## PRIMER PROYECTO IPC2

# 201902363 - CHRISTOPHER IVÁN MONTERROSO ALEGRIA

#### Resumen

**Aplicación** creada investigación para epidemiológica de Guatemala con el fin de calcular los patrones de sus de las células de sus pacientes para determinar la evolución de su enfermedad y con esto concluir el estado final o en ciertos periodos del paciente. Para esto se creó una aplicación con la capacidad de analizar archivos tipo xml, los cuales son cargados a una lista enlazada propia hecha desde cero, con este tipo de lista, se manejaron los archivos de lectura como también se utilizó para cada gráfica en su respectivo estado de cada paciente, y se utilizó para manejar los reportes finales de las investigaciones de los pacientes.

#### Palabras clave

Lista enlazada, Nodo, Matriz, Optimización.

### **Abstract**

Application created for epidemiological research in Guatemala in order to calculate the patterns of their patients' cells to determine the evolution of their disease and with this conclude the final state or in certain periods of the patient. For this, an application was created with the ability to analyze xml type files, which are loaded into a linked list of its own made from scratch, with this type of list, the reading files were handled as was also used for each graph in its respective status of each patient, and was used to manage the final reports of patient investigations.

#### Keywords

Linked list, Node, Matrix, Optimization.

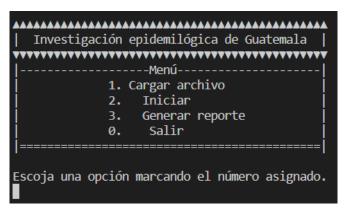
#### Introducción

La aplicación lee un archivo xml haciendo uso de la xml.etree.ElementTree, extrayendo información, guardando en una lista, los datos del paciente como el nombre, edad, las dimensiones de su célula, los periodos a realizar de la investigación y sus células contagiadas, una vez cargada la información de cada paciente se presenta la lista de los pacientes para que se escoja el que se quiere investigar, para poder realizar la investigación se crea una matriz la cual también se usa para visualizar de forma gráfica las células de los pacientes, para el cálculo de la investigación se tiene la opción de avanzar un periodo o avanzar la totalidad de periodos permitidos según el paciente, para así dar con su estado final y su gráfica final. Para las gráficas se usó la librería graphviz.

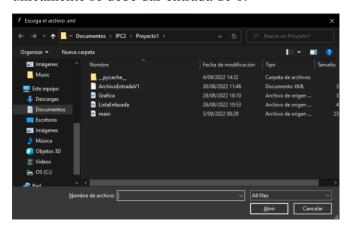
#### Desarrollo del tema

La aplicación inicia en su menú principal, el cuál nos muestra las siguientes opciones:

- 1. Carga de datos.
- 2. Iniciar.
- 3. Generar reporte.
- 4. Salir



La opción cargar datos nos presenta una ventana emergente la cual nos permite buscar nuestro archivo a cargar. Una vez cargado podemos iniciar el la visualización de pacientes dándole entrada al programa 2, sí ya hemos hecho la investigaciones requeridas podemos generar nuestro reporte dando una entrada de 3 y si deseamos salir del programa únicamente se debe dar entrada de 0.



La carga de datos tiene un funcionamiento complejo, puesto que usa la librería xml, para su carga, se usa un solo método encargado de llevar la información a una variable global para su manejo de información. En dicho método se va creando una serie de listas con nodos de tipo listas para el almacenamiento de datos.

Método para la carga de datos

Universidad de San Carlos de Guatemala Escuela de Ingeniería en Ciencias y Sistemas, Facultad de Ingeniería Introducción a la programación y computación 2, 2do. Semestre 2022.

Se utilizó una lista enlazada la cual funcionó como una lista preconfigurada de Python.

Clase Nodo

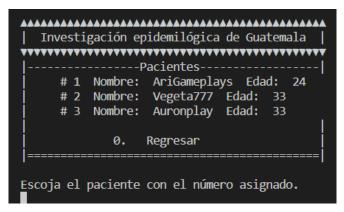
- Valor: Valor
- Siguiente Valor: None

+ \_\_init\_\_
+ \_\_str\_\_

Clase Lista Enlazada

- Primero: None
- Tamaño: int

Una vez iniciado la carga de pacientes podremos escoger dando entrada con el número de paciente según nos presente la aplicación.



Una vez escogido el paciente a investigar, la aplicación nos presentará un menú con las siguientes opciones:

- 1. Avanzar un periodo.
- 2. Avanzar de forma automática los periodos.
- 3. Graficar el estado actual del paciente.

Para calcular el siguiente periodo se utilizó el siguiente método considerando las condiciones del mismo:

```
Nuevo_periodo(matriz):
CoordenadasX_Sanas=ListaEn()
Coordenadasy Sanas=ListaEn(
CoordenadasX_Contagiadas=ListaEn()
CoordenadasY Contagiadas=ListaEn()
final = len(matriz[0])-1
for i in range(len(matriz)):
             elif i ==final and j==final:
    if matriz[i-1][j]==1 and matriz[i][j-1]==1:
        matriz[i][j]=1
               spared liquierus
elif ib0 and iffinal and j==0:
    if (matriz[i-1][j]==1 and matriz[i-1][j+1]==1 and matriz[i][j+1]==1
    or matriz[i-1][j+1]==1 and matriz[i][j+1]==1 and matriz[i+1][j+1]==1
    or matriz[i][j+1]==1 and matriz[i+1][j+1]==1 and matriz[i+1][j]==1):
                       CoordenadasX_Sanas.append(j)
CoordenadasY_Sanas.append(i)
               elif i==0 and j>0 and j<final:
if (matriz[i][j-1]==1 and matriz[i+1][j-1]==1 and matriz[i+1][j]==1
                       CoordenadasX_Sanas.append(j)
CoordenadasY_Sanas.append(i)
                   elif i==final and j>0 and j<final:
```

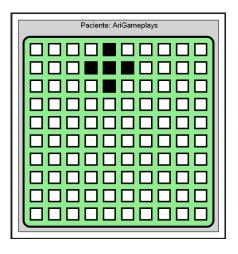
Universidad de San Carlos de Guatemala

Escuela de Ingeniería en Ciencias y Sistemas, Facultad de Ingeniería Introducción a la programación y computación 2, 2do. Semestre 2022.

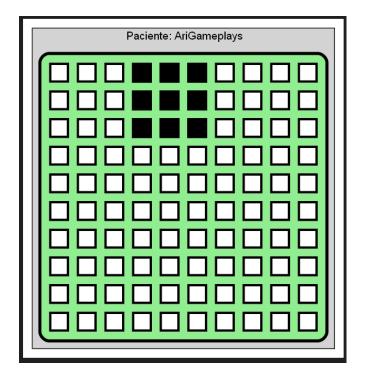
```
elif i ==final and job and joffinal:
    if (matriz[i][j]==1 and matriz[i-1][j]==1 and matriz[i][j]==1
    or matriz[i-1][j]==1 and matriz[i-1][j+1]==1 and matriz[i][j+1]==1
    ssolo abajo
    or matriz[i-1][j]==1 and matriz[i-1][j+1]==1 and matriz[i-1][j-1]==1
    );
    CoordenadasX_Sanas.append(j)
    coordenadasX_Sanas
```

Dando como resultado la nueva matriz de células del paciente.

Estado inicial del paciente.



Estado del paciente después de un periodo de investigación.



Para la creación de graficas de utilizó el siguiente método haciendo uso de graphviz.

Universidad de San Carlos de Guatemala Escuela de Ingeniería en Ciencias y Sistemas, Facultad de Ingeniería Introducción a la programación y computación 2, 2do. Semestre 2022.

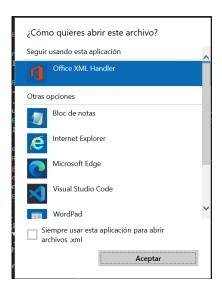
Una vez realizadas las investigaciones nos podremos dirigir al menú principal para así poder generar nuestro reporte.

Para la creación del reporte se realizó el siguiente método.

```
Generar():
    root = ET.Element("pacientes")
    for i in range(len(Lista Reporte)):
         paciente = ET.SubElement(root, "paciente")
        personales = ET.SubElement(paciente, "datospersonales")
nombre = ET.SubElement(personales, "nombre").text=Lista_Reporte[i][0]
edad = ET.SubElement(personales, "edad").text=Lista_Reporte[i][1]
        periodos = ET.SubElement(paciente, "periodos").text=Lista_Reporte[i][2]
        resultado = ET.SubElement(paciente, "resultado").text="Leve'
    archivo.write("ReportePacientes.xml",encoding="utf-8",xml_declaration=True)
    os.startfile("ReportePacientes.xml"
def Agregar_al_Reporte(nombre,edad,periodos,m):
   ListaAux= ListaEn()
    ListaAux.append(nombre)
    ListaAux.append(edad)
    ListaAux.append(periodos)
    ListaAux.append(m)
    ListaAux.append("Leve"
    Lista_Reporte.append(ListaAux)
```

Una vez generado el reporte automáticamente se nos abrirá una ventana para escoger que app se desea utilizar para visualizar el archivo xml, si no se tiene una predefinida.

En este caso al ser un archivo que puede ser visualizado con muchas aplicaciones, se utilizó bloc de notas para la demostración



Dando, así como finalizado el programa.

#### **Conclusiones**

La utilización de listas enlazadas creadas desde cero, son más funcionales que las listas por defecto de un lenguaje de programación.

La optimización con el uso de listas es complicada si no se usa una lista de tipo de pila

## Referencias bibliográficas

MÉNDEZ, Mariano. 75.41 Algoritmos y Programación II Tda Lista y sus Derivados.

OJEDA, Luis Roberto. Tda Programacion Orientado a Objetos en Turbo. Univ. Nacional de Colombia.