

# Aceleración de la técnica de Monte Carlo para integración numérica usando memoria compartida y memoria distribuida

Edwin Urbina Quiroz  
Ervin Villalta Cáceres  
Isao Núñez Okubo

Universidad de Costa Rica

December 4, 2025

# Contenido

- 1 Introducción
- 2 Implementación secuencial
- 3 Versión interactiva
- 4 Paralelización
- 5 Conclusiones

- La integración numérica tradicional se vuelve muy costosa en altas dimensiones.
- La técnica de Monte Carlo reduce este costo usando muestreo aleatorio.
- Objetivo del proyecto:
  - Implementar la integración de Monte Carlo multidimensional.
  - Acelerar el método usando memoria compartida y memoria distribuida.
  - Estudiar la escalabilidad del método.

# Idea general del método

- Se desea calcular una integral multidimensional:

$$I = \int_{[a,b]^d} f(\mathbf{x}) d\mathbf{x}.$$

- Se reescribe como valor esperado:

$$I = V \mathbb{E}[f(\mathbf{X})], \quad V = (b - a)^d.$$

- Aproximación por Monte Carlo:

$$\hat{I}_N = V \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N f(\mathbf{X}_i).$$

- Ventaja: el error decrece como  $N^{-1/2}$  y no explota con la dimensión.

- Se toma como función de prueba:

$$f(\mathbf{x}) = \exp \left( - \sum_{i=1}^d x_i^2 \right).$$

- Aparición en:
  - física estadística,
  - probabilidad multivariada,
  - integrales gaussianas en altas dimensiones.
- Es una función suave y bien comportada para estudiar convergencia y error.

# Generación de puntos aleatorios

- Se usa el generador `std::mt19937` (Mersenne Twister).
- Se genera un uniforme en  $[0, 1]$ :

$$r = \frac{\text{generador}()}{\text{generador.max()} }.$$

- Se escala al intervalo  $[a, b]$ :

$$x_i = a + (b - a) r.$$

- El proceso se repite para cada dimensión y para cada punto.

# Código principal del método

## Bucle de Monte Carlo

```
for (int i = 0; i < N; i++) {  
    std::vector<double> punto(dimensiones);  
    for (int d = 0; d < dimensiones; d++) {  
        double r = double(generator()) / generator.max();  
        punto[d] = lim_inf + (lim_sup - lim_inf)*r;  
    }  
    double valor = func(punto);  
    suma_final += valor;  
    suma_final2 += valor * valor;  
}
```

- Promedio:

$$\hat{f} = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N f(\mathbf{x}_i).$$

- Varianza:

$$\hat{\sigma}^2 \approx \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N f(\mathbf{x}_i)^2 - \hat{f}^2.$$

- Integral estimada:

$$I \approx V \hat{f}.$$

- Error estadístico:

$$\Delta I = V \sqrt{\frac{\hat{\sigma}^2}{N}}.$$



```
// Cálculos finales
double promedio = suma_final / N;
double promedio_cuadrado = suma_final2 / N;
double varianza = promedio_cuadrado - promedio * promedio;

// Volumen
double volumen = 1.0;
for (int d = 0; d < dimensiones; d++) {
    volumen *= (lim_sup - lim_inf);
}

// Estimación de la integral
double integral = promedio * volumen;

// Estimación del error
double error = volumen * std::sqrt(varianza / N);
```

- El programa permite elegir parámetros desde la terminal:

```
./mc --li 0 --ls 1 --d 3 --n 5000000
```

- Parámetros:

- `--li`: límite inferior.
- `--ls`: límite superior.
- `--d`: número de dimensiones.
- `--n`: número de puntos  $N$ .

- Esta versión facilita:

- barrer distintos valores de  $N$ ,
- cambiar dimensión  $d$ ,
- automatizar experimentos para medir tiempos y error.

```
double suma_final = 0.0;
double suma_final2 = 0.0;
double time_1 = omp_get_wtime();
int num_procs;
#pragma omp parallel
{
```

```
int num_procs = omp_get_thread_num();
std::mt19937 generador(seed + num_procs * 7919);
std::uniform_real_distribution<double> dist(liminf, limsup);
std::vector<double> punto(dimensiones);
#pragma omp single
num_procs = omp_get_num_threads();
#pragma omp for reduction (+: suma_final, suma_final2)
or (int i = 0; i < N; i++) {
    for (int d = 0; d < dimensiones; d++) {
        punto[d] = dist(generador);
    }
    double val = func(punto);
    suma_final += val;
    suma_final2 += val * val;
}
```

- Se define el **speedup**:

$$S(p) = \frac{T_1}{T_p},$$

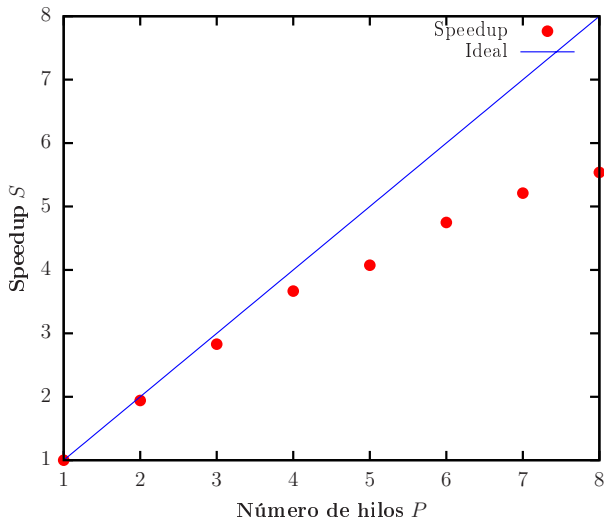
donde  $T_1$  es el tiempo con 1 hilo y  $T_p$  con  $p$  hilos.

- La **eficiencia** se define como:

$$E(p) = \frac{S(p)}{p}.$$

- Para  $N$  grande, el método Monte Carlo escala bien con OpenMP (gran parte del tiempo está en el bucle paralelo).
- Factores que limitan la eficiencia:
  - partes secuenciales del código,
  - overhead de creación y sincronización de hilos.

# Gráfico de escalabilidad (Memoria compartida)



# Memoria distribuida (MPI)

- Llamada inicial: `MPI_Init(NULL, NULL);`
- Determinar número de procesos y el identificador de cada uno:
  - `MPI_Comm_size(MPI_COMM_WORLD, &size);` // número total de procesos
  - `MPI_Comm_rank(MPI_COMM_WORLD, &rank);` // id del proceso [0, size-1]
- Registrar tiempo de inicio: `double time_start = MPI_Wtime();`
- Los parámetros globales (como número total de muestras  $N$ , límites del intervalo, dimensión  $d$ , semilla) se leen una sola vez — usualmente por el proceso con `rank == 0` — y pueden ser compartidos si se desea.

# MPI: División del trabajo entre procesos

- El número total de muestras  $N$  se reparte entre los procesos:

$$N_r = \left\lfloor \frac{N}{\text{size}} \right\rfloor$$

donde `size` es el total de procesos y `rank` el identificador del proceso.

- Cada proceso calcula su número local de puntos `N_local`:

$$\text{N\_local} = N / \text{size}$$

- Si  $N$  no es múltiplo de `size`, el proceso 0 puede procesar los puntos sobrantes:

$$N_0 = N_r + (N \bmod \text{size})$$

- Con esta estrategia:
  - cada proceso trabaja de forma independiente,
  - se minimiza comunicación durante el cálculo,
  - la carga computacional queda balanceada.



- Cada proceso genera sus propios puntos aleatorios dentro del intervalo  $[a, b]$ .
- Se usa una semilla distinta para cada proceso:

```
std::mt19937 gen(seed + rank * 1234567); std::mt19937 gen(seed + rank * 1234567);
```

- Cada proceso acumula:

$$S_r = \sum f(\mathbf{x}_i), \quad Q_r = \sum f(\mathbf{x}_i)^2$$

donde  $S_r$  y  $Q_r$  son las sumas locales.

- Esta etapa es completamente independiente  $\rightarrow$  \*\*no requiere comunicación\*\*, lo que favorece la escalabilidad.

# Memoria distribuida (MPI)

- En resumen, la versión con MPI, el trabajo se reparte entre varios procesos con memoria independiente.
- Cada proceso calcula una fracción de los  $N$  puntos:

$$N = \sum_{r=0}^{p-1} N_r, \quad N_r \approx \frac{N}{p}.$$

- Se usan semillas distintas por proceso:

```
std::mt19937 gen(seed + rank * 1234567);
```

- Cada proceso obtiene sus sumas locales `suma_local`, `suma_cuadrados_local`.
- El proceso 0 combina los resultados con `MPI_Reduce` y calcula la integral global.

- Speedup en MPI:

$$S(p) = \frac{T_1}{T_p},$$

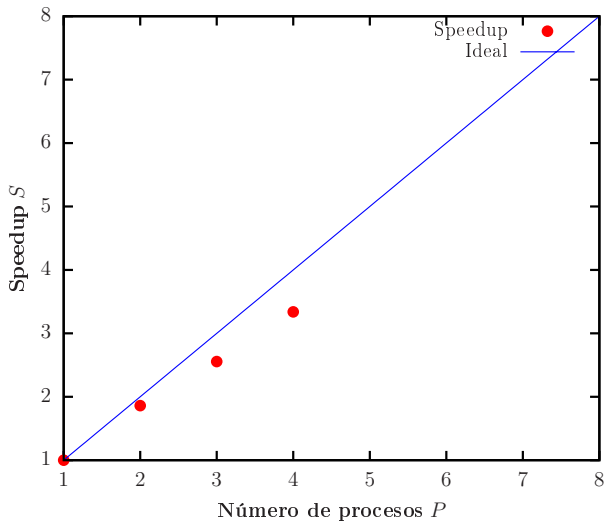
con  $T_p$  el tiempo usando  $p$  procesos.

- Eficiencia:

$$E(p) = \frac{S(p)}{p}.$$

- Para valores grandes de  $N$ , el costo de comunicación es pequeño frente al costo de cómputo y se logra buen escalamiento.
- Para  $N$  pequeños, el overhead de comunicación y sincronización puede reducir el speedup.

# Gráfico de escalabilidad (Memoria compartida)



# Conclusiones del proyecto

- El método de Monte Carlo es adecuado para integrales multidimensionales debido a que el error estadístico no depende fuertemente de la dimensión.
- La implementación secuencial sirve como referencia para comparar rendimiento y precisión.
- La paralelización en memoria compartida (OpenMP) permite aprovechar eficientemente los núcleos de un solo nodo.
- La paralelización en memoria distribuida (MPI) extiende el método a clústeres y múltiples nodos.
- El análisis de escalabilidad muestra hasta dónde se puede acelerar el algoritmo antes de que dominen los costos de comunicación y sincronización.

¡Preguntas?