

SEGMENTAÇÃO MULTI-CLASSES DE DADOS GEOFÍSICOS DE ALTA RESOLUÇÃO (SSS) UTILIZANDO *DEEP LEARNING*

Aluno: Cicero Pereira Batista Junior

Orientador: Leonardo Forero Mendoza

Data: 04/01/2021

Trabalho apresentado no curso BI MASTER como pré-requisito para conclusão de pós-graduação e obtenção de crédito na disciplina "Projetos de Sistemas Inteligentes de Apoio à Decisão".

RESUMO

No presente trabalho foram aplicadas e avaliadas técnicas de *Deep Learning* que permitem a segmentação de imagens acústicas submarinas, oriundas dos dados geofísicos de alta resolução (sonar de varredura lateral – SSS), em duas classes distintas: alvo refletivo e fundo lamoso.

A segmentação de imagem foi baseada em Redes Neurais Totalmente Convolucionais (*fully convolutional network*) do tipo *U-Net*.

OBJETIVOS DO TRABALHO

Tendo como *inputs* os dados de SSS, a utilização de modelos de *Deep Learning* objetiva o aperfeiçoamento e automatização do mapeamento de feições naturais no leito marinho, através da segmentação de imagens, que atualmente é realizada de maneira manual.

OPORTUNIDADES E BENEFÍCIOS

A utilização de técnicas de *Deep Learning* têm sido amplamente utilizadas na área da geofísica de exploração de hidrocarbonetos (Fase Exploratória) e tem sido fundamental para aprimorar os resultados.

Diferentemente da grande aplicação dessas técnicas na área da geofísica de exploração, nota-se carência na utilização desses métodos em outras áreas da geofísica, como a que iremos tratar nesse trabalho, que é a geofísica de alta resolução para atendimento a Projetos de Engenharia Submarina relacionadas a Projetos de Desenvolvimento da Produção de Óleo e Gás.

Nesse sentido, a proposta desse trabalho se destina aplicar Redes Neurais Totalmente Convolucionais (*fully convolutional network*), do tipo *U-Net*, em dados geofísicos de alta

resolução, mais especificamente o SSS, para otimização no tempo de execução do mapeamento de feições naturais no leito marinho.

RECURSOS COMPUTACIONAIS

Recursos de *Software*

O desenvolvimento do projeto foi baseada na linguagem de programação *Python*.

Para o carregamento, pré-processamento e visualização dos dados foram utilizadas principalmente as bibliotecas *tiff* e *scikit-learn*, além das tradicionais *matplotlib*, *numpy*, *skimage* e *opencv*.

Para a divisão dos dados de treinamento, teste e validação, bem como a implementação das redes neurais e verificação de seus desempenhos foram utilizadas o *tensorflow*, *keras* e *scikit-learn*.

Recursos de *Hardware*

Inicialmente o projeto foi desenvolvido na plataforma *online* gratuita chamada *Google Colaboratory*, porém, durante os testes iniciais, percebeu-se que a GPU dessa plataforma não possuía memória suficiente para carregar a imagem original, nem depois do redimensionamento da mesma. Além disso, outras operações não foram possíveis, como por exemplos, a normalização dos dados e divisão em *patches*.

Devido a essa restrição, o projeto final foi implementado em uma máquina local, utilizando o *Jupyter Notebook* do *Anaconda Navigator*.

ETAPAS GERAIS DO TRABALHO

A execução desse trabalho envolveu as seguintes etapas:

- (i) Escolha de uma área piloto para obtenção dos dados SSS;
- (ii) Geração do *dataset (input)* com o dado SSS processado (imagem RGB georreferenciada no formato **.tiff*);
- (iii) Geração do *target (masks)* do mapeamento das duas classes objetivas desse trabalho: alvo refletivo e fundo lamoso (imagem RGB georreferenciada no formato **.tiff*);
- (iv) Carregamento, pré-processamento e visualização do *dataset* e *target*;
- (v) Divisão do *dataset* e *target* em dados de treinamento, teste e validação para entrada no modelo;
- (vi) Simulações de redes *U-Net* e verificação de seus desempenhos;
- (vii) Escolha do melhor modelo *U-Net*;
- (viii) Conclusões;
- (ix) Trabalhos Futuros;

- (x) Bibliografia;
- (xi) Confidencialidade das Informações.

As etapas (i) a (iii) foram realizadas internamente na companhia utilizando *softwares* específicos de geofísica e GIS, portanto não serão evidenciadas neste documento.

O detalhamento das etapas (iv) a (xi) podem ser observadas a seguir, bem como no código **monografia_final_REV=A.ipynb**.

ETAPAS DETALHADAS DO TRABALHO

Carregamento , pré-processamento e visualização do *dataset* e *target*

Para o carregamento das imagens (*dataset* e *target*) no formato **.tiff* foi utilizada a biblioteca *tifffile*.

O pré-processamento dos dados iniciou-se com a necessidade de diminuir o tamanho das imagens (*dataset* e *target*) originais ora carregadas, devido a limitação computacional para execução de tarefas posteriores. Tomou-se o cuidado para que o *shape* do *dataset* fosse igual ao *shape* do *target*.

Após essa etapa, transformou-se as imagens (*dataset* e *target*) recortadas em *patches* de 128 x 128 *pixels*, utilizando a biblioteca *scikit-learn*.

Por fim, efetuou-se a alteração da 3ª dimensão do *target* de 3 para 1 para posterior entrada no modelo.

Após isso, os dados (*dataset* e *target*) ficaram com essa forma (Figuras 01 e 02):

| | |
|--|--|
| <pre>In [12]: # renomeando a variável para um nome menor dataset = patches_dataset dataset.shape Out[12]: (5985, 128, 128, 3)</pre> | <pre>In [54]: target.shape Out[54]: (5985, 128, 128, 1)</pre> |
|--|--|

(i)

(ii)

Figura 01: (i) *shape* do *dataset* e (ii) *shape* do *target*

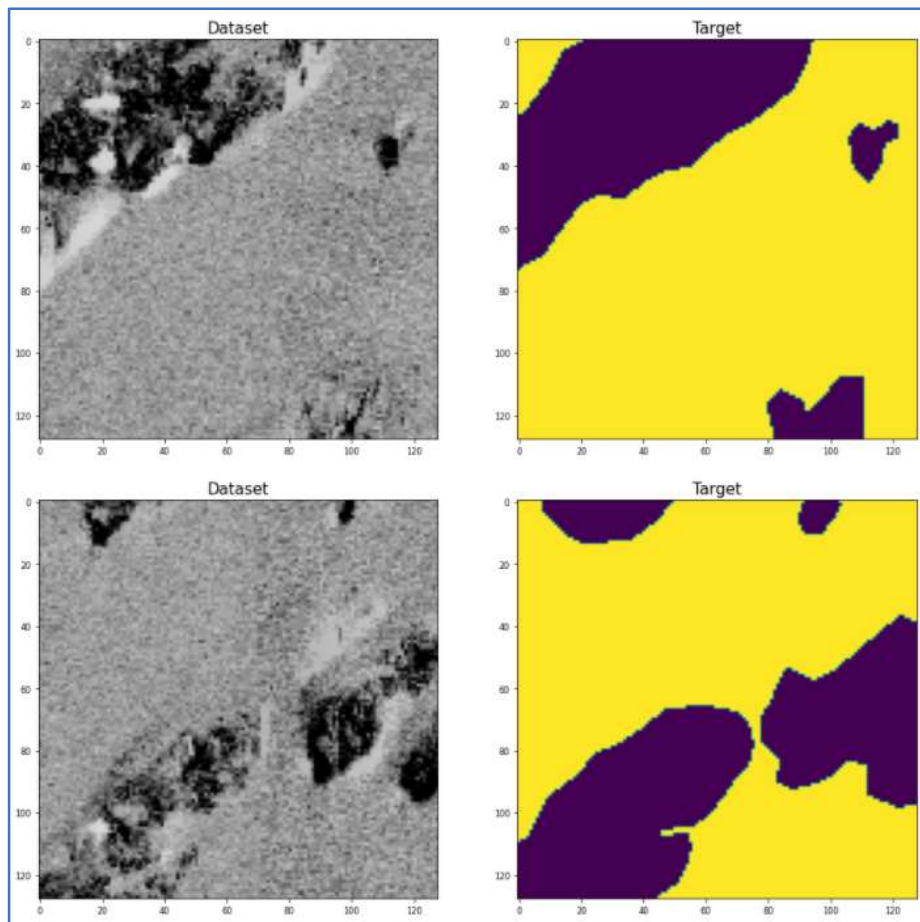


Figura 02: Visualização de 2 *patches* do *dataset* com seus respectivos *patches* do *target* (alvo refletivo = roxo e fundo lamoso = amarelo).

Divisão do *dataset* e *target* em dados de treinamento, teste e validação

Para a divisão do *dataset* e *target* em dados de treinamento (80%) e teste (20%) foi utilizada a biblioteca *scikit-learn*.

Para os dados de validação foram extraídas 1.200 amostras dos dados de treinamento.

Feito isso, os dados de treinamento, teste e validação ficaram dessa forma (Figuras 03 e 04):

```
In [95]: # verificando o shape dos dados de treinamento, teste e validação

print('Shape do x_train : {}'.format(x_train.shape))
print('Shape do x_test : {}'.format(x_test.shape))
print('Shape do y_train : {}'.format(y_train.shape))
print('Shape do y_test : {}'.format(y_test.shape))
print('Shape do x_val : {}'.format(x_val.shape))
print('Shape do y_val : {}'.format(y_val.shape))

Shape do x_train : (3588, 128, 128, 3)
Shape do x_test : (1197, 128, 128, 3)
Shape do y_train : (3588, 128, 128, 1)
Shape do y_test : (1197, 128, 128, 1)
Shape do x_val : (1200, 128, 128, 3)
Shape do y_val : (1200, 128, 128, 1)
```

Figura 03: *Shapes* dos dados de treinamento, teste e validação.

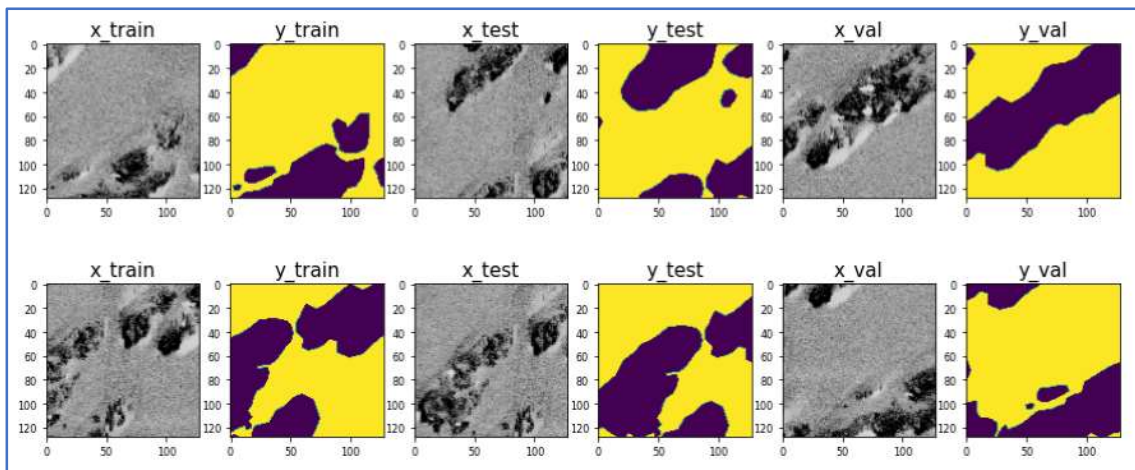


Figura 04: Visualização dos dados de treinamento, teste e validação.

Por fim, aplicou-se a normalização e conversão dos dados de entrada (x_{train} , x_{test} e x_{val}) e saída (y_{train} , y_{test} e y_{val}) para *float*, sendo que para os dados de saída foram necessárias essas operações para possibilitar utilizar futuramente o *loss = binary_crossentropy* no modelo.

Simulações de rede *U-Net* e verificação das performances

A segmentação de imagens é o processo de atribuição de uma classe de objeto para cada *pixel* de uma imagem, como pode ser observado nas Figura 02 e 04.

Como exemplos, a segmentação de imagens tem amplas aplicações em imagens médicas, carros autônomos e imagens de satélite, entre outros.

A tarefa de segmentação de imagens é treinar uma rede neural para produzir uma máscara (denominada nesse trabalho de *target*) da imagem em *pixels*. Isso ajuda a entender a imagem em um nível muito inferior, ou seja, o nível de *pixel*.

Para o desenvolvimento desse trabalho foi escolhida a rede neural totalmente convolucional com arquitetura *U-Net*.

A abordagem de uma *fully convolutional network* (rede totalmente convolucional), a qual a *U-Net* faz parte, foi introduzida por (LONG; SHELHAMER; DARRELL, 2015), em que os autores propuseram uma adaptação de redes popularizadas já existentes, que são utilizadas para classificação de imagens, transformando as camadas totalmente conectadas em camadas de convolução. Isto permite a geração de mapas de características de segmentação para cada imagem.

Em relação à tarefa de segmentação, é necessário que a rede neural seja capaz de combinar a informação da localização com a informação contextual dos mapas de características da imagem a ser predita. A *U-Net* é capaz de juntar as informações contextuais obtidas do caminho de contração (*encoder*) com as informações de localização adquiridas do caminho de expansão (*decoder*) com um bom desempenho (RONNEBERGER; FISCHER; BROX, 2015) (Figura 05).

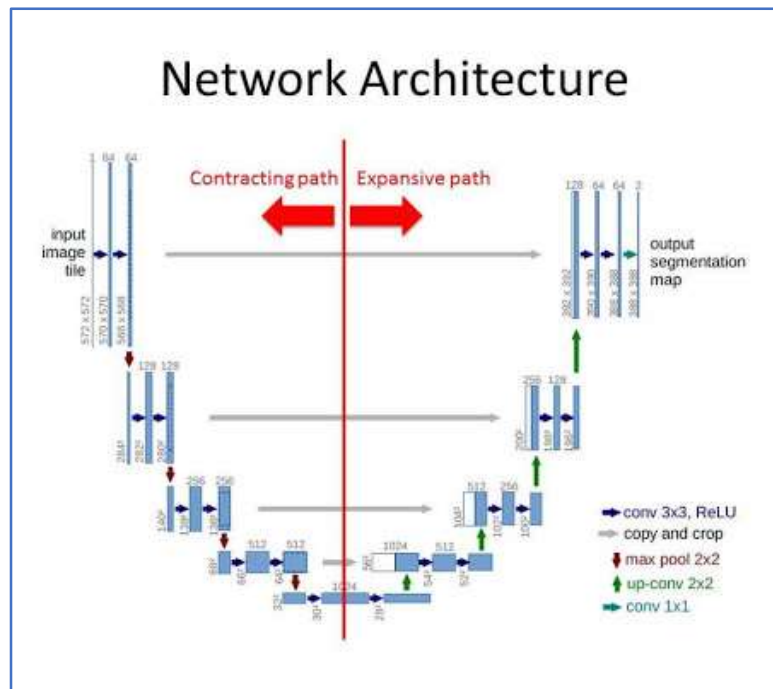


Figura 05: Arquitetura *U-Net*
(fonte: RONNEBERGER; FISCHER; BROX, 2015).

Maiores detalhes da arquitetura *U-Net* podem ser verificados no trabalho de RONNEBERGER, O.; FISCHER, P.; BROX, T. *U-net: Convolutional networks for biomedical image segmentation*. In: SPRINGER. *International Conference on Medical image computing and computer-assisted intervention*. [S.l.], 2015. p. 234–241.

Nesse trabalho foram utilizadas 3 redes *U-Net* que foram consultadas na comunidade *Kaggle*.

Importante destacar, que foram realizadas dezenas de simulações nas 3 redes, alterando principalmente o otimizador, indicador de perda, número de épocas e função de ativação. As configurações finais podem ser observadas nas Figuras 06, 07 e 08.


```

In [285]: # Construção do modelo

inputs=tf.keras.layers.Input(shape=(128,128,3))

# Contração

c1=Conv2D(16, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(inputs)
c1=Conv2D(16, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(c1)
p1=MaxPooling2D((2,2),strides=2)(c1)

c2=Conv2D(32, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(p1)
c2=Conv2D(32, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c2)
p2=MaxPooling2D((2,2),strides=2)(c2)

c3=Conv2D(64, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(p2)
c3=Conv2D(64, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c3)
p3=MaxPooling2D((2,2),strides=2)(c3)

c4=Conv2D(128, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(p3)
c4=Conv2D(128, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c4)
p4=MaxPooling2D((2,2),strides=2)(c4)

c5=Conv2D(256, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(p4)
c5=Conv2D(256, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c5)

# Expansão

U6=Conv2DTranspose(128, kernel_size=(2,2),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same",strides=(2,2))(c5)
U6=Concatenate()([U6, c4])
c6=Conv2D(128, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(U6)
c6=Conv2D(128, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c6)

U7=Conv2DTranspose(64, kernel_size=(2,2),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same",strides=(2,2))(c6)
U7=Concatenate()([U7, c3])
c7=Conv2D(64, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(U7)
c7=Conv2D(64, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c7)

U8=Conv2DTranspose(32, kernel_size=(2,2),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same",strides=(2,2))(c7)
U8=Concatenate()([U8, c2])
c8=Conv2D(32, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(U8)
c8=Conv2D(32, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c8)

U9=Conv2DTranspose(16, kernel_size=(2,2),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same",strides=(2,2))(c8)
U9=Concatenate()([U9, c1])
c9=Conv2D(16, kernel_size=(3,3),padding="same", kernel_initializer='he_normal',activation="relu")(U9)
c9=Conv2D(16, kernel_size=(3,3),activation="relu", kernel_initializer='he_normal',padding="same")(c9)

output=Conv2D(1, kernel_size=(1,1),activation="sigmoid")(c9)

modelo_1=tf.keras.Model(inputs=[inputs],outputs=[output])

In [258]: # compilação do modelo

loss=tf.keras.losses.BinaryCrossentropy()

modelo_1.compile(optimizer="adam",loss=loss,metrics=["accuracy"])

modelo_1.summary()

In [55]: # checkpoint

checkpoint=tf.keras.callbacks.ModelCheckpoint("model-SONAR-REV=H.h5", verbose=1, save_best_only=True)

# callbacks

Callbacks=[tf.keras.callbacks.EarlyStopping(patience=2, monitor="val_loss"),checkpoint]

# treinamento do modelo

Results_1=modelo_1.fit(x_train,y_train, validation_data = (x_val,y_val), batch_size=16, epochs=10, callbacks=Callbacks)

```

Figura 06: Rede U-Net 1.

```

In [282]: def conv2d_block(input_tensor, n_filters, kernel_size = 3, batchnorm = True):
    x = Conv2D(filters = n_filters, kernel_size=(kernel_size, kernel_size), kernel_initializer = 'he_normal', padding = 'same')
    if batchnorm:
        x = BatchNormalization()(x)
    x = Activation('relu')(x)
    x = Conv2D(filters = n_filters, kernel_size=(kernel_size, kernel_size), kernel_initializer = 'he_normal', padding = 'same')
    if batchnorm:
        x = BatchNormalization()(x)
    x = Activation('relu')(x)
    return x

In [283]: def get_unet(input_img, n_filters = 16, dropout = 0.5, batchnorm = True):
    c1 = conv2d_block(input_img, n_filters=n_filters, kernel_size = 3, batchnorm = batchnorm)
    p1 = MaxPooling2D(2, 2)(c1)
    p1 = Dropout(dropout*0.5)(p1)
    c2 = conv2d_block(p1, n_filters=n_filters*2, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    p2 = MaxPooling2D((2, 2))(c2)
    p2 = Dropout(dropout)(p2)
    c3 = conv2d_block(p2, n_filters=n_filters*4, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    p3 = MaxPooling2D((2, 2))(c3)
    p3 = Dropout(dropout)(p3)
    c4 = conv2d_block(p3, n_filters=n_filters*8, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    p4 = MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))(c4)
    p4 = Dropout(dropout)(p4)
    c5 = conv2d_block(p4, n_filters=n_filters*16, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    u6 = Conv2DTranspose(n_filters*8, (3, 3), strides=(2, 2), padding='same')(c5)
    u6 = concatenate([u6, c4])
    u6 = Dropout(dropout)(u6)
    c6 = conv2d_block(u6, n_filters=n_filters*8, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    u7 = Conv2DTranspose(n_filters*4, (3, 3), strides=(2, 2), padding='same')(c6)
    u7 = concatenate([u7, c3])
    u7 = Dropout(dropout)(u7)
    c7 = conv2d_block(u7, n_filters=n_filters*4, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    u8 = Conv2DTranspose(n_filters*2, (3, 3), strides=(2, 2), padding='same')(c7)
    u8 = concatenate([u8, c2])
    u8 = Dropout(dropout)(u8)
    c8 = conv2d_block(u8, n_filters=n_filters*2, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    u9 = Conv2DTranspose(n_filters*1, (3, 3), strides=(2, 2), padding='same')(c8)
    u9 = concatenate([u9, c1], axis=3)
    u9 = Dropout(dropout)(u9)
    c9 = conv2d_block(u9, n_filters=n_filters*1, kernel_size=3, batchnorm=batchnorm)
    outputs = Conv2D(1, (1, 1), activation='sigmoid')(c9)
    modelo_2 = Model(inputs=[input_img], outputs=[outputs])
    return modelo_2

In [64]: input_img = Input((128, 128, 3))
    modelo_2 = get_unet(input_img, n_filters=16, dropout=0.5, batchnorm=True)
    modelo_2.compile(optimizer='adam', loss="binary_crossentropy", metrics=["accuracy"])
    modelo_2.summary()

In [*]: earlystopper = EarlyStopping(patience=2, monitor="val_loss", verbose=1)
    checkpointer = ModelCheckpoint("model-SONAR-REV=I.h5", save_best_only=True)
    Results_2 = modelo_2.fit(x_train, y_train, validation_data = (x_val, y_val), epochs=10,
        callbacks=[earlystopper, checkpointer], verbose=1)

```

Figura 07: Rede U-Net 2.


```
In [293]: inputs = Input((128, 128, 3))

c1 = Conv2D(16, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(inputs)
c1 = Dropout(0.1)(c1)
c1 = Conv2D(16, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c1)
p1 = MaxPooling2D((2, 2))(c1)

c2 = Conv2D(32, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(p1)
c2 = Dropout(0.1)(c2)
c2 = Conv2D(32, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c2)
p2 = MaxPooling2D((2, 2))(c2)

c3 = Conv2D(64, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(p2)
c3 = Dropout(0.2)(c3)
c3 = Conv2D(64, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c3)
p3 = MaxPooling2D((2, 2))(c3)

c4 = Conv2D(128, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(p3)
c4 = Dropout(0.2)(c4)
c4 = Conv2D(128, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c4)
p4 = MaxPooling2D(pool_size=(2, 2))(c4)

c5 = Conv2D(256, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(p4)
c5 = Dropout(0.3)(c5)
c5 = Conv2D(256, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c5)

u6 = Conv2DTranspose(128, (2, 2), strides=(2, 2), padding='same')(c5)
u6 = concatenate([u6, c4])
c6 = Conv2D(128, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(u6)
c6 = Dropout(0.2)(c6)
c6 = Conv2D(128, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c6)

u7 = Conv2DTranspose(64, (2, 2), strides=(2, 2), padding='same')(c6)
u7 = concatenate([u7, c3])
c7 = Conv2D(64, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(u7)
c7 = Dropout(0.2)(c7)
c7 = Conv2D(64, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c7)

u8 = Conv2DTranspose(32, (2, 2), strides=(2, 2), padding='same')(c7)
u8 = concatenate([u8, c2])
c8 = Conv2D(32, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(u8)
c8 = Dropout(0.1)(c8)
c8 = Conv2D(32, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c8)

u9 = Conv2DTranspose(16, (2, 2), strides=(2, 2), padding='same')(c8)
u9 = concatenate([u9, c1], axis=3)
c9 = Conv2D(16, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(u9)
c9 = Dropout(0.1)(c9)
c9 = Conv2D(16, (3, 3), activation='elu', kernel_initializer='he_normal', padding='same')(c9)

outputs = Conv2D(1, (1, 1), activation='sigmoid')(c9)

modelo_3 = Model(inputs=[inputs], outputs=[outputs])
modelo_3.compile(optimizer='adam', loss='binary_crossentropy', metrics=['accuracy'])
modelo_3.summary()

In [*]: # Fit model
earlystopper = EarlyStopping(patience=2, verbose=1)
checkpointer = ModelCheckpoint("model-SONAR-REV=J.h5", verbose=1, save_best_only=True)

Results_3 = modelo_3.fit(x_train, y_train, validation_data = (x_val,y_val), epochs=20, batch_size=16,
                        callbacks=[earlystopper, checkpointer],verbose=1)
```

Figura 08: Rede U-Net 3.

As principais diferenças entre as redes, podem ser verificadas abaixo:

Rede U-Net 1: camadas de convolução e *maxpolling*. Utilizado *batch size* = 16. Número de épocas de treinamento = 10.

Rede U-Net 2: camadas de convolução, *maxpolling*, *dropout* e *batchnormalization*. Não foi utilizado *batch size*. Número de épocas de treinamento = 10.

Rede U-Net 3: camadas de convolução, *maxpolling* e *dropout*. Utilizado *batch size* = 16. Número de épocas de treinamento = 20.

Para análise da melhor rede U-Net, foram realizados o treinamento das 3 redes e seus desempenhos e curvas de aprendizagem podem ser observados respectivamente na Tabela 01 e Figura 09.

Tabela 01: Desempenhos das 3 redes *U-Net* na etapa de treinamento.

| Modelo | Acurácia Treino | Acurácia Validação | Loss Treino | Loss Validação |
|----------------|-----------------|--------------------|-------------|----------------|
| <i>U-Net 1</i> | 0,9981 | 0,9979 | 0,0048 | 0,0052 |
| <i>U-Net 2</i> | 0,9866 | 0,9866 | 0,0335 | 0,0324 |
| <i>U-Net 3</i> | 0,9971 | 0,9975 | 0,0070 | 0,0058 |

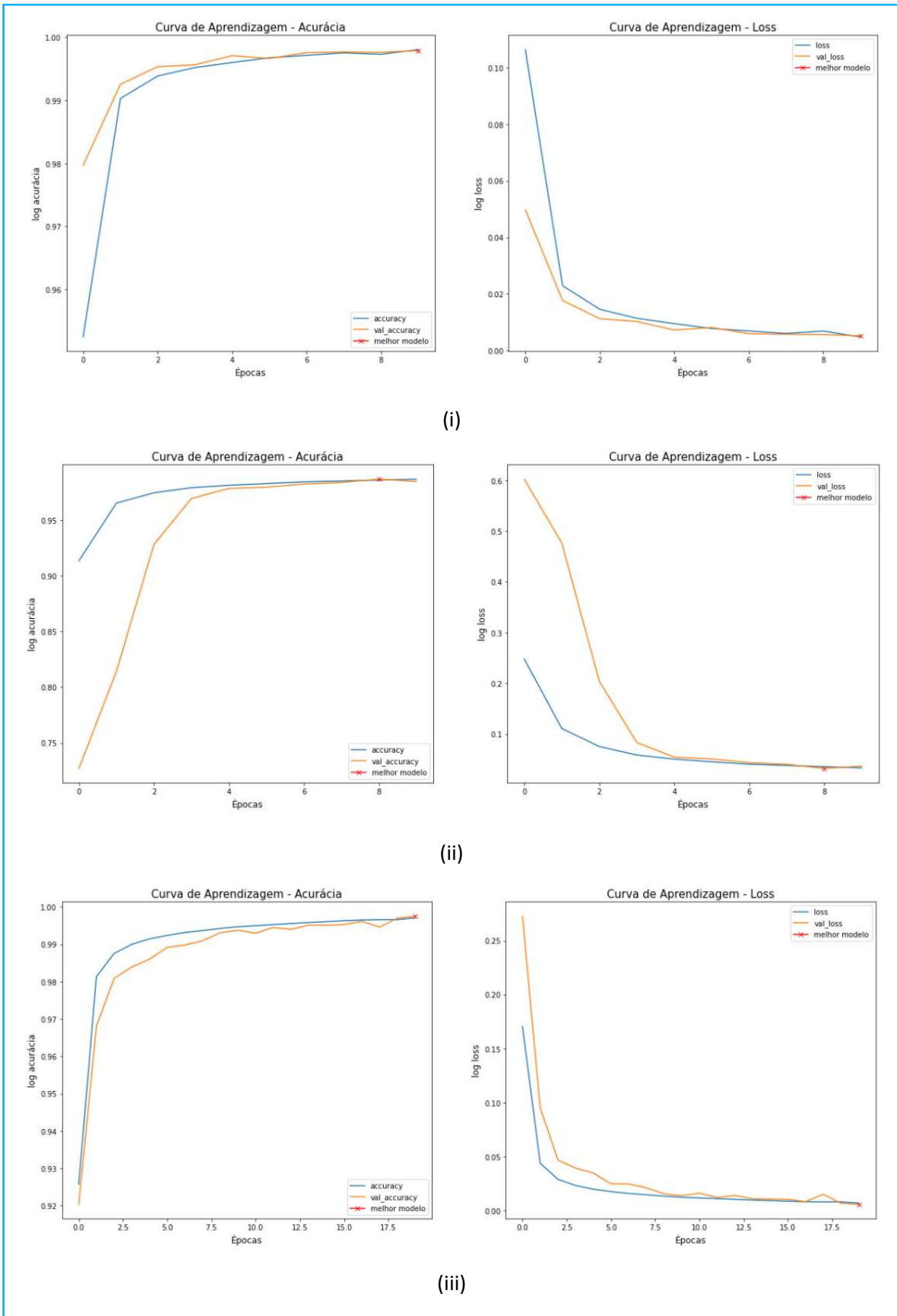


Figura 09: Curvas de aprendizagem da *acurácia* e *loss* para os modelos *U-Net 1* (i), *U-Net 2* (ii) e *U-Net 3* (iii).

Após o treinamento, as redes foram apresentadas aos dados novos (x_{test} e y_{test}) para verificar suas capacidades de generalização.

A tabela 02 apresenta os desempenhos das 3 redes *U-Net* aplicados no conjunto de dados testes.

Tabela 02: Desempenhos das 3 redes *U-Net* na etapa de teste.

| Modelo | Acurácia Teste | Loss Teste |
|----------------|----------------|------------|
| <i>U-Net 1</i> | 0,9979 | 0,0051 |
| <i>U-Net 2</i> | 0,9867 | 0,0321 |
| <i>U-Net 3</i> | 0,9975 | 0,0058 |

Escolha do melhor modelo *U-Net*

Como pode ser observado nas Tabelas 01 e 02, o melhor modelo *U-Net* para os dados apresentados é o *U-Net 1*.

A acurácia do modelo *U-Net 1* ficou na faixa de 99,8% para os dados de treinamento e teste.

Sendo assim, o modelo *U-Net 1* conseguiu a melhor previsão e segmentação das imagens originais, atingindo o objeto do trabalho de segmentar as imagens originais nas duas classes – alvo refletivo = roxo e fundo lamoso = amarelo – como pode ser observado na Figura 10.

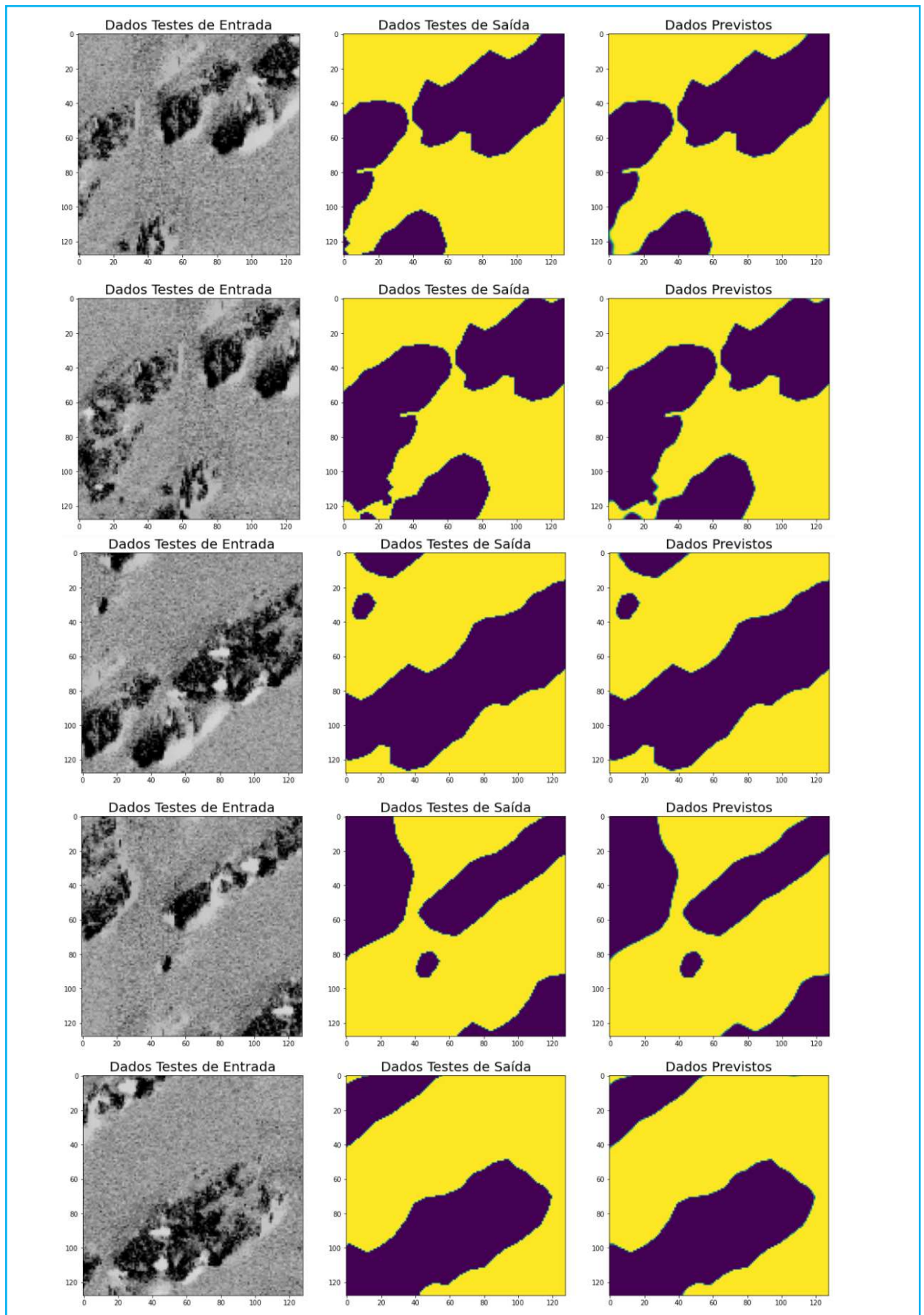


Figura 10: A esquerda são os dados originais, no centro o *target* dos dados originais e a direita as imagens previstas.

Conclusões

O objetivo principal desse trabalho foi aplicar e avaliar técnicas de *Deep Learning* que permitissem a segmentação de imagens acústicas submarinas, oriundas dos dados geofísicos de alta resolução (SSS), em duas classes distintas: alvo refletivo e fundo lamoso, para possibilitar o aperfeiçoamento e automatização do mapeamento de feições naturais no leito marinho, que atualmente é realizada de maneira manual.

Para tal objetivo, foram utilizadas 3 redes *U-Net* onde foram realizadas dezenas de simulações, alterando determinados hiperparâmetros, até que se obtivessem as melhores performances de cada rede.

Toadas as 3 redes *U-Net* obtiveram resultados muito satisfatórios, com acurácia acima de 98%, entretanto a rede *U-Net* 1 foi a que obteve o melhor resultado com acurácia na faixa de 99,8%.

A realização deste trabalho permitiu comprovar a importância das redes *U-Net* na tarefa de segmentação de imagens, atingindo resultados muito satisfatórios.

Trabalhos Futuros

Em trabalhos futuros, as principais oportunidades que podem ser exploradas são:

- colocar o código em produção (interface usuário);
- aumentar o número de classes;
- segmentar a classe alvo refletivo em mais classes;
- utilizar técnicas não supervisionadas.

Bibliografia

LONG, J.; SHELHAMER, E.; DARRELL, T. Fully convolutional networks for semantic segmentation. In: Proceedings of the IEEE conference on computer vision and pattern recognition. [S.l.: s.n.], 2015. p. 3431–3440. Citado 2 vezes nas páginas 17 e 26.

RONNEBERGER, O.; FISCHER, P.; BROX, T. U-net: Convolutional networks for biomedical image segmentation. In: SPRINGER. International Conference on Medical image computing and computer-assisted intervention. [S.l.], 2015. p. 234–241. Citado 2 vezes nas páginas 26 e 27.