

IPV Workshop: Das Gymy

Imanol Schlag



Inhaltsverzeichnis

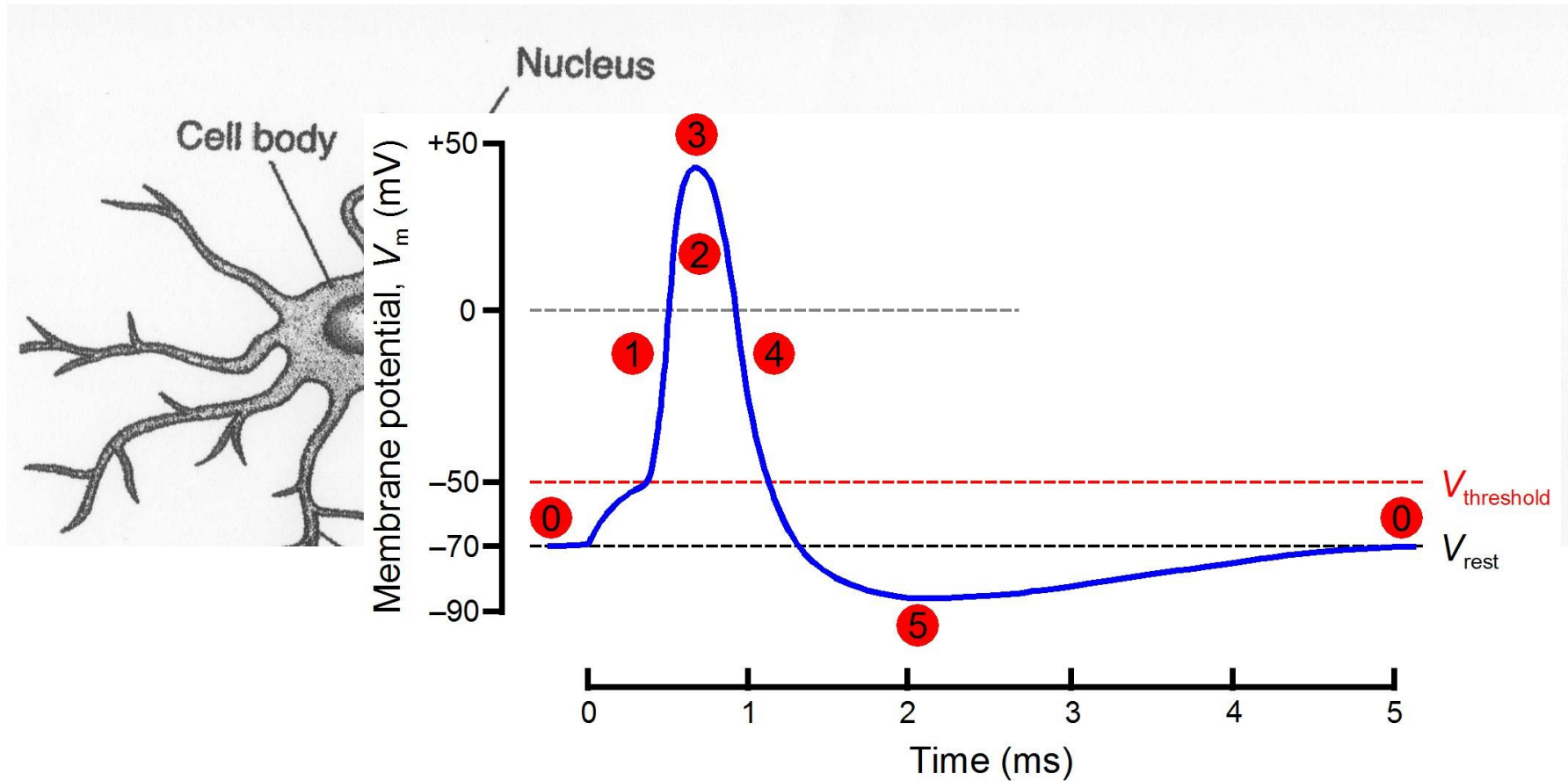
1. Ziel
2. Was ist es und wie funktioniert es?
3. Implementation
4. Resultate
5. Fazit

Ziel



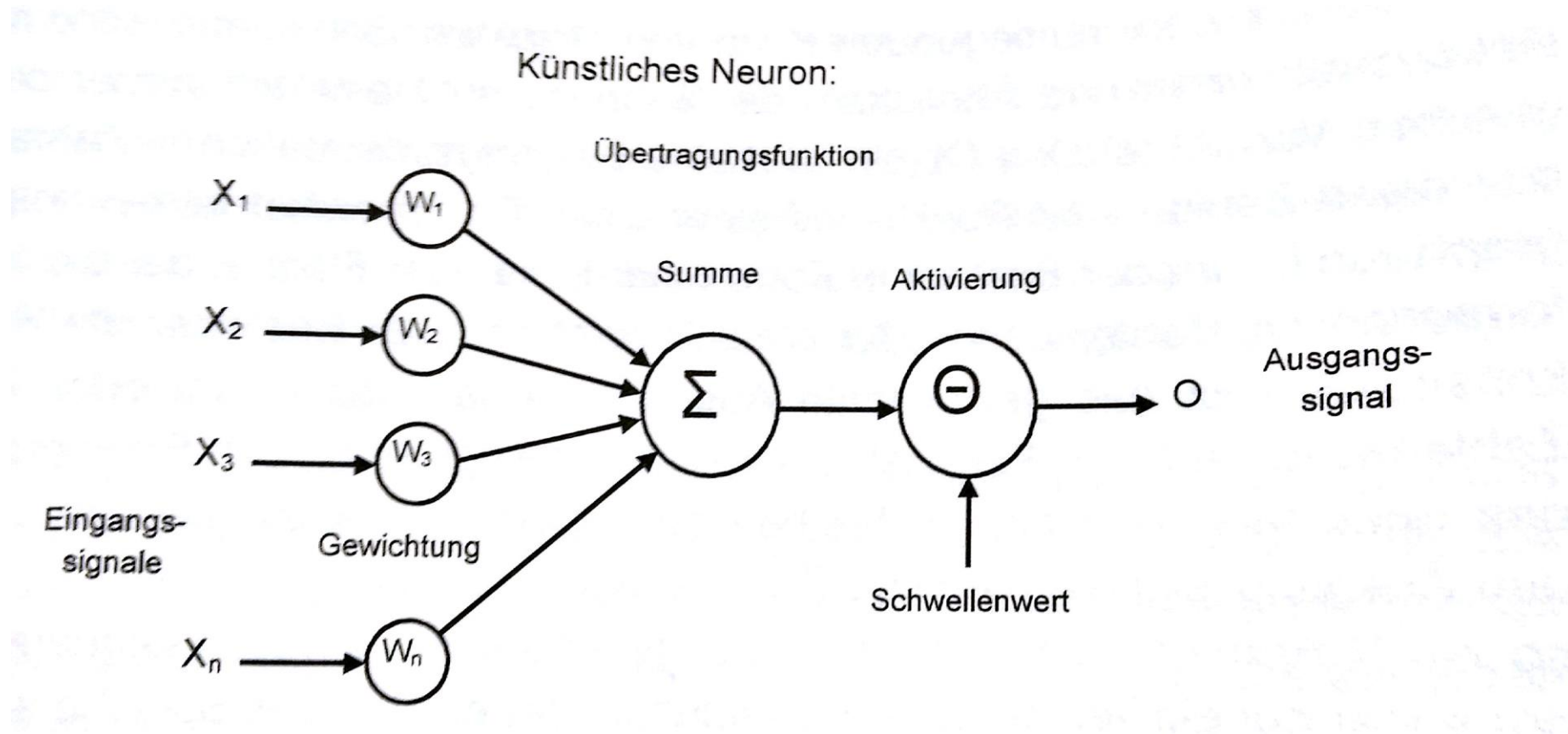
Prof. Hans Gysin
Institut für Automation
Hochschule für Technik

Gymy – Das Neuron



© PhysiologyWeb at www.physiologyweb.com

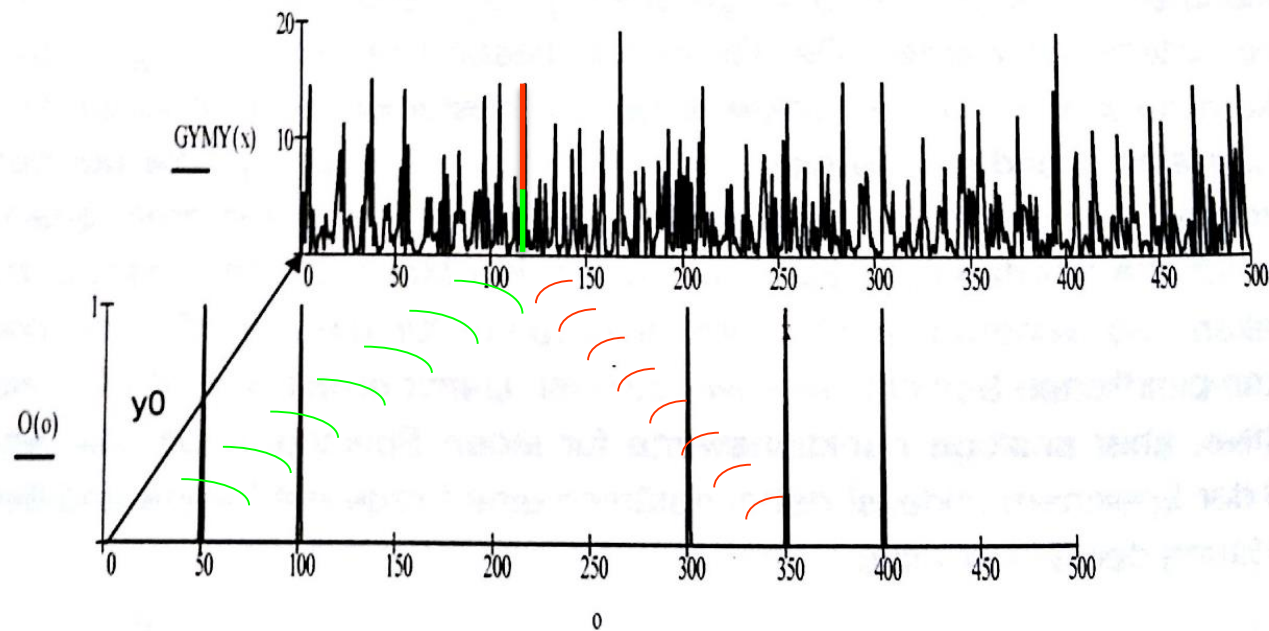
Gymy – Ein künstliches Neuron



Gymy – Das Gymy als Assoziativspeicher

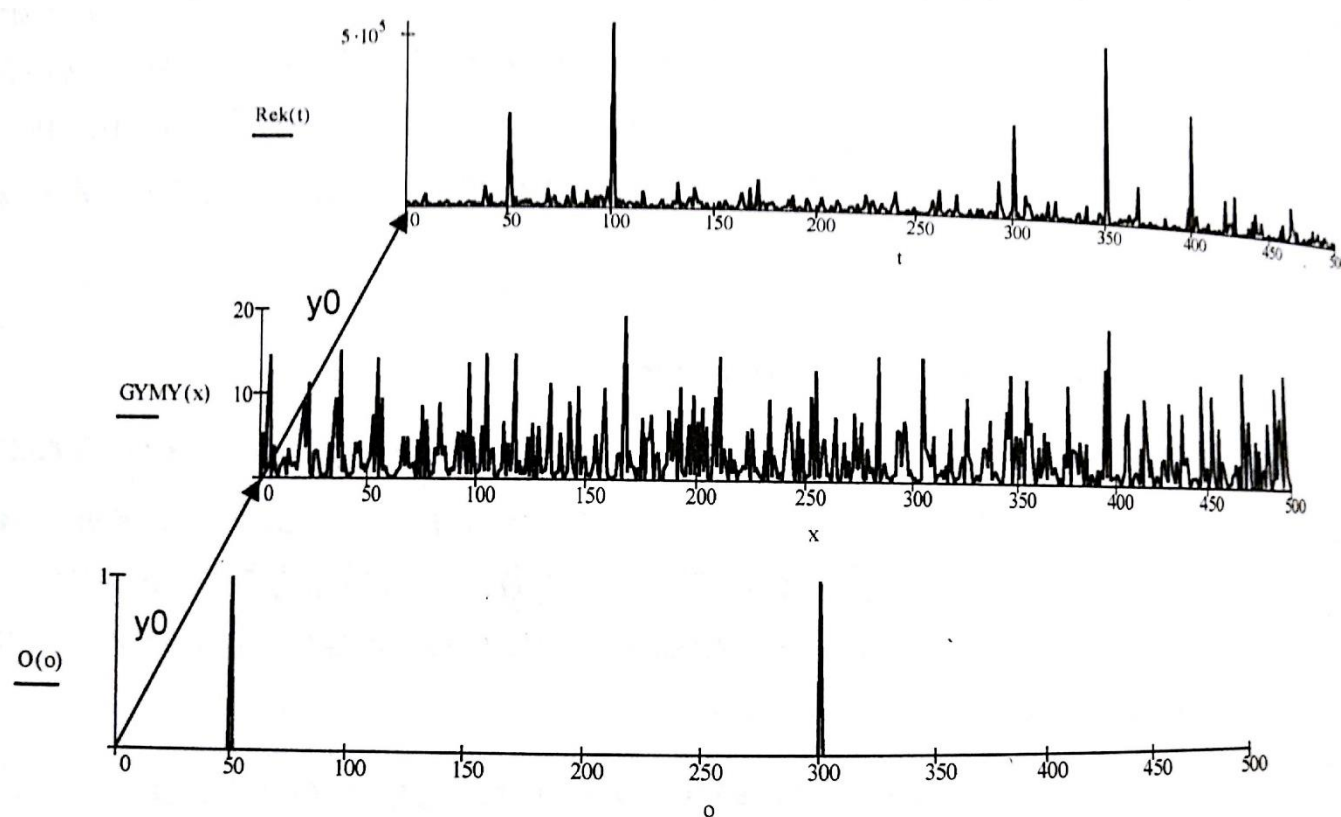
Konstruktion:

$$\text{GYMY}(x) := \left[\sum_i \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{y_0^2 + (\text{Objekt}_i - x)^2} \right] \right] \right]^2$$



Gymy – Das Gymy als Assoziativspeicher

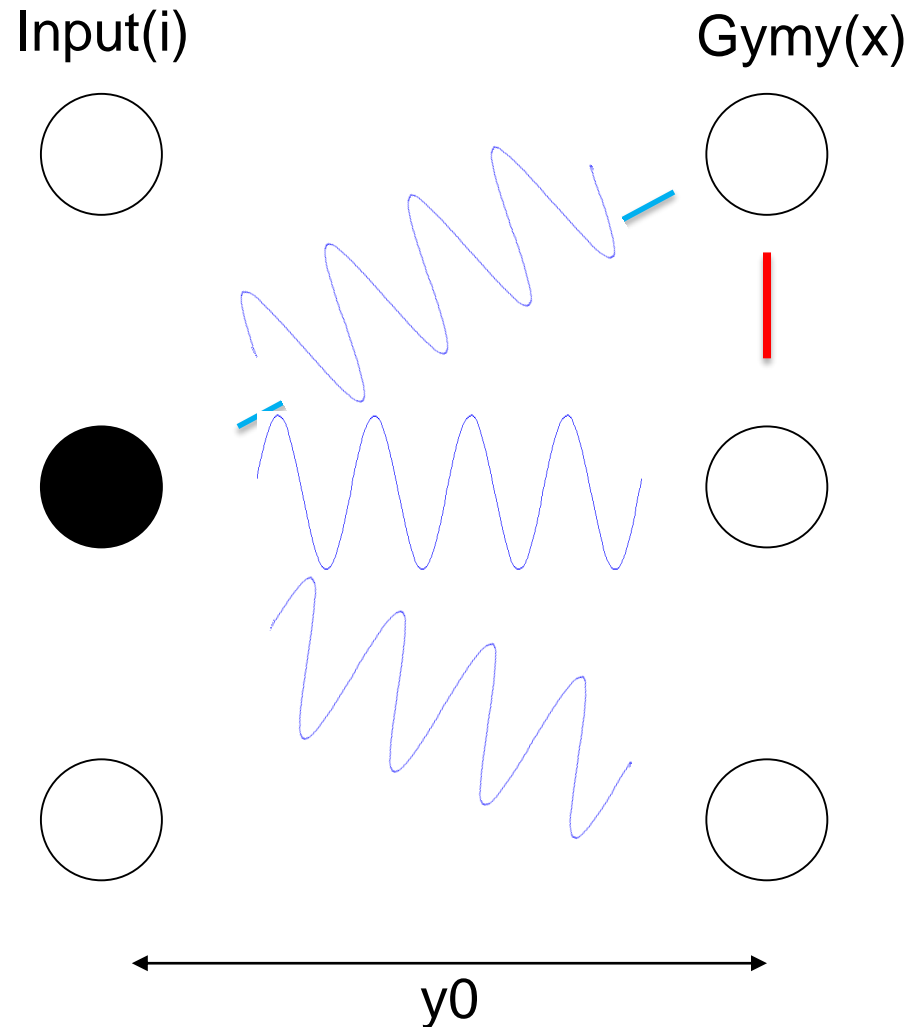
Rekonstruktion:
$$\text{Rek}(t) := \left[\sum_i \sum_x \text{GYMY}(x) \cdot \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{y_0^2 + (t-x)^2} + \sqrt{y_0^2 + (x - \text{Objekt}_i)^2} \right] \right] \right]^2$$



n|*w*

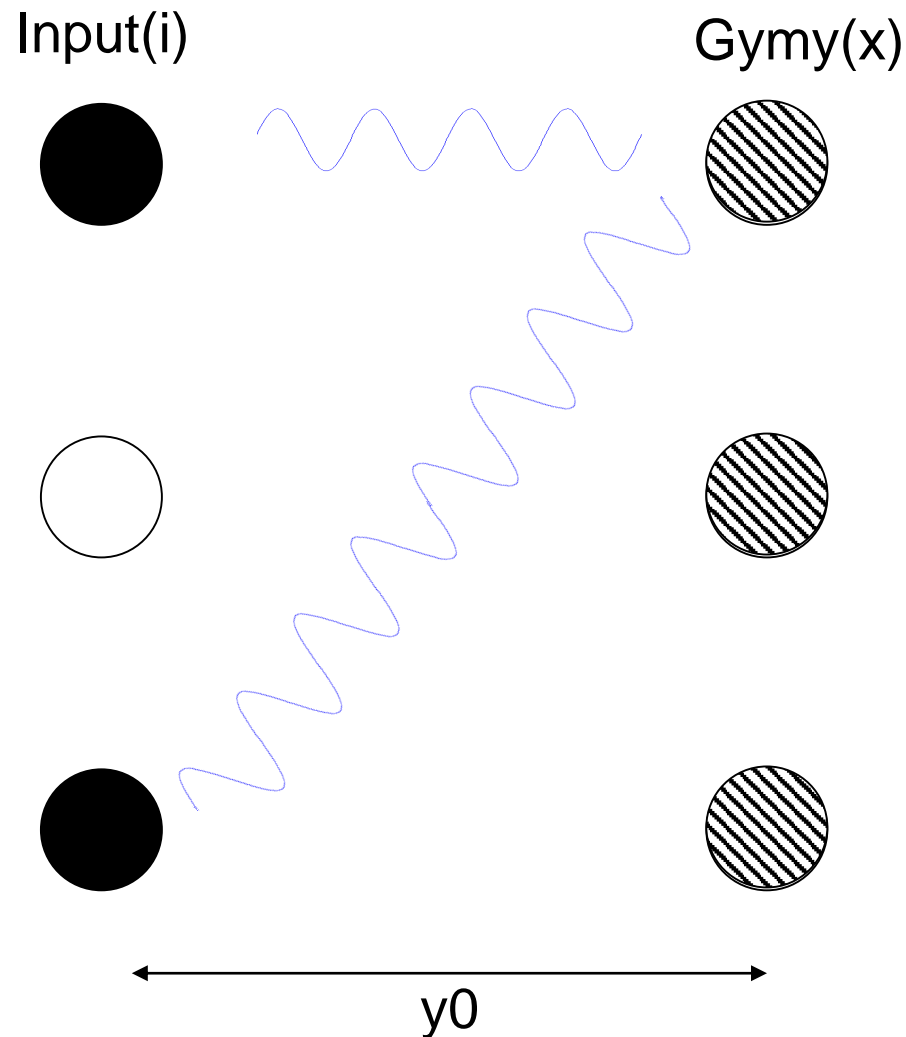
$$\text{GYMY}(x) := \left[\sum_i \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{y_0^2 + (\text{Objekt}_i - x)^2} \right] \right] \right]^2$$

Gymy – Was passiert genau? (Konstruktion)



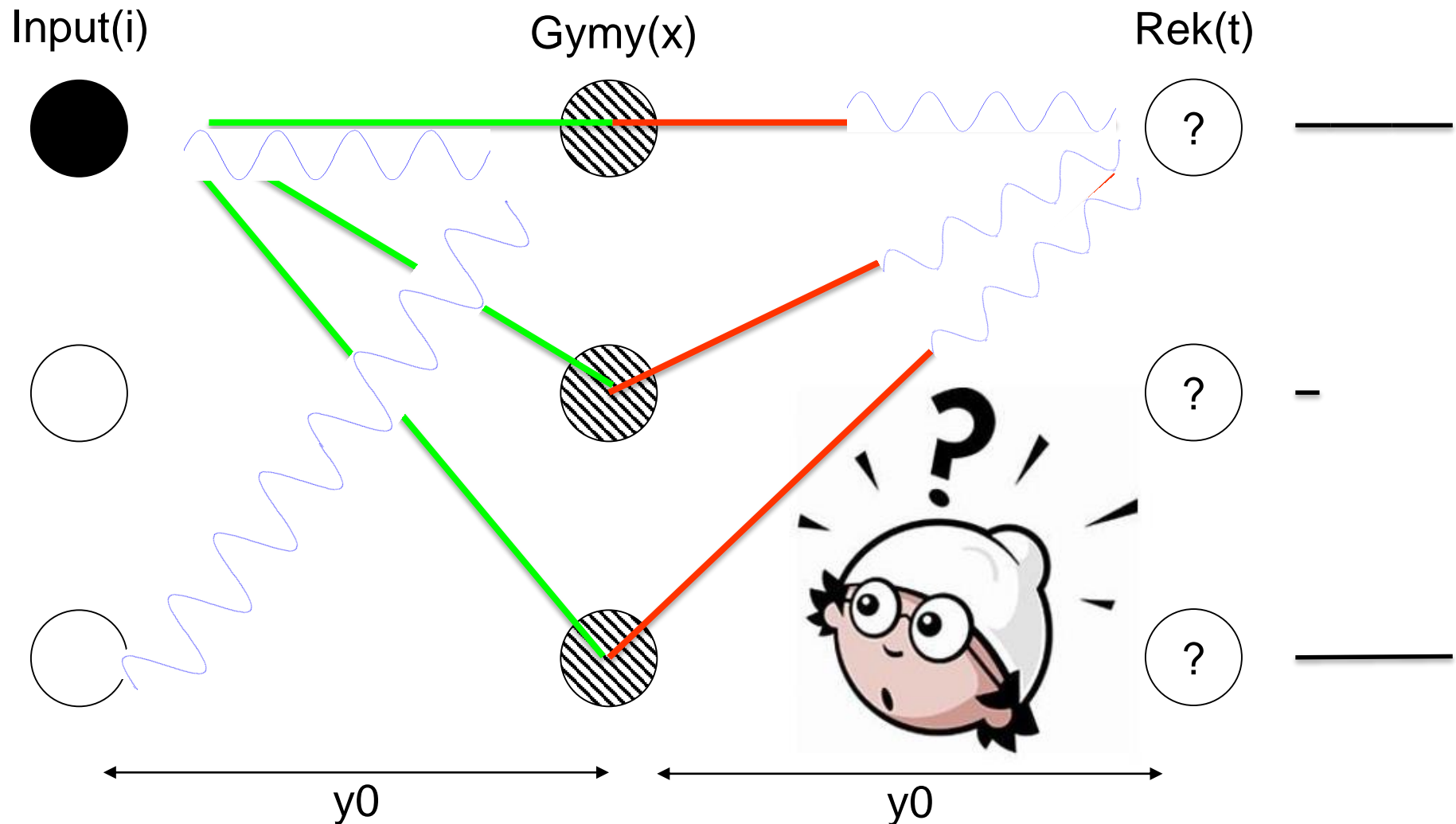
$$\text{GYMY}(x) := \left[\sum_i \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{y_0^2 + (\text{Objekt}_i - x)^2} \right] \right] \right]^2$$

Gymy – Was passiert genau? (Konstruktion)



$$\text{Rek}(t) := \left[\sum_i \sum_x \text{GYMY}(x) \cdot \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{y_0^2 + (t-x)^2} + \sqrt{y_0^2 + (x - \text{Objekt}_i)^2} \right] \right] \right]^2$$

Gymy – Was passiert genau? (Rekonstruktion)

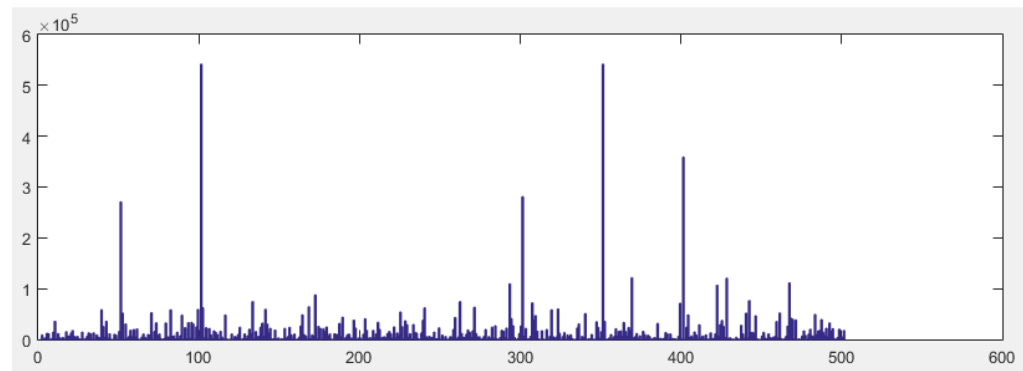
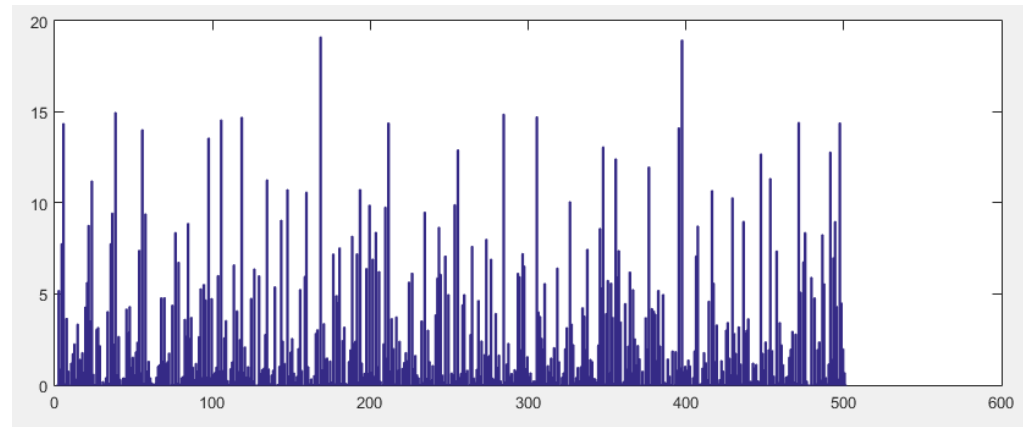
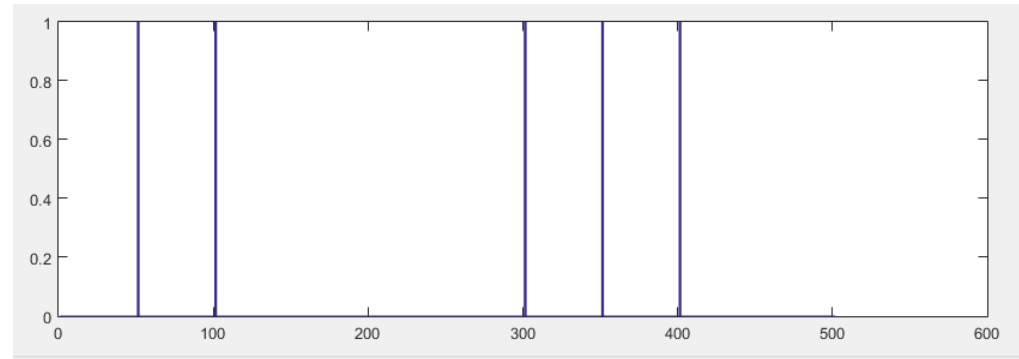


Gymy – Beispiele (1D)

Training:
[50, 100, 300, 350, 400]

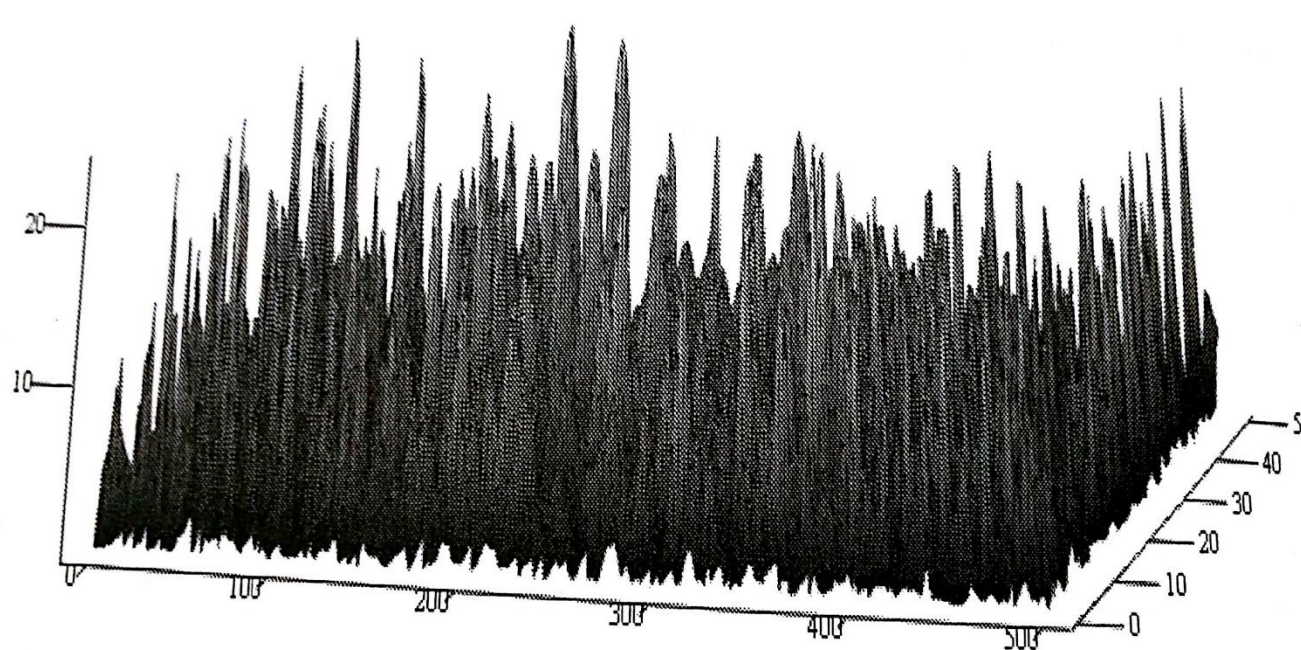
Gymy:

Rek mit [50,300]:



Gymy - zweidimensional

2-dim. GYMY

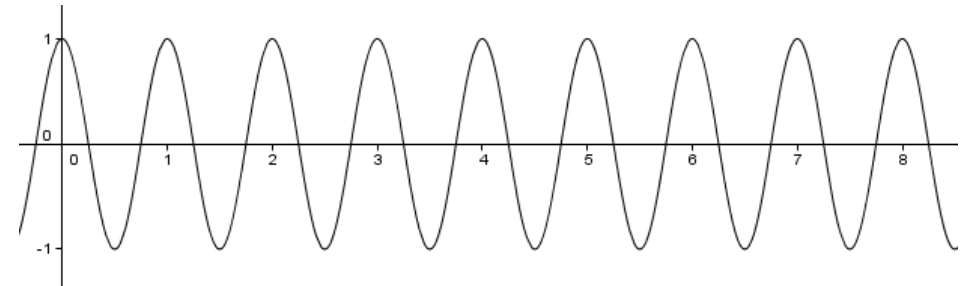


$$\text{GYMY}(x,y) := \left[\sum_{i=0}^4 \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{(y_0 + y)^2 + [x - (\text{Objekt}_i)]^2} \right] \right] \right]^2$$

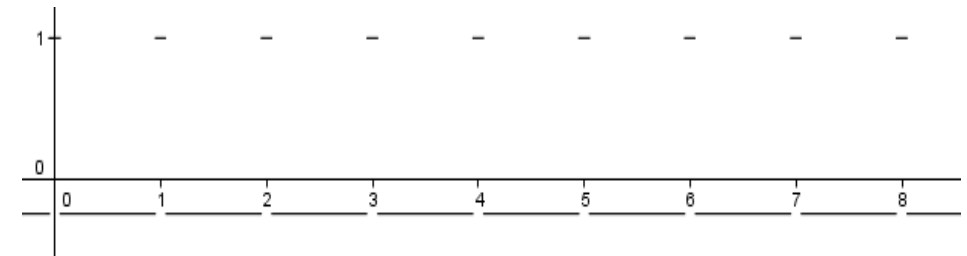
$$\text{Rek}(t) := \left[\sum_i \sum_x \sum_y \text{GYMY}(x,y) \cdot \cos \left[2 \cdot \frac{\pi}{q} \cdot \left[\sqrt{(y_0 + y)^2 + (t - x)^2} + \sqrt{(y_0 + y)^2 + (x - \text{Objekt}_i)^2} \right] \right] \right]^2$$

Gymy – Digitalisierung des Signals

$$f_1(x) = \cos(2\pi x)$$

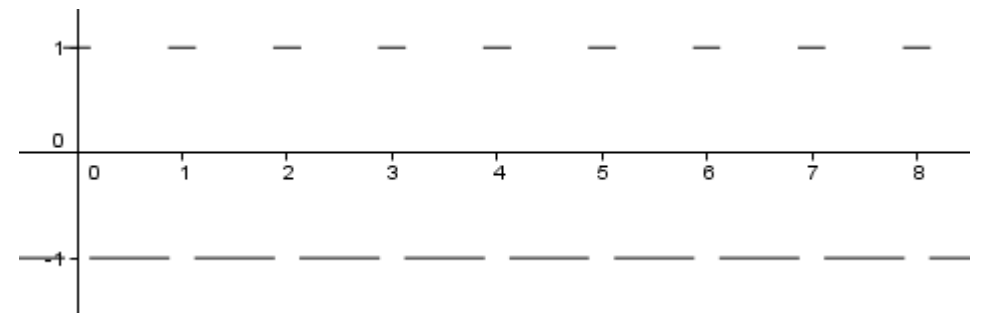


$$f_2(x) = \text{if}(\cos(2\pi x) < 0.95) \text{ then } -0.25 \text{ else } 1$$



Neuronal inspiriert:

$$f_3(x) = \text{if}(\cos(2\pi x) < 0.707) \text{ then } -1 \text{ else } 1$$

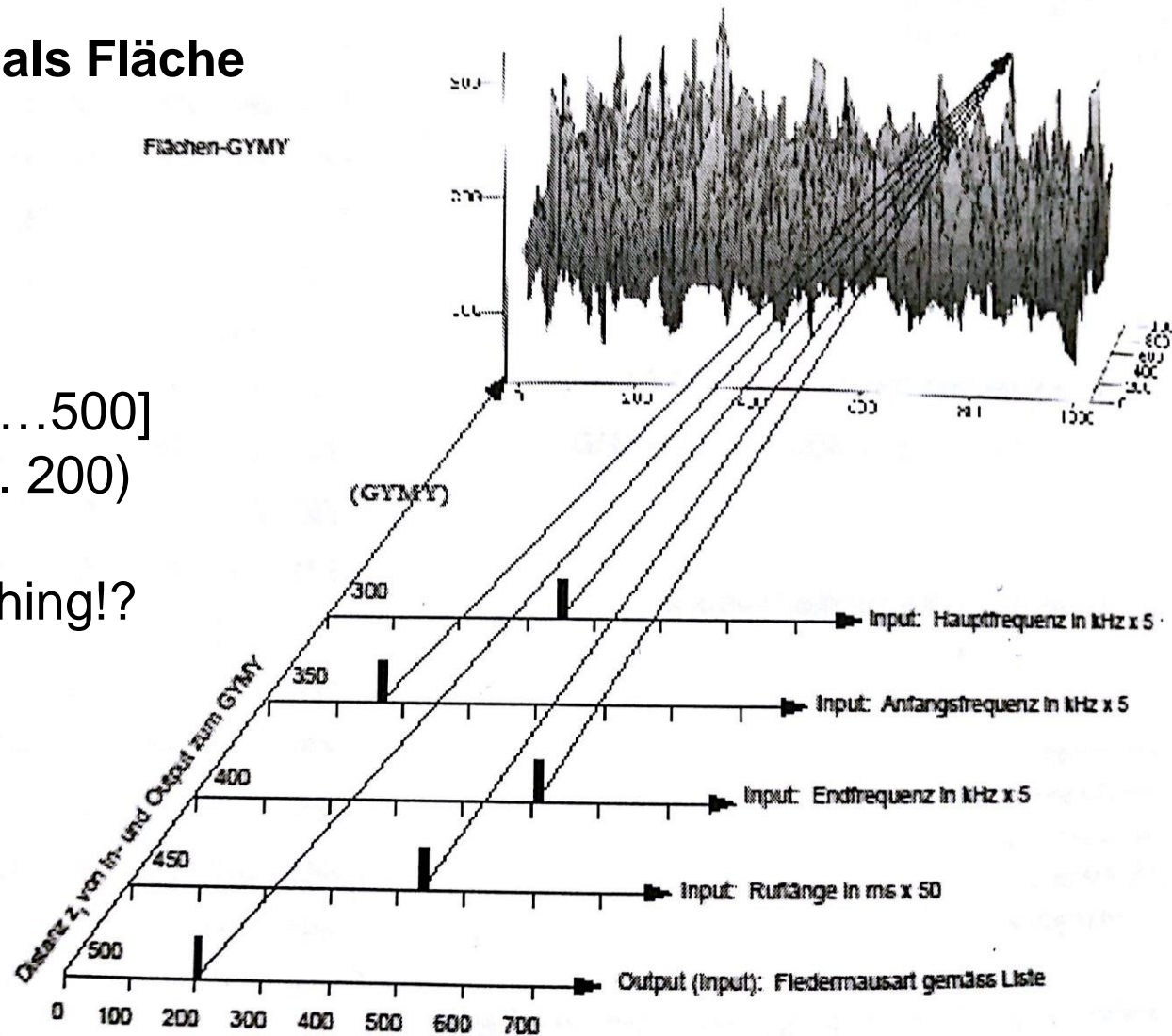


Gymy – Input als Fläche

Beispiel:

- 4 Features [0...500]
- 1 Klasse (z.B. 200)

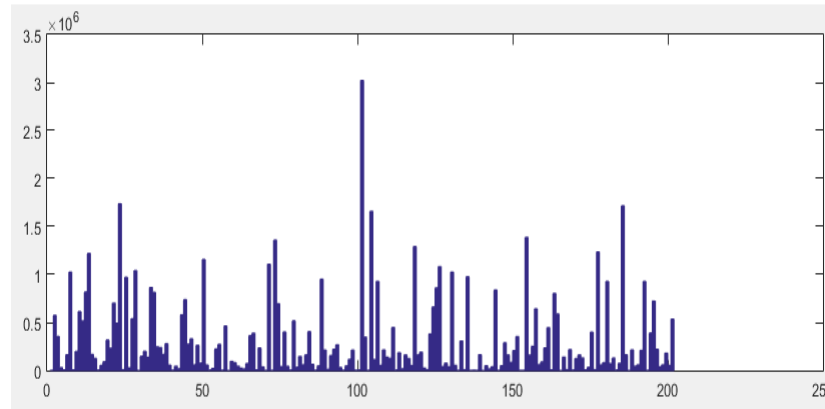
=> Pattern Matching!?



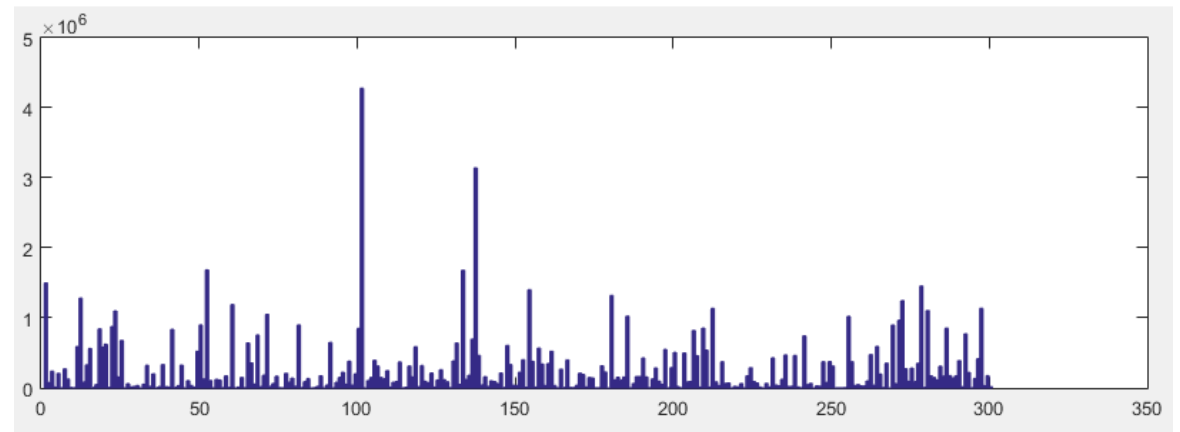
Gymy – Beispiele (2D)

Training:
32 Samples mit je 10 Werten

Gymy:
40'401 Punkte (201*201)
Rek mit 90%



Gymy:
90'000 Punkte (300*300)
Rek mit 50%





Implementation

```
void FlatGymy::gymy_builder_serial(vector<double>& gArr, const int depth,
    const int size,
    vector<double>& inputArr, const int rows, const int elements){
    const int y0 = 500;
    const int q = 1;
    for (int y = 0; y < depth; y++) {
        for (int x = 0; x < size; x++) {
            for (int j = 0; j < rows; j++) {
                double sum = 0;
                for (int i = 0; i < elements; i++) {
                    sum += cos(2 * M_PI / q * sqrt(pow(y0 + y, 2) + pow(x -
                        - inputArr[j*elements + i], 2)));
                }
                gArr[y*size + x] += pow(sum, 2);
            }
        }
    }
}
```

```
void FlatGymy::gymy_builder_amp(vector<double>& gArr, const int depth,
    const int size,
    vector<double>& inputArr, const int rows, const int elements){
    const int y0 = 500;
    const int q = 1;

    array_view<double, 2> gA(depth, size, gArr);
    array_view<const double, 2> input(rows, elements, inputArr);

    //for (int y = 0; y < depth; y++) {
    //for (int x = 0; x < size; x++) {
        parallel_for_each(
            gA.extent,
            [=](index<2> idx) restrict(amp)
            {
                double y = idx[0], x = idx[1];
                for (int j = 0; j < rows; j++) {
                    double sum = 0;
                    for (int i = 0; i < elements; i++) {
                        sum += cos(2 * M_PI / q * sqrt(pow(y0 + y, 2) +
                            pow(x - input(j,i), 2)));
                    }
                    gA(idx) += pow(sum, 2);
                }
            });
    gA.synchronize();
    //}
    //}
}
```


Implementation – Qualität einer Rekonstruktion

$$\text{Qualität } q = 1 - \frac{\max\{x \in G_{\text{my}} | x \neq \max(G_{\text{my}})\}}{\max(G_{\text{my}})}$$

1 => Gute Qualität, eindeutiges Resultat

0 => Schlechte Qualität, nicht eindeutiges Resultat

Falsche Rekonstruktionen haben in der Regel auch eine schlechte Qualität.

Resultate - Fledermausbeispiel

- 4 Fledermaustypen (100, 200, 300, 400)
- Je 8 Training-Samples (Total 32)
- 4 Test-Samples
- Jedes Sample mit 4 Features
 - Hauptfrequenz
 - Endfrequenz
 - Anfangsfrequenz
 - Ruflänge
- Gymy: 201*201 (40'401 Punkte)
- Herr Gysin's Mathwork Variante: ~55min für 1 Sample
- Meine c++ amp Variante: ~1min für alle 32 Samples bzw. ~4s für 1 Sample
 - Average Quality: 0.849489
 - Fehler in den Trainingsdaten: 1
 - Fehler in den Testdaten: 0

```
>{ 340, 204, 167, 264, 100},
>{ 212, 180, 164, 371, 100},
>{ 433, 214, 185, 226, 100},
>{ 431, 214, 183, 235, 100},
>{ 340, 189, 157, 286, 100},
>{ 354, 198, 154, 294, 100},
>{ 369, 192, 155, 298, 100},
>{ 357, 180, 150, 307, 100},

>{ 248, 198, 174, 386, 200},
>{ 297, 198, 174, 338, 200},
>{ 262, 198, 176, 322, 200},
>{ 245, 192, 171, 354, 200},
>{ 242, 192, 176, 354, 200},
>{ 257, 201, 174, 327, 200},
>{ 254, 192, 169, 399, 200},
>{ 404, 229, 173, 369, 200},

>{ 494, 241, 217, 329, 300},
>{ 393, 241, 219, 247, 300},
>{ 461, 244, 216, 344, 300},
>{ 509, 232, 216, 271, 300},
>{ 392, 226, 212, 282, 300},
>{ 366, 226, 211, 288, 300},
>{ 469, 232, 204, 275, 300}
```

```
//Test
vector<double>{ 343, 180, 154, 326, 100},
vector<double>{ 390, 238, 171, 327, 200},
vector<double>{ 428, 235, 216, 310, 300},
vector<double>{ 409, 290, 267, 346, 400}
```

Resultate - Fledermausbeispiel

size	depth	type	classes	samples	elementsPerSample	ignoredElements	averageQuali	RekErrors	dauer	modi
201	201	normal	4	32	4	0	0.849489	1	64.84	alle
350	350	normal	4	32	4	0	0.916217	0	318.639	alle
350	350	normal	4	32	4	1	0.887512	0	279.88	alle
350	350	normal	4	32	4	2	0.888706	2	102.002	alle
500	350	normal	4	32	4	2	0.904634	2	264.227	alle
350	500	normal	4	32	4	2	0.916999	2	217.68	alle
500	500	normal	4	32	4	2	0.926925	2	267.004	alle
201	201	normal	4	32	4	0	0.565772	0	9.302	test4
250	250	normal	4	32	4	0	0.460571	1	13.09	test4
350	350	normal	4	32	4	0	0.560468	0	25.893	test4
500	500	normal	4	32	4	0	0.751319	0	52.381	test4
350	350	neuron	4	32	4	0	0.179468	2	25.943	test4
500	500	neuron	4	32	4	0	0.303133	0	53.361	test4



Resultate - Iris

- 3 Klassen
- 4 Features
- Je 45 Training-Samples (Total 135)
- 15 Test-Samples

size	depth	type	classes	samples	elementsPerSample	ignoredElements	averageQuali	RekErrors	dauer	modi
201	201	normal	3	135	4	0	0.655604	21	279.31	alle
350	350	normal	3	135	4	0	0.711765	20	1356.52	alle
500	500	normal	3	135	4	0	0.691586	18	3798.05	alle
350	350	normal	3	135	4	0	0.61091	5	197.329	test15
500	500	normal	3	135	4	0	0.581895	5	428.653	test15
250	250	neuron	3	135	4	0	0.339907	5	51.373	test15

Resultate - Zufallszahlen

size	depth	type	classes	samples	elementsPerSample	ignoredElements	averageQuali	RekErrors	dauer	modi
250	250	normal	10	30	4	0	0.840438	0	95.984	alle
250	250	normal	10	100	4	0	0.5411393	5	385.907	alle
250	250	normal	10	30	20	0	0.462259	2	916.735	alle
250	250	normal	10	10	20	0	0.836411	0	276.198	alle
250	250	normal	10	10	20	5	0.79183	0	205.57	alle
250	250	normal	10	10	20	10	0.638479	0	132.142	alle
250	250	normal	10	10	20	15	0.328712	4	51.532	alle
250	250	normal	10	30	50	0	0.0263044	1	267.127	last5
250	250	normal	10	30	50	0	0.157827	1	288.055	last5
250	250	normal	10	30	50	10	0.17993	3	297.715	last5
350	350	normal	10	10	20	10	0.811648	0	160.149	last5
400	250	normal	10	10	20	10	0.786932	0	122.566	last5
400	400	normal	10	10	20	0	0.91092	0	435.562	last5
250	250	neuron	10	30	4	0	0.479908	0	96.034	alle
350	350	neuron	10	10	20	10	0.494278	0	79.817	last5
250	250	neuron	10	10	20	15	0.187705	1	50.75	alle
250	250	neuron	10	30	30	0	0.705871	0	431.284	alle
250	250	normal	10	30	50	0	0.212716	21	1578.72	ale

Fazit

- Das Gymy funktioniert grundsätzlich in seiner Funktion als Assoziativspeicher
- Die Rekonstruktion könnte anstatt der Euklidischen Distanzen durch Gewichte ersetzt werden -> Performanzgewinn.
- Für ein Pattern-Matching ähnlich wie bei einfachen Neuronalen Netzwerken, scheint das Gymy noch nicht bereit zu sein.
 - Es werden für jedes Feature die gleichen fix definierten Gewichte verwendet.
 - Einflüsse der Interferenzen auf die Rekonstruktion nicht intuitiv.

Danke für eure Aufmerksamkeit.