Majeure Machine Learning

Techniques

Contenu



- Différents algorithmes supervisés
- Méthodes ensemblistes
- Différents algorithmes non-supervisés
- Hyperparameters Tuning

Ce que vous devrez savoir faire



- Comprendre le principe de fonctionnement de certains algorithmes de ML
- Comprendre les méthodes ensemblistes
- Etre capable de choisir les bonnes techniques
- Comprendre les différentes techniques d'Hyperparameters Tuning

Apprentissage Supervisé



Algorithmes paramétriques

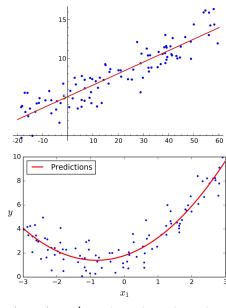
Définition : Nombre de paramètres est fixe et donc la complexité ne dépend pas du nombre de lignes des données

Régression

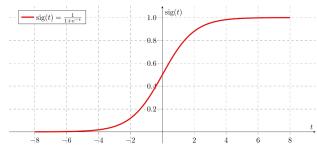
 $\bar{}$ - Linéaire : $\hat{y}(x) = heta_1 x_1 + heta_0$

Régression

Polynomiale : $\hat{y}(x) = heta_2 x^{\mathbf{2}} + heta_1 x_1 + heta_0$



Classification - Logistique : $\hat{y}(x) = \sigma(heta_1 x_1 + heta_0)$ $\sigma(x) = rac{1}{1+e^{-x}}$



Naive* Bayes

Théorème de Bayes :

$$P(A \mid B) = \frac{P(B \mid A) P(A)}{P(B)}$$

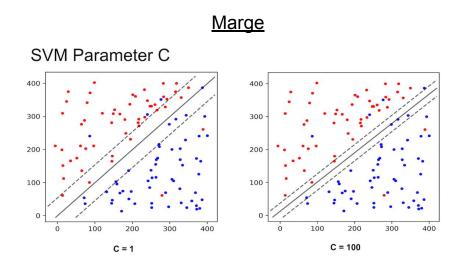
-
$$P(X_1...X_n|Y) = \prod_{i=1}^n P(X_i|Y)$$
 => Likelihood

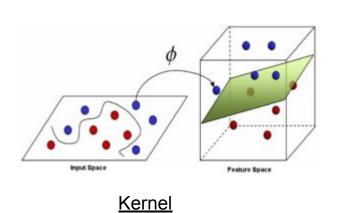
- P(Y) = 1/n_classes => Prior
- $P(X_n)$ = Gaussian, Benoulli... => Evidence

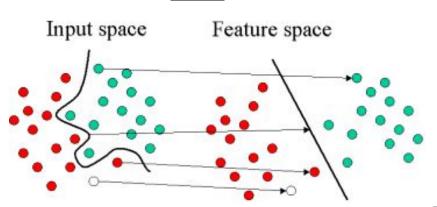
*Naive => Fait l'hypothèse que les features sont indépendantes les unes des autres.

Peu probable mais marche plutôt bien quand même

SVM (Support Vector Machine)







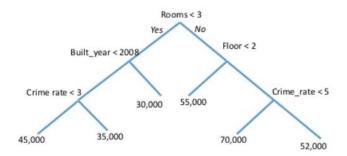


Algorithmes non-paramétriques

Définition : Nombre de paramètres et donc complexité du modèle dépendante du nombre de lignes

Arbre de décision (CART)

Régression



Tester toutes les séparations possibles
Trouver la feature et la valeur qui sépare le mieux les données*
Séparer par cette valeur
Entrer dans une des séparations

Si Nb_element > min_element_par_feuille : Recommencer le process

Sinon:

Si nb elements > 0:

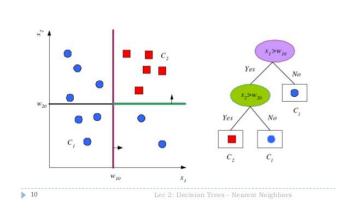
Prédiction = mean(elements) / majorité(elements)

Sinon:

Prédiction = élément Changer de séparation ou remonter

Classification

Decision Tree

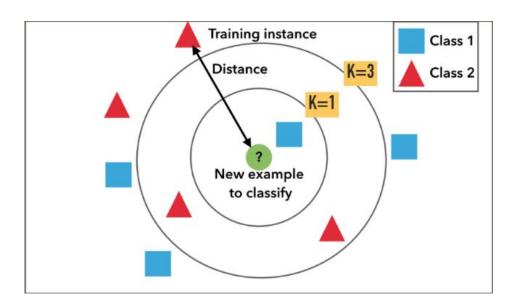


* Cost function:

Classification : Gini criterion

Régression : Somme des erreurs au carré

K-Nearest-Neighbors



Prédiction = moyenne / majorité des k plus proches voisins



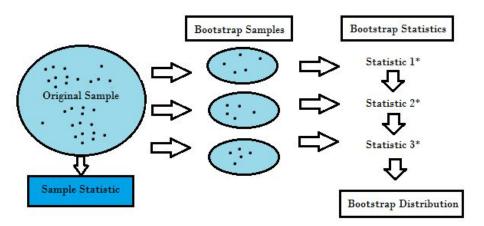
Algorithmes ensembliste

Même avec un seul algorithme on peut améliorer sa performance à l'aide d'un ensemble

Bootstrapping

Objectif: Pouvoir générer plusieurs ensembles d'entraînement

```
egin{align*} D_{bootsrap} \leftarrow \{\} \ pour \ N \ it lpha rations \ choisir al lpha to irement \ et \ uniform lpha ment \ un \ entier \ n \ parmi \ \{1, \dots N\} \ D_{bootsrap} \leftarrow D_{bootsrap} \cup \{(x_n, t_n)\} \ retourner D_{bootsrap} \ \end{cases}
```

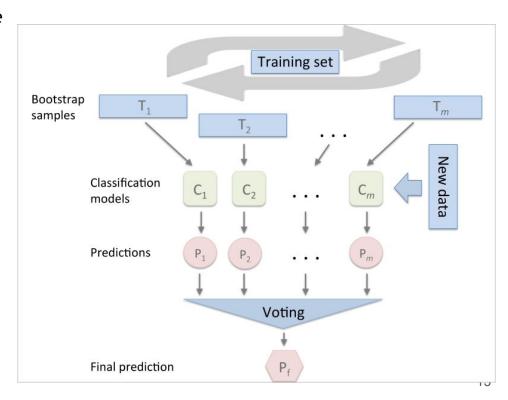


Combinaisons de modèles - Bagging (bootstrap aggregaation)

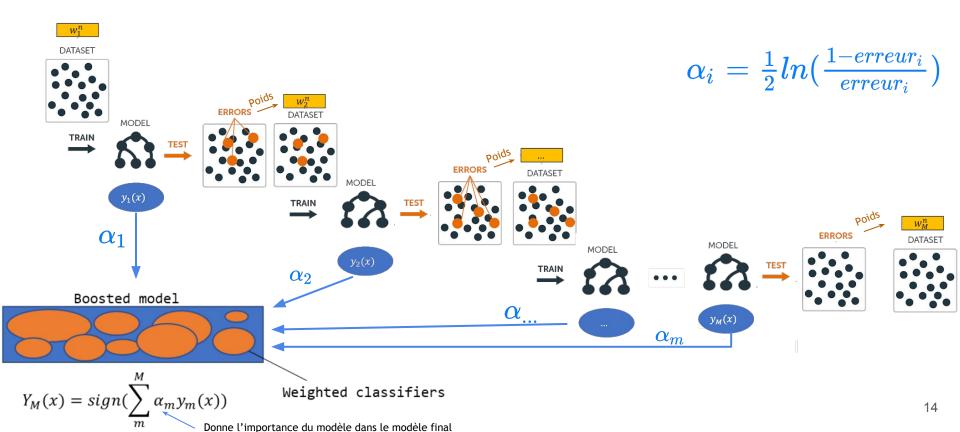
A utiliser lorsque les modèles ont une forte capacité

- **Bagging :** entraı̂ne M modèles avec un algorithme donné, sur M ensembles de données bootstrap
- $\bullet \ \ \mathsf{pour} \ m=1,\,...,\,M$
 - génère un ensemble de données bootstrap $\mathcal{D}_{ ext{bootstrap}}$ à partir de \mathcal{D}
 - entraîner un modèle $y_m(\mathbf{x})$ sur $\mathcal{D}_{ ext{bootstrap}}$
- · retourner le modèle ensemble (comité)

$$y_{\text{COM}}(\mathbf{x}) = \frac{1}{M} \sum_{m=1}^{M} y_m(\mathbf{x})$$

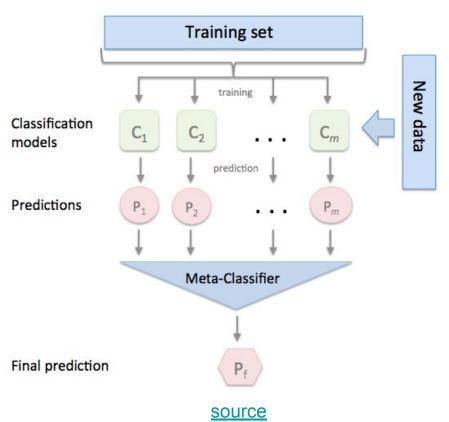


Combinaisons de modèles - Boosting



Combinaisons de modèles - Stacking

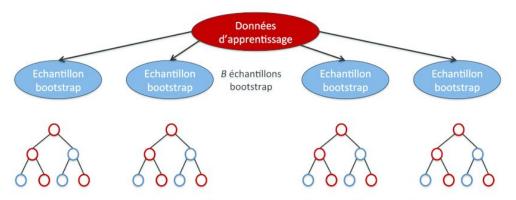
Meta-Classifier: c'est un modèle qui va prendre en entrée les prédictions des sous-modèles (peu importe les types de modèles) et qui va apprendre à les combiner pour en obtenir un résultat optimum



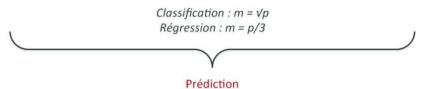
Random forest

Random forest = tree bagging + feature sampling

Feature sampling => donner accès à différentes informations selon les arbres (explication jeu du "qui est-ce")



A chaque nœud : tirage aléatoire de m variables parmi les p variables



Classification: classe majoritaire prédite par les B arbres Régression: moyenne des valeurs prédites par les B arbres

Gradient Boosting

Gradient Boosting = Descente de Gradient + Boosting

Dans le **boosting** l'importance du vote de chaque classifier est calculé par (selon sa performance) :

$$lpha_i = rac{1}{2} ln(rac{1-erreur_i}{erreur_i})$$

Le **Gradient Boosting** calcule ce poids différemment. On applique alors une descente de gradient afin d'optimiser ce poids pour chaque arbre afin d'obtenir le meilleur "meta-model"

Fonction de coût

Comparatif

Algorithme	Hyperparamètres	Avantages	Inconvénients
Régression	 Degré si polynomiale Type de régularisation Coefficient de régularisation 	- Rapide - Explicable	- Peu adaptée aux problèmes complexes et non linéaires
Arbre de décision	 Nombre minimum d'éléments de feuille Profondeur maximum 	- Non-linéaire - Explicable - Rapide	 Enclin à overfitting Performances moyennes
Naive Bayes	- Loi de la probabilité d'évidence	RapideNécessite peu d'exemplesEfficace	 Hypothèse d'indépendance forte Performances moyennes
SVM	- Kernel - Coefficient de régularisation	 Très performant Applicable à tous les problèmes 	- Long et coûteux
KNN	- К	- Très rapide	- Performances moyennes
Random Forest	 Nombre d'arbres + Hyperparamètres des arbres 	 Très performant Applicable à tous les problèmes 	- Long et coûteux - Enclin à overfitting
Gradient Boosting	 Fonction de coût Hyperparamètres des arbres 	 Très (Très) performant Applicable à tous les problèmes 	- Très long et coûteux

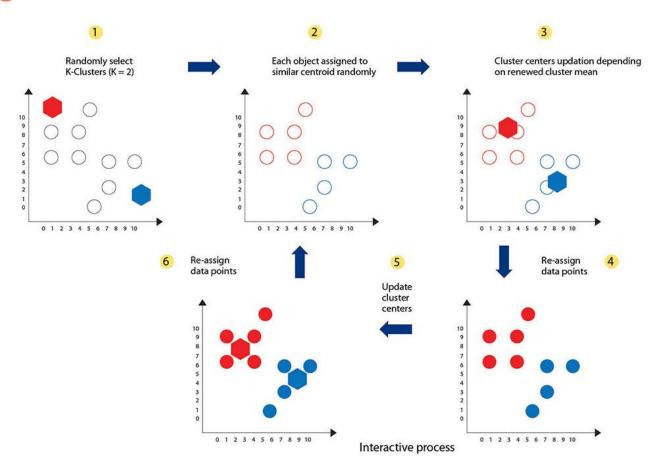
18

Apprentissage Non-Supervisé



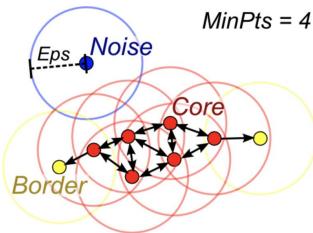
Clustering

K-Means



DBSCAN (Density-Based Spatial Clustering of Applications with noise)

- Détecte automatiquement les clusters
- Se base sur la densité
- Et sur un nombre minimum d'éléments
- Détecte des outliers
- Peut trouver des formes de clusters non-circulaires

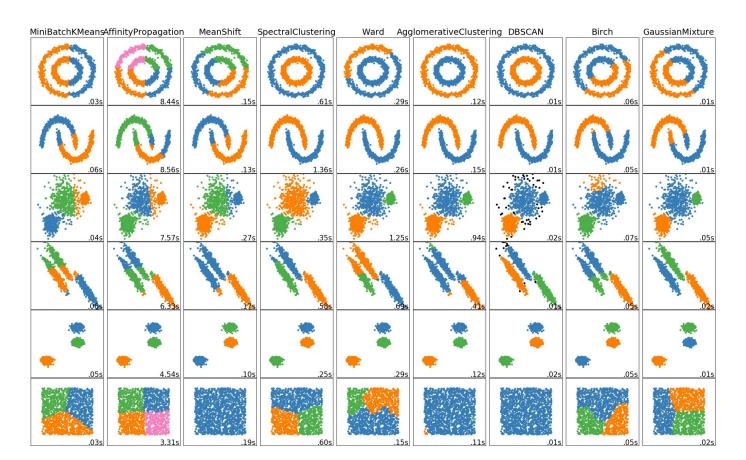


Red: Core Points

Yellow: Border points. Still part of the cluster because it's within epsilon of a core point, but not does not meet the min_points criteria

Blue: Noise point. Not assigned to a cluster

Autres





Réduction de dimensions

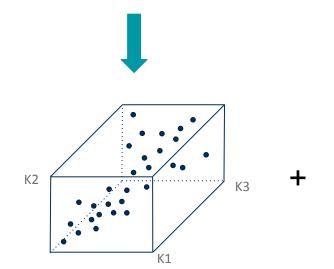
Motivation

X1	X2	Х3	 Xn
v11	v12	v13	 v1n
v21	v22	v23	 v2n
vm1	vm2	vm3	 vmn

Pas de visualisation possible



K1	К2	К3
u11	u12	u13
u21	u22	u23
•••		
um1	um2	um3



Amélioration du temps d'apprentissage

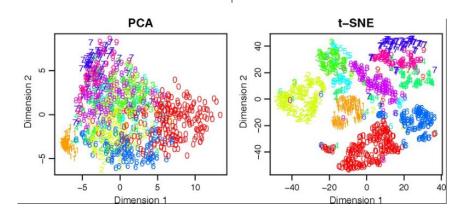
Deux exemples de solutions

PCA (Principal Component Analysis)

- Procédé d'algèbre linéaire
- Simple et efficace
- Peut être limité

<u>T-SNE</u> (T-Distributed Stochastic Neighbor Embedding)

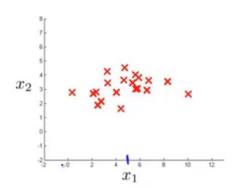
- Utilisation d'embeddings
- Adapté à quelques milliers de lignes
- Lourd





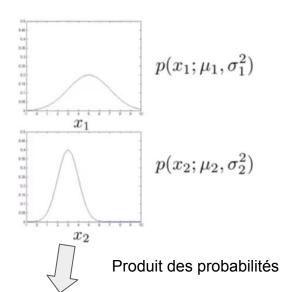
Détection d'anomalie

Gaussian Detection



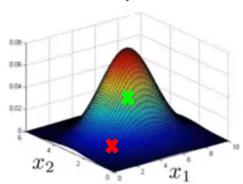


Calcul de la moyenne et de la variance par feature



Principe de l'algorithme:

- Pour chaque feature:
 - On calcule la moyenne et la variance
 - On en déduit une loi normale
- On calcule la probabilité finale en multipliant les lois normales précédemment calculées
- On fixe une valeur de seuil (valeur arbitraire)
- Si la probabilité de notre exemple est inférieure à la valeur de seuil alors on la détecte comme anomalie



Hyperparameters Tuning

Problématique

Exemple:

Algorithme A

- Hyperparam 1 : 0.0001 -> 1000

Hyperparam 2 : 2 -> 200

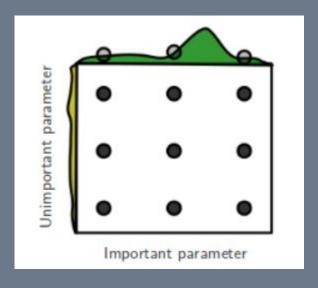
Hyperparam 3 : 1 -> 4

Objectif: 2 combinaisons

=> Comment choisir les valeurs optimales ?

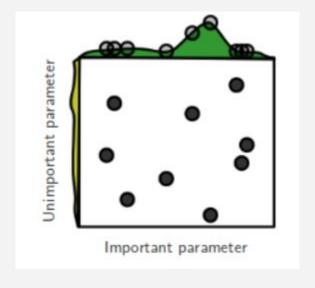
Grid search

- <u>Hyperparam 1:</u> [0.1, 1, 10]
- Hyperparam 2: [5, 75, 150]
- <u>Hyperparam 3</u>: [1, 2, 4]



Random search

- Hyperparam 1: norm(0.01, 10)
- Hyperparam 2 : randint(5, 200)
- Hyperparam 3: randint(1, 4)



Tuning

Exemple:

Algorithme A

- Hyperparam 1 : 0.0001 -> 1000
- Hyperparam 2 : 2 -> 200
- Hyperparam 3 : 1 -> 4

Objectif: 2 combinaisons

Grid Search:

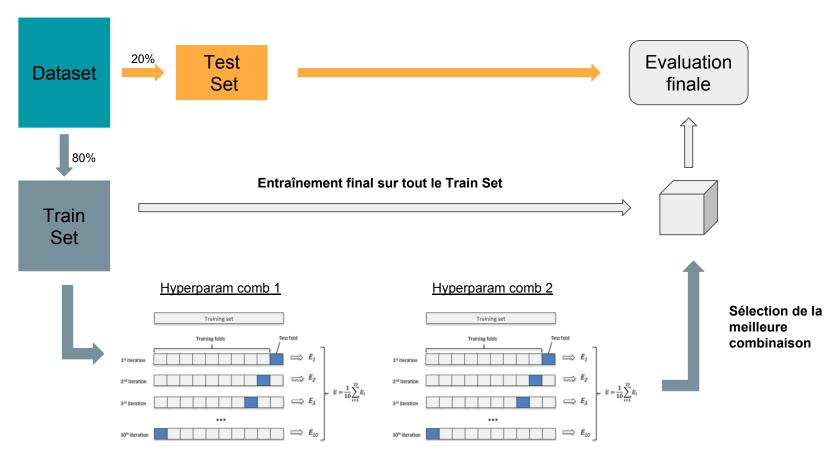
- H1 = 0.1, H2 = 5, H3 = 1
- H1 = 1, H2 = 150, H3 = 4

Random Search:

- H1 = 8.5, H2 = 112, H3 = 3
- H1 = 0.5, H2 = 65, H3 = 2

=> Le random Search permet d'explorer plus et est moins biaisé par les hypothèses faites par la personne mettant en place l'algorithme

Tuning + Cross Validation





Fin du chapitre 4