

МИНОБРНАУКИ РОССИИ
САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ
ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ
«ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА)
Кафедра МО ЭВМ

ОТЧЕТ
по лабораторной работе №2
по дисциплине «Алгоритмы и структуры данных»
Тема: Принцип «Разделяй и властвуй»

Студент гр. 1301

Устинов Г.А.

Преподаватель

Родионова Е.А.

Санкт-Петербург

2022

Цель работы

Изучить и реализовать алгоритм поиска пары наиболее близлежащих точек на плоскости.

Задание

Решить задачу с использованием принципа «Разделяй и властвуй».

Определить теоретическую асимптотическую сложность решения.

Эмпирически оценить временную сложность решения для «average-case».

Отчет по лабораторной работе должен содержать:

1. Титульный лист с указанием варианта.
2. Постановка задачи. Описание реализуемого класса и методов.
3. Теоретическую асимптотическую сложность реализованного алгоритма
4. Оценка временной сложности эмпирическим способом.
5. Пример работы.
6. Листинг.

Задачи:

1. О влюбленных улитках. На квадрате земли 1 км^2 располагаются улитки-гермафродиты. В момент времени каждая из улиток с постоянной скоростью 1 см/с ползет к улитке, являющейся ближайшей к ней в момент времени $t = 0$, выбрав её в качестве спутника жизни. Определить время, через которое первая пара улиток достигнет друг друга или наличие ситуации, приводящей улиток в замешательство, наиболее эффективным способом.

Выполнение работы

Задача фактически состоит в том, чтобы на заданном множестве точек найти пару наиболее близлежащих точек.

Для того, чтобы решение по принципу «Разделяй и властвуй» имело осмысленную реализацию, нужно разбивать на каждом шаге набор точек согласно их расположению на плоскости, например, по оси X . Для этого сначала отсортируем массив точек. Для этого используется стандартная функция *sort*, гарантированно сортирующая массив за $n \log n$.

Теперь на каждом шаге будем разбивать массив пополам и рассматривать его половины до тех пор, пока количество точек на рассматриваемом отрезке не позволит решить задачу тривиально — пока на отрезке не останется две точки. Каждая точка на отрезке обрабатывается ровно один раз — когда для неё считается расстояние до её пары по базовому случаю. На обратном ходе рекурсии сравним полученные результаты на каждом из отрезков, и выберем наименьший.

Однако, на рассмотренном отрезке такое решение не является полным — оно не учитывает точки, которые находятся рядом с линией, по которой проходит разбиение. Для того, чтобы рассмотреть такие пары, будем снова проходить по точкам, но теперь по оси Y . Для этого на обратном ходе рекурсии будем сортировать отрезок теперь по Y -координате. Для сортировки используется встроенная функция *inplace_merge*, которая имеет две оценки быстродействия, в зависимости от доступности системных ресурсов — $n \log n$, когда невозможно выделить память для буфера, и n , когда памяти достаточно. На отсортированном отрезке теперь можно рассмотреть точки, которые находятся не дальше от линии разбиения, чем найденное решение, и для каждой посчитать расстояния до её соседей по Y -координате, каждый раз улучшая решение, если такое находится, причём для каждой подобранной

точки количество соседей будет достаточно мало. Всего количество слияний равно высоте получающегося двоичного дерева разбиений, то есть $\log n$. Таким образом, обратный ход рекурсии может быть оценён как $n \log n$.

По выходу из рекурсии, получается кратчайшее расстояние на множестве точек, которое учитывает все варианты парообразования.

Для выполнения задачи был использован стандартный тип *vector*, позволяющий использовать итераторы случайного доступа, и выбирать отрезок массива за минимальное время, а также были реализованы три вспомогательных типа — *Solution*, *Snail* и *Slice*. *Solution* содержит информацию об успешности решения и результат. *Snail* представляет собой пару чисел с плавающей точкой — координаты точки. *Slice* — пара итераторов над массивом точек и длина отрезка, который они ограничивают, также *Slice* инкапсулирует логику разбиения массива.

Входной точкой решения является функция *findClosestDistance*, которая проводит изначальную подготовку входных данных, сортировку и передачу подготовленных данных основной логике — функции *findClosestDistanceOnSlice*, которая в свою очередь реализует прямой и обратный ход рекурсивного алгоритма, а также передачу управления функции, решающей элементарную задачу в данном случае — *baseCase*.

Общая сложность решения складывается из двух слагаемых — сортировки и рекурсивного алгоритма. Сортировка имеет гарантированную асимптотику $n \log n$. Сложность алгоритма, в свою очередь, раскладывается на слагаемые следующим образом: n (последовательный обход отсортированного массива) + n (слияние) * $\log n$ (высота двоичного дерева разбиения), или, в случае нехватки ресурсов, $n + n * \log n$ (слияние) * $\log n$.

В первом случае итоговая сложность алгоритма равна

$$n * \log n,$$

во втором же случае

$$n * \log^2 n.$$

Эмпирическая оценка временной сложности

Для оценки временной сложности полученного алгоритма были сгенерированы 10 наборов по 1000000 случайных точек так, чтобы точки в пределах одного набора не повторялись. Затем, для каждого набора точек были проведены замеры быстродействия на первых n значениях, последовательно увеличивая n с шагов в 10000. Результаты замеров на разных наборах усреднены, и на основе этих усреднённых значений построен график, наглядно иллюстрирующий зависимость времени выполнения в зависимости от количества входных данных.

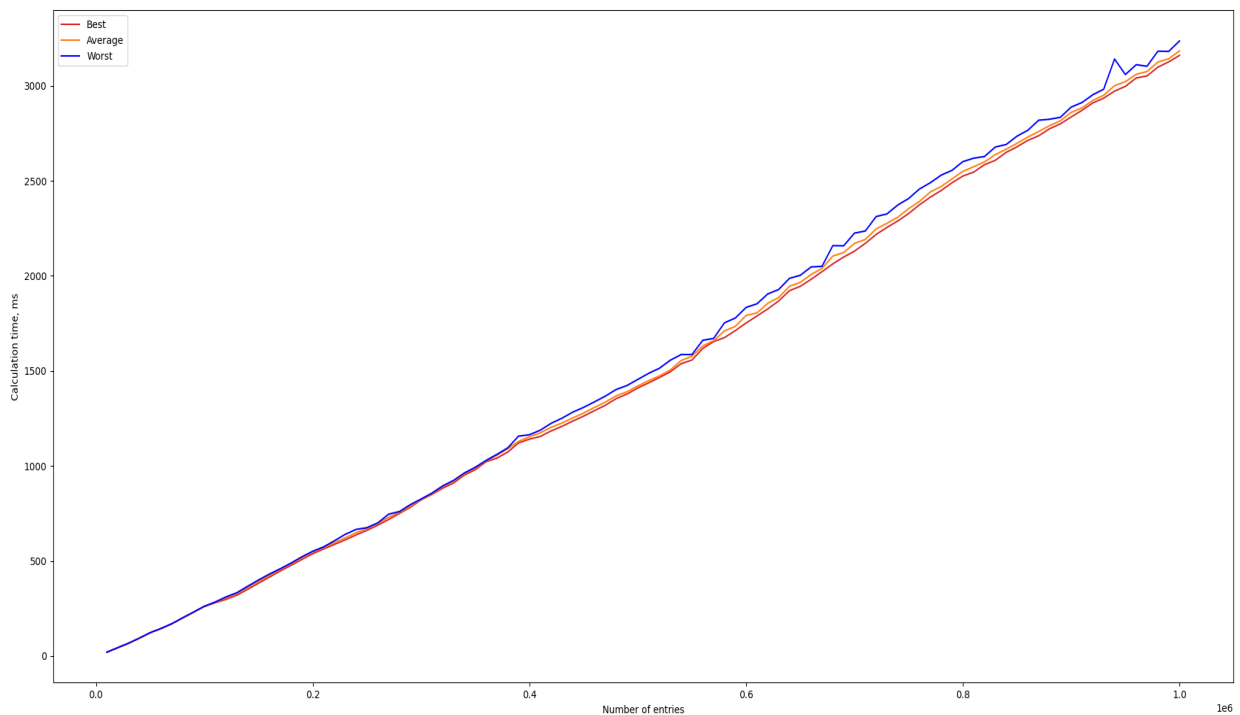


Рисунок 1 - График, построенный на основе полученных значений

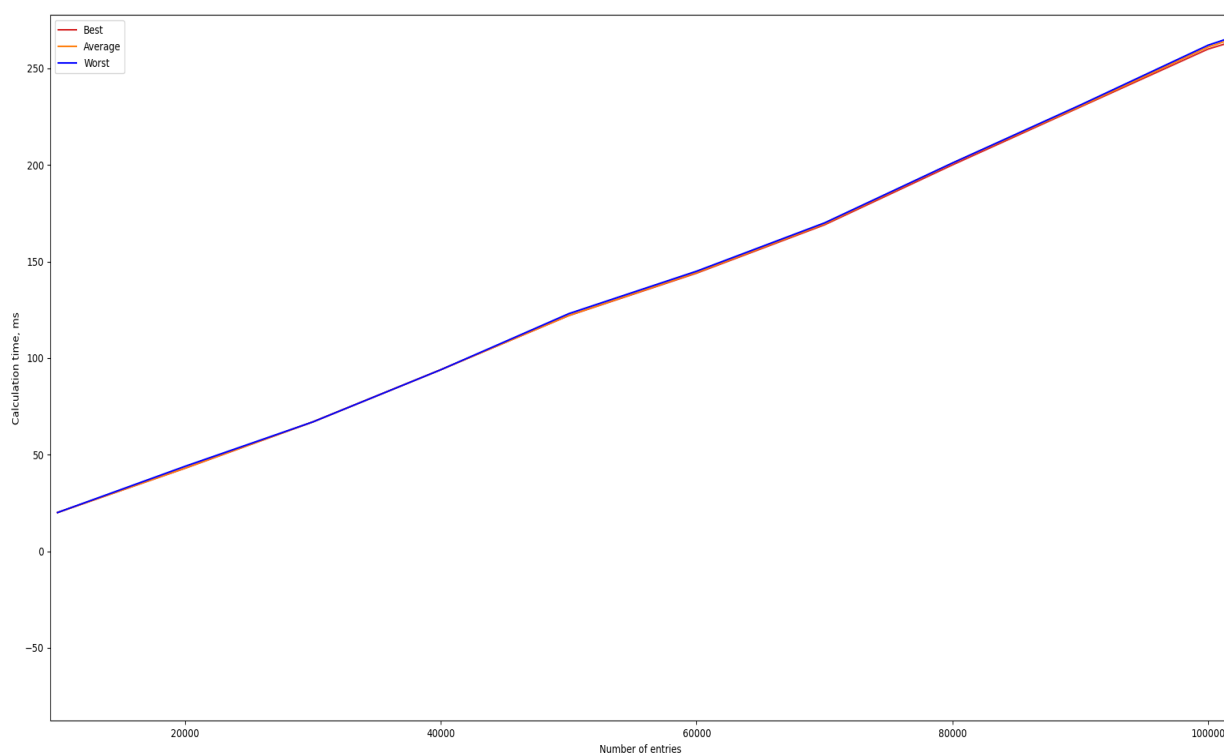


Рисунок 2 - Увеличенное изображение графика для количества записей в наборе до 100 тысяч

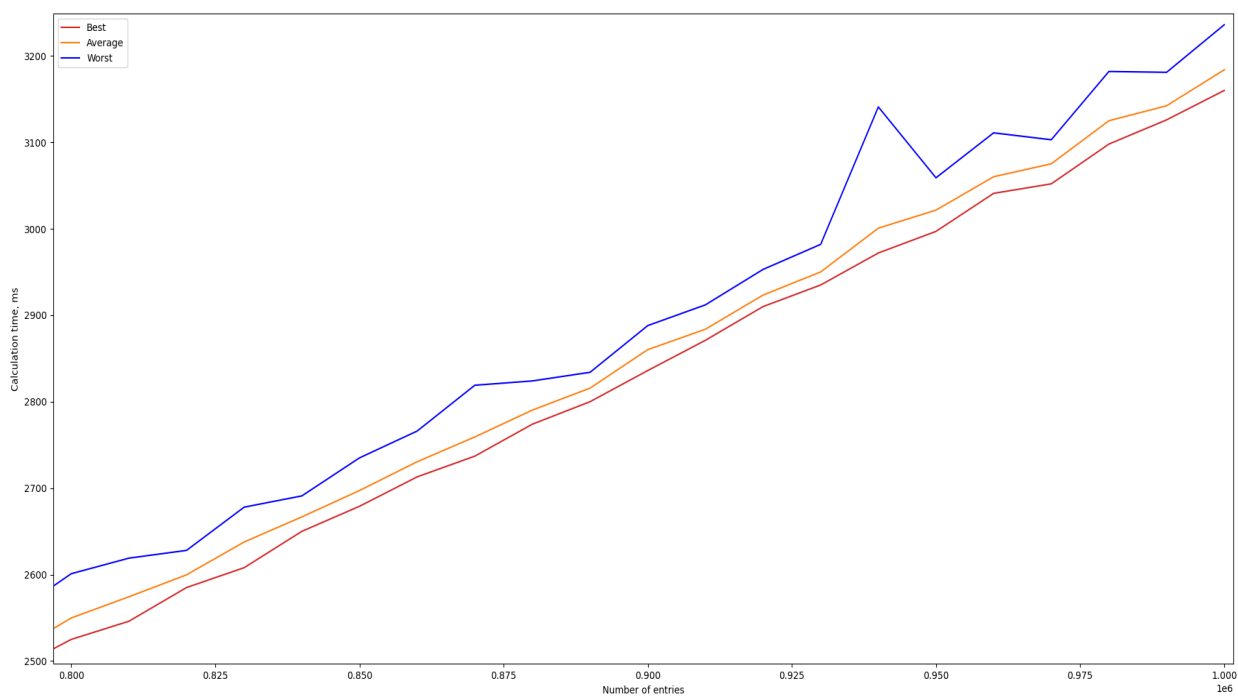


Рисунок 3 — Увеличенные изображения графика для количества записей в наборе от 800 тысяч до 1 миллиона

При данных размерах входных данных и быстродействию алгоритма сложно хоть сколько-нибудь точно оценить соотношение прироста времени выполнения к приросту количества данных на входе. При столь малых значениях времени слишком большое значение оказывают такие факторы, как состояние системы, на которой выполняются измерения, и работа планировщика задач. Генерация же наборов большего размера не выглядит состоятельной в силу непропорционального увеличения времени генерации по сравнению с увеличением размера наборов из-за необходимости поддержания уникальности каждой записи, учитывая допустимые пределы значений, требующие разрешения значений подходящий к разрешению значений, выдаваемых генератором случайных чисел. К примеру, генерация наборов размером в 1 миллион, на которых производились измерения, заняла более шести часов для каждого.

Пример работы

Следующий код служит примером работы с разработанным алгоритмом.

```
vector<Snail> snails;  
// инициализация входных значений  
Solution res = findClosestDistance(snails);  
if (res.status == kOk)  
    cout << res.answer;
```

Разработанный программный код см. в приложении А.

Выводы

Был изучен и реализован алгоритм поиска ближайший точек на плоскости, а также способы оценки быстродействия алгоритмов, средства автоматизации замеров и обработки их результатов.

ПРИЛОЖЕНИЕ А

ИСХОДНЫЙ КОД ПРОГРАММЫ

Файл **src/main.cpp**

```
#include <algorithm>
#include <chrono>
#include <exception>
#include <fstream>
#include <iostream>
#include <vector>

#include "generate.hh"
#include "snail.hh"
#include "solve.hh"

using namespace std;

vector<Snail> readSnails()
{
    ifstream in("snails.txt");
    if (!in)
        throw runtime_error("No snails file found.");
    size_t n;
    in >> n;
    vector<Snail> snails;
    try {
        while (n--) {
            double x, y;
            in >> x >> y;
            snails.push_back({ x, y });
        }
    } catch (exception &) {
        throw runtime_error("File format error.");
    }
    in.close();
    return snails;
}

void measure(vector<Snail> &snails, size_t n)
{
    vector<Snail> slice;
    copy(
        snails.cbegin(),
```



```

        snails.cbegin() + n,
        back_inserter(slice)
    );
    chrono::steady_clock timer;
    chrono::time_point<chrono::steady_clock> start = timer.now();
    Solution s = findClosestDistance(slice);
    chrono::time_point<chrono::steady_clock> finish = timer.now();
    cout << "Given " << n << " snails, calculated " << s.answer;
    cout << " in " << (finish - start) / chrono::milliseconds(1) <<
    "ms" << endl;
}

int main()
{
    vector<Snail> snails;
    try {
        snails = readSnails();
        cout << "Read " << snails.size() << " snails." << endl;
    } catch (runtime_error &) {
        cout << "Snails file format error." << endl;
        size_t n = 0;
        cout << "How many to generate: ";
        do {
            cin >> n;
            if (n == 0)
                cout << "Try again: ";
        } while (n == 0);
        snails = generate(n);
        cout << "Generated " << n << " snails." << endl;
    }
    size_t step = 10000;
    for (size_t size = step; size <= snails.size(); size += step) {
        measure(snails, size);
    }
    return 0;
}

```

Файл **src/snail.hh**

```

#pragma once
#ifdef SNAIL_HH
#define SNAIL_HH

```

```

struct Snail {
    Snail(double x, double y) : x(x), y(y) {}
    Snail &operator=(const Snail &other) = default;

    double distanceTo(const Snail &other) const;

    bool operator==(const Snail &other) const;

    double x;
    double y;
};

#endif // SNAIL_HH

```

Файл **src/snail.cpp**

```

#include "snail.hh"

#include <cmath>

using namespace std;

double Snail::distanceTo(const Snail &other) const
{
    return abs(sqrt(pow(x - other.x, 2) + pow(y - other.y, 2)));
}

bool Snail::operator==(const Snail &other) const
{
    return x == other.x && y == other.y;
}

```

Файл **src/solve.hh**

```

#pragma once
#ifndef SOLVE_HH
#define SOLVE_HH

#include <vector>

#include "snail.hh"

```

```

enum SolutionStatus {
    kOk,
    kNotEnough,
};

struct Solution {
    Solution() : answer(-1), status(kNotEnough) {}
    Solution(SolutionStatus s, double ans)
        : answer(ans), status(s)
    {}
    double answer;
    SolutionStatus status;
};

Solution findClosestDistance(std::vector<Snail> snails);

#endif // SOLVE_HH

```

Файл **src/solve.cpp**

```

#include "solve.hh"

#include <algorithm>
#include <vector>

using namespace std;

struct Slice {
    Slice(vector<const Snail *>::iterator l, vector<const Snail
*>::iterator r)
        : left(l), right(r), len(r - l)
    {}

    vector<Slice> split()
    {
        return {
            {left, right - len / 2},
            {right - len / 2, right}
        };
    }
}

```

```

    vector<const Snail *>::iterator left;
    vector<const Snail *>::iterator right;
    ptrdiff_t len;
};

Solution baseCase(Slice &slice)
{
    vector<const Snail *>::iterator right = slice.left + 1;
    Solution res = {
        kOk,
        (*slice.left)->distanceTo(**right)
    };
    if ((*slice.left)->y > (*right)->y) {
        const Snail *t = *right;
        *right = *slice.left;
        *slice.left = t;
    }
    return res;
}

Solution findClosestDistanceInSquare(Slice &slice)
{
    if (slice.len < 2)
        return Solution();
    if (slice.len < 3)
        return baseCase(slice);
    vector<Slice> split = slice.split();
    double mid_x = (*split[1].left)->x;

    Solution res = findClosestDistanceInSquare(split[0]);
    Solution tmp_res = findClosestDistanceInSquare(split[1]);
    if (tmp_res.status == kOk
        && (res.status != kOk
            || tmp_res.answer < res.answer))
        res = tmp_res;
    inplace_merge(
        slice.left,
        split[1].left,
        slice.right,
        [](const Snail *a, const Snail *b)
        {
            return a->y < b->y;
        }
    );
}

```

```

);
for (auto i = slice.left; i != slice.right; ++i) {
    if (abs((*i)->x - mid_x) <= res.answer) {
        for (vector<const Snail *>::iterator j = i + 1;
            j != slice.right
            && (*j)->y - (*i)->y <= res.answer;
            ++j) {

            double ans = (*i)->distanceTo(**j);
            if (ans < res.answer)
                res.answer = ans;
        }
    }
}
return res;
}

Solution findClosestDistance(vector<Snail> snails)
{
    if (snails.size() < 2)
        return Solution();
    vector<const Snail *> sorted(snails.size(), nullptr);
    transform(
        snails.cbegin(),
        snails.cend(),
        sorted.begin(),
        [](const Snail &s) { return &s; }
    );
    sort(
        sorted.begin(),
        sorted.end(),
        [](const Snail *first, const Snail *second)
        {
            return first->x < second->x
                || first->x == second->x && first->y < second->y;
        }
    );
    Slice slice = {sorted.begin(), sorted.end()};
    Solution res = findClosestDistanceInSquare(slice);
    return res;
}

```