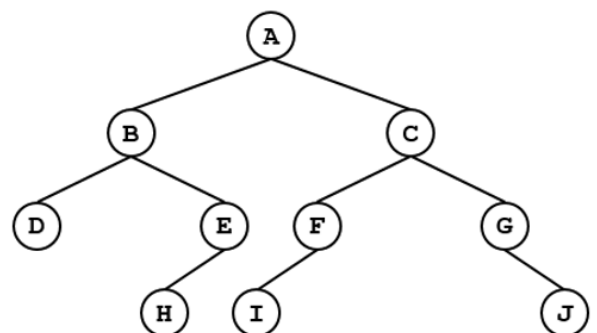
中序遍历过程：1)中序遍历左子树 2)访问根结点 3)中序遍历右子树。

后序遍历过程：1)后序遍历左子树 2)后序遍历右子树 3)访问根结点。

“访问”指的是对结点进行某种具体操作，比如输出其值、修改其值等。

遍历只需要访问每个结点一次，因此复杂度 $O(n)$ 。 $n$ 是总结点数目。

- 前序遍历访问序列：ABDEHCFGJ
- 中序遍历访问序列：DBHEAIFCGJ
- 后续遍历访问序列：DHEBIFJGCA
- 按层遍历访问序列：ABCDEFGHJI



```

class BinaryTree:
    def __init__(self, data, left = None, right = None):
        self.data, self.left, self.right = data, left, right
    def addLeft(self, tree): #tree是一个二叉树
        self.left = tree
    def addRight(self, tree): #tree是一个二叉树
        self.right = tree
    def preorderTraversal(self, op): #前序遍历,op是函数,表示操作
        op(self) #访问根结点
        if self.left: #左子树不为空
            self.left.preorderTraversal(op) #遍历左子树
        if self.right:
            self.right.preorderTraversal(op) #遍历右子树

    def inorderTraversal(self, op): #中序遍历
        if self.left:
            self.left.inorderTraversal( op)
        op(self)
        if self.right:
            self.right.inorderTraversal(op)
    def postorderTraversal(self, op): #后序遍历
        if self.left:
            self.left.postorderTraversal(op)
        if self.right:
            self.right.postorderTraversal(op)
        op(self)

    def bfsTraversal(self, op): #按层次遍历
        import collections
        dq = collections.deque()
        dq.append(self)
        while len(dq) > 0:
            nd = dq.popleft()
            op(nd)
            if nd.left:
                dq.append(nd.left)
            if nd.right:
                dq.append(nd.right)

#用法
tree.preorderTraversal(lambda x: print(x.data,end=""))
tree.preorderTraversal(lambda x: x.data+=100)

```

## 二叉搜索树

### 概念

1. 二叉树中的每个结点存储关键字 ( `key` ) 和值 ( `value` ) 两部分数据。对每个结点 `x`，其左子树中的全部结点的 `key` 都小于 `x` 的 `key`，且 `x` 的 `key` 小于其右子树中全部结点的 `key`
2. 一个二叉树中的任意一棵子树都是二叉搜索树

## 性质

一个二叉树是二叉搜索树，当且仅当其中序遍历序列是递增序列

适合对动态查找表进行高效率查找的组织结构

## 删除结点的方式

1. 若 `x` 是叶子结点：直接删除，即 `x` 的父结点去掉 `x` 这个子结点
2. 若 `x` 只有左子结点：则其左子结点取代 `x` 的地位（若 `x` 没有父亲，即为树根，则 `x` 的左儿子成为新的树根）
3. 若 `x` 只有右子结点：则其右子节点取代 `x` 的地位（若 `x` 没有父亲，即为树根，则 `x` 的右儿子成为新的树根）
4. 若 `x` 既有左子结点，又有右子节点：  
方法1：找到 `x` 中序遍历后继结点，即 `x` 右子树中最小的结点 `y`（进入 `x` 的右子节点，不停往左走），用 `y` 的 `key` 和 `value` 覆盖 `x` 的 `key` 和 `value`，然后递归删除 `y`（即接下来进行 `y` 的删除）  
  
方法2：找到 `x` 的中序遍历前驱结点，即 `x` 左子树中最大的结点 `y`（进入 `x` 的左子节点，不停往右走），用 `y` 的 `key` 和 `value` 覆盖 `x` 的 `key` 和 `value`，然后递归删除 `y`（即接下来进行 `y` 的删除）

## 哈夫曼树（最优二叉树）

1. 开始 `n` 个结点位于集合 `S`
  2. 从 `S` 中取走两个权值最小的结点 `n1` 和 `n2`，构造一棵二叉树，树根为结点 `r`，`r` 的两个子结点是 `n1` 和 `n2`，且  $W_r = W_{n1} + W_{n2}$ ，并将 `r` 加入 `S`
  3. 重复(2.)，直到 `S` 中只有一个结点，最优二叉树就构造完毕，根就是 `S` 中的唯一结点
- 不唯一

## 哈夫曼编码树

```
import heapq
class HuffmanTreeNode:
```

```

def __init__(self,weight,char=None):
    self.weight=weight
    self.char=char
    self.left=None
    self.right=None

def __lt__(self,other):
    return self.weight<other.weight

def BuildHuffmanTree(characters):
    heap=[HuffmanTreeNode(weight,char) for char,weight in characters.items()]
    heapq.heapify(heap)
    while len(heap)>1:
        left=heapq.heappop(heap)
        right=heapq.heappop(heap)
        merged=HuffmanTreeNode(left.weight+right.weight,None)
        merged.left=left
        merged.right=right
        heapq.heappush(heap,merged)
    root=heapq.heappop(heap)
    return root

def enpaths_huffman_tree(root):
    # 字典形如(idx,weight):path
    paths={}
    def traverse(node,path):
        if node.char:
            paths[(node.char,node.weight)]=path
        else:
            traverse(node.left,path+1)
            traverse(node.right,path+1)
    traverse(root,0)
    return paths

def min_weighted_path(paths):
    return sum(tup[1]*path for tup,path in paths.items())

n,characters=int(input()),{}
raw=list(map(int,input().split()))
for char,weight in enumerate(raw):
    characters[str(char)]=weight
root=BuildHuffmanTree(characters)
paths=enpaths_huffman_tree(root)
print(min_weighted_path(paths))

```

## 并查集

N 个不同的元素分布在若干个互不相交集合中，需要多次进行以下3个操作：

1. 合并a,b两个元素所在的集合 Merge(a,b)

2. 查询一个元素在哪个集合
3. 查询两个元素是否属于同一集合 Query(a,b)

## 发现它，抓住它

```
class UnionFind:
    def __init__(self, n):
        self.parent = list(range(n))
        self.rank = [0] * n

    def find(self, x):
        if self.parent[x] != x:
            self.parent[x] = self.find(self.parent[x])
        return self.parent[x]

    def union(self, x, y):
        rootX = self.find(x)
        rootY = self.find(y)
        if rootX != rootY:
            if self.rank[rootX] > self.rank[rootY]:
                self.parent[rootY] = rootX
            elif self.rank[rootX] < self.rank[rootY]:
                self.parent[rootX] = rootY
            else:
                self.parent[rootY] = rootX
                self.rank[rootX] += 1

def solve():
    n, m = map(int, input().split())
    uf = UnionFind(2 * n) # 初始化并查集，每个案件对应两个节点，一个是本身，另一个是其对立案件。
    for _ in range(m):
        operation, a, b = input().split()
        a, b = int(a) - 1, int(b) - 1
        if operation == "D":
            uf.union(a, b + n) # a与b的对立案件合并
            uf.union(a + n, b) # a的对立案件与b合并
        else: # "A"
            if uf.find(a) == uf.find(b) or uf.find(a + n) == uf.find(b + n):
                print("In the same gang.")
            elif uf.find(a) == uf.find(b + n) or uf.find(a + n) == uf.find(b):
                print("In different gangs.")
            else:
                print("Not sure yet.")

T = int(input())
for _ in range(T):
    solve()
```

## 食物链

```

class DisjointSet:
    def __init__(self, n):
        # 设[1,n] 区间表示同类 · [n+1,2*n]表示x吃的动物 · [2*n+1,3*n]表示吃x的动物。
        self.parent = [i for i in range(3 * n + 1)] # 每个动物有三种可能的类型 · 用 3
        * n 来表示每种类型的并查集
        self.rank = [0] * (3 * n + 1)

    def find(self, u):
        if self.parent[u] != u:
            self.parent[u] = self.find(self.parent[u])
        return self.parent[u]

    def union(self, u, v):
        pu, pv = self.find(u), self.find(v)
        if pu == pv:
            return False
        if self.rank[pu] > self.rank[pv]:
            self.parent[pv] = pu
        elif self.rank[pu] < self.rank[pv]:
            self.parent[pu] = pv
        else:
            self.parent[pv] = pu
            self.rank[pu] += 1
        return True

def is_valid(n, statements):
    dsu = DisjointSet(n)

    false_count = 0
    for d, x, y in statements:
        if x > n or y > n:
            false_count += 1
            continue

        if d == 1: # 同类
            if dsu.find(x) == dsu.find(y + n) or dsu.find(x) == dsu.find(y + 2 * n): # 不是
                false_count += 1
            else:
                dsu.union(x, y)
                dsu.union(x + n, y + n)
                dsu.union(x + 2 * n, y + 2 * n)

        else: # x吃y
            if dsu.find(x) == dsu.find(y) or dsu.find(x + 2 * n) == dsu.find(y):
                false_count += 1
            else: # [1,n] 区间表示同类 · [n+1,2*n]表示x吃的动物 · [2*n+1,3*n]表示吃x的动
                dsu.union(x + n, y)
                dsu.union(x, y + 2 * n)
                dsu.union(x + 2 * n, y + n)

```



```
    return false_count

if __name__ == "__main__":
    N, K = map(int, input().split())
    statements = []
    for _ in range(K):
        D, X, Y = map(int, input().split())
        statements.append((D, X, Y))
    result = is_valid(N, statements)
    print(result)
```



## 定义

1. 图由顶点集合和边集合组成，每条边连接两个不同顶点。无向图的边记为 $(u, v)$ ，有向图连接顶点的边，记为 $\langle u, v \rangle$
2. 无向图中边存在，称 $u, v$ 相邻， $u, v$ 互为邻点；有向图中边 $\langle u, v \rangle$ 存在，称 $v$ 是 $u$ 的邻点

## 概念

1. 顶点的度数：和顶点相连的边的数目。有向图中 = 入度 + 出度
2. （有向图）顶点的入度/出度：以该顶点作为终点/起点的边的数目
3. （有向图）顶点的入边/出边：以该顶点为终点/起点的边
4. 路径的长度：路径上的边的数目
5. 回路（环）：起点和终点相同的路径
6. 简单路径：除了起点和终点可能相同外，其它顶点都不相同的路径
7. 完全图：任意两个顶点都有边（无向图）/有两条相反方向的边（有向图）相连
8. 连通：如果存在从顶点 $u$ 到顶点 $v$ 的路径，就称 $u$ 到 $v$ 连通
9. 连通无向图：图中任意两个顶点 $u$ 和 $v$ 互相可达（连通图一般指的是无向的）
10. 强连通有向图：图中任意两个顶点 $u$ 和 $v$ 互相可达
11. 子图：从图中抽取部分或全部边和点构成的图
12. 连通分量（极大连通子图）：无向图的一个子图，是连通的，且再添加任何一些原图中的顶点和

边，新子图都不再连通（连通图的连通分量就是其自身，非连通的无向图有多个连通分量）

13. 强连通分量：有向图的一个子图，是强连通的，且再添加任何一些原图中的顶点和边，新子图都不再强连通

14. 带权图：边被赋予一个权值的图

15. 网络：带权无向连通图

## 性质

1. （无向图&有向图）图的边数等于顶点度数之和的一半
2. （无向图） $n$ 个顶点的连通图至少有 $n-1$ 条边
3. （无向图） $n$ 个顶点、无回路的连通图就是一棵树，有 $n-1$ 条边
4. 有一种特别的图，称为带权图（**weighted graph**）。在带权图中，每条边都有一个权重（**weight**）

在内存中存储图这种数据结构的方法有：

（1）邻接矩阵存储方法：图最直观的一种存储方法就是，邻接矩阵（**Adjacency Matrix**）。邻接矩阵的底层依赖一个二维数组。对于无向图来说，如果顶点  $i$  与顶点  $j$  之间有边，我们就将  $A[i][j]$  和  $A[j][i]$  标记为 1；对于有向图来说，如果顶点  $i$  到顶点  $j$  之间，有一条箭头从顶点  $i$  指向顶点  $j$  的边，那我们就将  $A[i][j]$  标记为 1。同理，如果有一条箭头从顶点  $j$  指向顶点  $i$  的边，我们就将  $A[j][i]$  标记为 1。对于带权图，数组中就存储相应的权重。

优点：首先，邻接矩阵的存储方式简单、直接，因为基于数组，所以在获取两个顶点的关系时，就非常高效。其次，用邻接矩阵存储图的另外一个好处是方便计算。这是因为，用邻接矩阵的方式存储图，可以将很多图的运算转换成矩阵之间的运算。

缺点：如果存储的是稀疏图（**Sparse Matrix**），即顶点很多，但每个顶点的边并不多，那邻接矩阵的存储方法就更加浪费空间了。

（2）邻接表存储方法：每个顶点对应一条链表，链表中存储的是与这个顶点相连接的其他顶点。尽管邻接表的存储方式比较节省存储空间，但链表不方便查找，所以查询效率没有邻接矩阵存储方式高。

## 遍历

### 图的深度优先遍历

```
#邻接表形式
def dfsTravel(G,op): #G是邻接表
    def dfs(v):
        visited[v] = True
        op(v)
        for u in G[v]:
```

```

        if not visited[u]:
            dfs(u)
    n = len(G) # 顶点数目
    visited = [False for i in range(n)]
    for i in range(n): # 顶点编号0到n-1
        if not visited[i]:
            dfs(i)

#非递归写法
def dfsTravel3(G,op): #顶点编号从0开始，G是邻接表
    n = len(G) # 顶点数目
    visited = [False for i in range(n)]
    for x in range(n):
        if not visited[x]:
            stack = [[x,0]] #0表示只看了0个邻点
            visited[x] = True
            while len(stack) > 0:
                nd = stack[-1] #nd[1]表示已经看过nd[1]个邻点
                v = nd[0]
                if nd[1] == 0:
                    op(v)
                if nd[1] == len(G[v]): #最后一个邻点已经看过
                    stack.pop()
                else: #对应if nd[1] == len(G[v]):
                    for i in range(nd[1],len(G[v])):
                        u = G[v][i]
                        nd[1] += 1 #看过的邻点多了一个
                        if not visited[u]:
                            stack.append([u,0])
                            visited[u] = True
                            break

```

```

#邻接矩阵形式
def dfsTravel2(G,op): #G是邻接矩阵
    def dfs(v): #从顶点v开始进行深度优先遍历
        visited[v] = True
        op(v)
        for i in range(n):
            if G[v][i] and not visited[i]:
                dfs(i)
    n = len(G) # 顶点数目
    visited = [False for i in range(n)]
    for i in range(n): # 顶点编号0到n-1
        if not visited[i]:
            dfs(i)

```

图的广度优先遍历

#邻接表形式

```
def bfsTravel(G,op): #G是邻接表形式的图，op是访问操作
    import collections
    n = len(G) #顶点数目
    q = collections.deque() #队列,即Open表
    visited = [False for i in range(n)]
    for i in range(n): #顶点编号0到n-1
        if not visited[i]:
            q.append(i)
            visited[i] = True
            while len(q) > 0:
                v = q.popleft() #弹出队头顶点
                op(v) #访问顶点v
                for e in G[v]: #G[v]是点v的边的列表,e是Edge对象
                    if not visited[e.v]: #e.v是边e的另一个顶点，还有一个是v
                        q.append(e.v)
                        visited[e.v] = True

class Edge:
    def __init__(self,v,w):
        self.v,self.w = v,w #v是顶点，w是权值
```

#邻接矩阵形式

```
def bfsTravel2(G,op):
    import collections
    n = len(G) #顶点数目
    q = collections.deque() #队列,即Open表
    visited = [False for i in range(n)]
    for x in range(n): #顶点编号0到n-1
        if not visited[x]:
            q.append(x)
            visited[x] = True
            while len(q) > 0:
                v = q.popleft()
                op(v) #访问顶点v
                for i in range(n):
                    if G[v][i]: #G[v][i]不为0说明有边(v,i)或<v,i>
                        if not visited[i]:
                            q.append(i)
                            visited[i] = True
```

## 排序

排序的稳定性

稳定性定义：

排序前后两个相等的数相对位置不变，则算法稳定。

稳定性的好处：

从一个键上排序，然后再从另一个键上排序，第一个键排序的结果可以为第二个键排序所用

各排序算法的稳定性：

- 1、堆排序、快速排序、希尔排序、直接选择排序不是稳定的排序算法；
- 2、基数排序、冒泡排序、直接插入排序、折半插入排序、归并排序是稳定的排序算法。

## 1. 冒泡排序

- 1、小的元素往前调或者把大的元素往后调；
- 2、比较是相邻的两个元素比较，交换也发生在这两个元素之间；
- 3、稳定排序算法。

```
def bubbleSort(a):
    n = len(a)
    for i in range(1,n):
        done = True #改进
        for j in range(n-i):
            if a[j+1] < a[j]:
                a[j+1],a[j] = a[j],a[j+1]
                done = False
        if done:
            break
```

## 2. 选择排序

- 1、每个位置选择当前元素最小的；
- 2、在一趟选择中，如果当前元素比一个元素小，而该小的元素又出现在一个和当前元素相等的元素后面，那么交换后稳定性就被破坏了；
- 3、举个例子，序列5 8 5 2 9， 我们知道第一遍选择第1个元素5会和2交换，那么原序列中2个5的相对前后顺序就被破坏了；
- 4、不稳定的排序算法。

```
def selectionSort(a):
    n = len(a)
    for i in range(n-1):
        minPos = i #最小元素位置
        for j in range(i+1,n):
            if a[j] < a[minPos]:
```

```

        minPos = j
    if minPos != i:
        a[minPos],a[i] = a[i],a[minPos]

```

### 3. 插入排序

- 1、已经有序的小序列的基础上，一次插入一个元素；
- 2、想要插入的元素和已经有序的最大者开始比起，如果比它大则直接插入在其后面，否则一直往前找直到找到它该插入的位置；
- 3、如果碰见一个和插入元素相 等的，那么插入元素把想插入的元素放在相等元素的后面；
- 4、相等元素的前后顺序没有改变；
- 5、稳定排序算法。

```

def insertionSort(a):
    for i in range(1,len(a)):
        e,j = a[i],i
        while j>0 and e<a[j-1]: #从右往左，方便交换，不用开空间;保证稳定
            a[j] = a[j-1] # (1)
            j -= 1
        a[j] = e

```

### 4. 快速排序

- 1、两个方向，左边的i下标一直往右走，当 $a[i] \leq a[\text{center\_index}]$ ，其中center\_index是中枢元素的数组下标，一般取为数组第0个元素。而右边的j下标一直往左走，当 $a[j] > a[\text{center\_index}]$ ；
- 2、如果i和j都走不动了， $i \leq j$ ，交换 $a[i]$ 和 $a[j]$ ，重复上面的过程，直到 $i > j$ ；
- 3、交换 $a[j]$ 和 $a[\text{center\_index}]$ ，完成一趟快速排序；
- 4、在中枢元素和 $a[j]$ 交换的时候，很有可能把前面的元素的稳定性打乱，比如序列为 5 3 3 4 3 8 9 10 11， 现在中枢元素5和3(第5个元素，下标从1开始计)交换就会把元素3的稳定性打乱；
- 5、不稳定发生在中枢元素和 $a[j]$  交换的时刻；
- 6、不稳定的排序算法。

```

#挖坑法快排
def quickSort(a,s,e): #将a[s:e+1]排序

```

```

if s>=e:
    return
i,j = s,e
while i != j:
    while i < j and a[i] <= a[j]:
        j -= 1
    a[i],a[j] = a[j],a[i]
    while i < j and a[i] <= a[j]:
        i += 1
    a[i],a[j] = a[j],a[i]
quickSort(a,s,i-1)
quickSort(a,i+1,e)

```

#霍尔法 ( 双指针法 ) 快排

```

def quick_sort(left,right,arr):
    if left<right:
        p = partition(left,right,arr)
        quick_sort(left,p-1,arr)
        quick_sort(p+1,right,arr)
def partition(arr,left,right):
    pivot = arr[right]
    i,j = left,right-1
    while i<=j:
        while i<=right and arr[i]<pivot:
            i+=1
        while j>=left and arr[j]>=pivot:
            j-=1
        if i<j:
            arr[i],arr[j] = arr[j],arr[i]
    if arr[i]>pivot:
        arr[i],arr[right] = arr[right],arr[i]
    return i

```

## 5. 归并排序

1、把序列递归地分成短序列，递归出口是短序列只有1个元素(认为直接有序)或者2个序列(1次比较和交换),然后把各个有序的短序列合并成一个有序的长序列，不断合并直到原序列全部排好序；

2、合并过程中我们可以保证如果两个当前元素相等时，我们把处在前面的序列的元素保存在结 果序列的前面，这样就保证了稳定性；

3、稳定排序算法。

```

def merge_sort(arr):
    if len(arr) > 1:
        mid = len(arr)//2
        l,r = arr[:mid],arr[mid:]
        merge_sort(l)
        merge_sort(r)

```

```

i = j = k = 0
while i < len(l) and j < len(r):
    if l[i] <= r[j]: #稳定
        arr[k] = l[i]
        i += 1
    else:
        arr[k] = r[j]
        j += 1
    k += 1
while i < len(l):
    arr[k] = l[i]
    i += 1
    k += 1
while j < len(r):
    arr[k] = r[j]
    j += 1
    k += 1

```

## 6. 希尔排序(shell)

- 1、按照不同步长对元素进行插入排序；
- 2、当刚开始元素很无序的时候，步长最大，所以插入排序的元素个数很少，速度很快；
- 3、当元素基本有序了，步长很小，插入排序对于有序的序列效率很高；
- 4、所以，希尔排序的时间复杂度会比 $O(n^2)$ 好一些

由于多次插入排序，我们知道一次插入排序是稳定的，不会改变相同元素的相对顺序，但在不同的插入排序过程中，相同的元素可能在各自的插入排序中移动，最后其稳定性就会被打乱；

- 5、不稳定的排序算法。

```

def shell_sort(arr):
    n = len(arr)
    gap = n // 2
    while gap > 0:
        j = gap
        while j < n:
            i = j - gap
            while i >= 0 and arr[i] > arr[i + gap]:
                arr[i], arr[i + gap] = arr[i + gap], arr[i]
                i -= gap
            j += 1
        gap //= 2

```

## 7. 出基数排序 数：



- 1、按照低位先排序，然后收集；再按照高位排序，然后再收集；依次类推，直到最高位；
- 2、有时候有些属性是有优先级顺序的，先按低优先级排序，再按高优先级排序，最后的次序就是高优先级高的在前，高优先级相同的低优先级高的在前；
- 3、用于整数；
- 4、需要较多的存储空间；
- 5、基于分别排序，分别收集；
- 6、稳定排序算法。

```
def radixSort(s,m,d,key): #d：元素由多少个原子组成
    for k in range(d):
        buckets = [[] for j in range(m)]
        for x in s:
            buckets[key(x,k)].append(x)
        i = 0
        for bkt in buckets:
            for e in bkt:
                s[i] = e
                i += 1
def getKey(x,i):
    tmp = None
    for k in range(i+1):
        tmp = x%10
        x //= 10
    return tmp
```

## 8. 堆排序

- 1、是选择排序的一种；
- 2、堆的结构是节点*i*的孩子为 $2*i$ 和 $2*i+1$ 节点，大顶堆要求父节点大于等于其2个子节点，小顶堆要求父节点小于等于其2个子节点，是完全二叉树；
- 3、在一个长为*n* 的序列，堆排序的过程是从第 $n/2$ 开始和其子节点共3个值选择最大(大顶堆)或者最小(小顶堆)，这3个元素之间的选择当然不会破坏稳定性。但当为 $n/2-1, n/2-2, \dots, 1$ 这些个父节点选择元素时，就会破坏稳定性。有可能第 $n/2$ 个父节点交换把后面一个元素交换过去了，而第 $n/2-1$ 个父节点把后面一个相同的元素没有交换，那么这2个相同的元素之间的稳定性就被破坏了；
- 4、不稳定的排序算法。

```
def heapify(arr, n, i):
    largest = i
    l = 2*i + 1
    r = 2*i + 2
    if l < n and arr[l] > arr[largest]:
        largest = l
    if r < n and arr[r] > arr[largest]:
        largest = r
    if largest != i:
        arr[i], arr[largest] = arr[largest], arr[i]
        heapify(arr, n, largest)

def heapsort(arr):
    n = len(arr)
    for i in range(n//2 - 1, -1, -1):
        heapify(arr, n, i)
    for i in range(n-1, 0, -1):
        arr[i], arr[0] = arr[0], arr[i]
        heapify(arr, i, 0)
```

## 9. 桶排序

- 1、如果待排序元素只有m种不同取值，且m很小，则可以采用桶排序；
- 2、设立m个桶，分别对应m种取值。桶和桶可以比大小，桶的大小就是其对应取值的大小，把元素依次放入其对应的桶，然后再按先小桶后大桶的顺序，将元素都收集起来，即完成排序。
- 3、稳定排序算法

```
def bucketSort(s,m,key = lambda x:x):
    buckets = [[] for i in range(m)]
    for x in s:
        buckets[key(x)].append(x)
    i = 0
    for bkt in buckets:
        for e in bkt: #先进先出，保证稳定
            s[i] = e
            i += 1
```

## 其他算法

### Shunting Yard算法

中缀转后缀

```

operators=['+', '-', '*', '/']
cals=['(', ')']
# 预处理数据的部分已省略。
def pre_to_post(lst):
    s_op, s_out=[], []
    while lst:
        tmp=lst.pop(0)
        if tmp not in operators and tmp not in cals:
            s_out.append(tmp)
            continue

        if tmp=="(":
            s_op.append(tmp)
            continue

        if tmp==")":
            while (a:=s_op.pop())!="(":
                s_out.append(a)

        if tmp in operators:
            if not s_op:
                s_op.append(tmp)
                continue
            if is_prior(tmp, s_op[-1]) or s_op[-1]=="(":
                s_op.append(tmp)
                continue
            while (not (is_prior(tmp, s_op[-1]) or s_op[-1]=="(")
                    or not s_op):
                s_out.append(s_op.pop())
            s_op.append(tmp)
            continue

    while len(s_op)!=0:
        tmp=s_op.pop()
        if tmp in operators:
            s_out.append(tmp)

    return " ".join(s_out)

def is_prior(A,B):
    if (A=="*" or A=="/") and (B=="+" or B=="-"):
        return True
    return False

def input_to_lst(x):
    tmp=list(x)

for i in range(int(input())):
    print(pre_to_post(expProcessor(input())))

```

## Prim算法

步骤：

1. 起点入堆。
2. 堆顶元素出堆（排序依据是到该元素的开销），如已访问过，continue；否则标记为visited。
3. 访问该节点相邻节点，（访问开销（排序依据），相邻节点）入堆。
4. 相邻节点前驱设置为当前节点（如需）。
5. 当前节点入树

全部精要在于：每次走出下一步的开销都是当前最小的。

Agri-net

题目：用邻接矩阵给出图，求最小生成树路径权值和。

```
4
0 4 9 21
4 0 8 17
9 8 0 16
21 17 16 0
# 注意这一步continue很关键，因为一个节点会同时很多存在于pq中（这是由出队标记决定的）
# 如果不设计这一步continue，则会重复加路径长。
```

```
from heapq import heappop, heappush
def prim(matrix):
    ans=0
    pq,visited=[(0,0)], [False for _ in range(N)]
    while pq:
        c,cur=heappop(pq)
        if visited[cur]:continue
        visited[cur]=True
        ans+=c
        for i in range(N):
            if not visited[i] and matrix[cur][i]!=0:
                heappush(pq,(matrix[cur][i],i))
    return ans

while True:
    try:
        N=int(input())
        matrix=[list(map(int,input().split())) for _ in range(N)]
        print(prim(matrix))
    except:break
```

## Kruskal算法（Prim优先）

Agri-net

```

class DisJointSet:
    def __init__(self,num_vertices):
        self.parent=list(range(num_vertices))
        self.rank=[0 for _ in range(num_vertices)]

    def find(self,x):
        if self.parent[x]!=x:
            self.parent[x] = self.find(self.parent[x])
        return self.parent[x]

    def union(self,x,y):
        root_x=self.find(x)
        root_y=self.find(y)
        if root_x!=root_y:
            if self.rank[root_x]<self.rank[root_y]:
                self.parent[root_x]=root_y
            elif self.rank[root_x]>self.rank[root_y]:
                self.parent[root_y]=root_x
            else:
                self.parent[root_x]=root_y
                self.rank[root_y]+=1

# graph是邻接表
def kruskal(graph:list):
    res,edges,dsj=[],[],DisJointSet(len(graph))
    for i in range(len(graph)):
        for j in range(i+1,len(graph)):
            if graph[i][j]!=0:
                edges.append((i,j,graph[i][j]))

    for i in sorted(edges,key=lambda x:x[2]):
        u,v,weight=i
        if dsj.find(u)!=dsj.find(v):
            dsj.union(u,v)
            res.append((u,v,weight))
    return res

while True:
    try:
        n=int(input())
        graph=[list(map(int,input().split())) for _ in range(n)]
        res=kruskal(graph)
        print(sum(i[2] for i in res))
    except EOFError:break

```

## Kahn算法

Kahn算法的基本思想是通过不断地移除图中的入度为0的顶点，并将其添加到拓扑排序的结果中，直到图中所有的顶点都被移除。具体步骤如下：

1. 初始化一个队列，用于存储当前入度为0的顶点。

2. 遍历图中的所有顶点，计算每个顶点的入度，并将入度为0的顶点加入到队列中。
3. 不断地从队列中弹出顶点，并将其加入到拓扑排序的结果中。同时，遍历该顶点的邻居，并将其入度减1。如果某个邻居的入度减为0，则将其加入到队列中。
4. 重复步骤3，直到队列为空。

**Kahn算法的时间复杂度为 $O(V + E)$ ，其中 $V$ 是顶点数， $E$ 是边数。**它是一种简单而高效的拓扑排序算法，在有向无环图 ( DAG ) 中广泛应用。

## 拓扑排序

题目：给出一个图的结构，输出其拓扑排序序列，要求在同等条件下，编号小的顶点在前。

题解中graph是邻接表，形如graph[1]=[2,3,4]，由于本题要求顺序，因此不用队列而用优先队列。

```
from collections import defaultdict
from heapq import heappush,heappop
def Kahn(graph):
    q,ans=[],[]
    in_degree=defaultdict(int)
    for lst in graph.values():
        for vert in lst:
            in_degree[vert]+=1

    for vert in graph.keys():
        if vert not in in_degree or in_degree[vert]==0:
            heappush(q,vert)

    while q:
        vertex=heappop(q)
        ans.append('v'+str(vertex))
        for neighbor in graph[vertex]:
            in_degree[neighbor]-=1
            if in_degree[neighbor]==0:
                heappush(q,neighbor)
    return ans

v,a=map(int,input().split())
graph={}
for _ in range(a):
    f,t=map(int,input().split())
    if f not in graph:graph[f]=[]
    if t not in graph:graph[t]=[]
    graph[f].append(t)

for i in range(1,v+1):
    if i not in graph:graph[i]=[]

res=Kahn(graph)
print(*res)
```

## Dijkstra算法

道路 ( 更推荐第二种剪枝写法 )

N个以 1 ... N 标号的城市通过单向的道路相连。每条道路包含两个参数：道路的长度和需要为该路付的通行费 ( 以金币的数目来表示 )。Bob从1到N。他希望能够尽可能快的到那，但是他囊中羞涩。我们希望能够帮助Bob找到从1到N最短的路径，前提是他能够付得起通行费。输出结果应该只包括一行，即从城市1到城市N所需要的最小的路径长度 ( 花费不能超过K个金币 )。如果这样的路径不存在，结果应该输出-1。

S：起点；D：终点；L：道路长；T：通行费。

```
from heapq import heappop,heappush
from collections import defaultdict
K,N,R=int(input()),int(input()),int(input())
graph=defaultdict(list)
for i in range(R):
    S,D,L,T=map(int,input().split())
    graph[S].append((D,L,T))
def Dijkstra(graph):
    global K,N,R
    q,ans=[],[]
    heappush(q,(0,0,1,0))
    while q:
        l,cost,cur,step=heappop(q)
        if cur==N:return l
        for next,nl,nc in graph[cur]:
            # 剪枝：如果步数不少于N：意味着一定走了回头路，减掉。
            if cost+nc<=K and step+1<N:
                heappush(q,(l+nl,cost+nc,next,step+1))
    return -1
print(Dijkstra(graph))
```

```
from heapq import heappop,heappush
from collections import defaultdict
K,N,R=int(input()),int(input()),int(input())
graph=defaultdict(list)
for i in range(R):
    S,D,L,T=map(int,input().split())
    graph[S].append((D,L,T))

def Dijkstra(graph):
    global K,N,R
    q,ans=[],[]
    min_cost={i:float('inf') for i in range(1,N+1)}
    heappush(q,(0,0,1))
    while q:
        l,cost,cur=heappop(q)
        min_cost[cur]=min(min_cost[cur],cost)
        if cur==N:return l
        for next,nl,nc in graph[cur]:
```

```

# 剪枝1：只有花费小于等于K才能入堆。
# 剪枝2：只有到达下一个节点的花费比上次更小时才能入堆（否则路程长花费大，无意义）。

if cost+nc<=K and nc+cost<min_cost[next]:
    heappush(q, (l+nl, cost+nc, next))

return -1
print(Dijkstra(graph))

```

## Kosaraju算法

```

def dfs1(graph, node, visited, stack):
    visited[node] = True
    for neighbor in graph[node]:
        if not visited[neighbor]:
            dfs1(graph, neighbor, visited, stack)
    stack.append(node)

def dfs2(graph, node, visited, component):
    visited[node] = True
    component.append(node)
    for neighbor in graph[node]:
        if not visited[neighbor]:
            dfs2(graph, neighbor, visited, component)

def kosaraju(graph):
    # Step 1: Perform first DFS to get finishing times
    stack = []
    visited = [False] * len(graph)
    for node in range(len(graph)):
        if not visited[node]:
            dfs1(graph, node, visited, stack)

    # Step 2: Transpose the graph
    transposed_graph = [[] for _ in range(len(graph))]
    for node in range(len(graph)):
        for neighbor in graph[node]:
            transposed_graph[neighbor].append(node)

    # Step 3: Perform second DFS on the transposed graph to find SCCs
    visited = [False] * len(graph)
    sccs = []
    while stack:
        node = stack.pop()
        if not visited[node]:
            scc = []
            dfs2(transposed_graph, node, visited, scc)
            sccs.append(scc)
    return sccs

# Example
graph = [[1], [2, 4], [3, 5], [0, 6], [5], [4], [7], [5, 6]]

```



```
sccs = kosaraju(graph)
print("Strongly Connected Components:")
for scc in sccs:
    print(scc)
```

```
"""
```

```
Strongly Connected Components:
```

```
[0, 3, 2, 1]
```

```
[6, 7]
```

```
[5, 4]
```

```
"""
```