

Configuración y archivos de inicio de R

Joselyn Chávez
@josschavezf1

04 Agosto 2020



Este material posee una licencia tipo Creative Commons Attribution-ShareAlike 4.0 International License.

Para conocer más sobre esta licencia, visite
<http://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/>

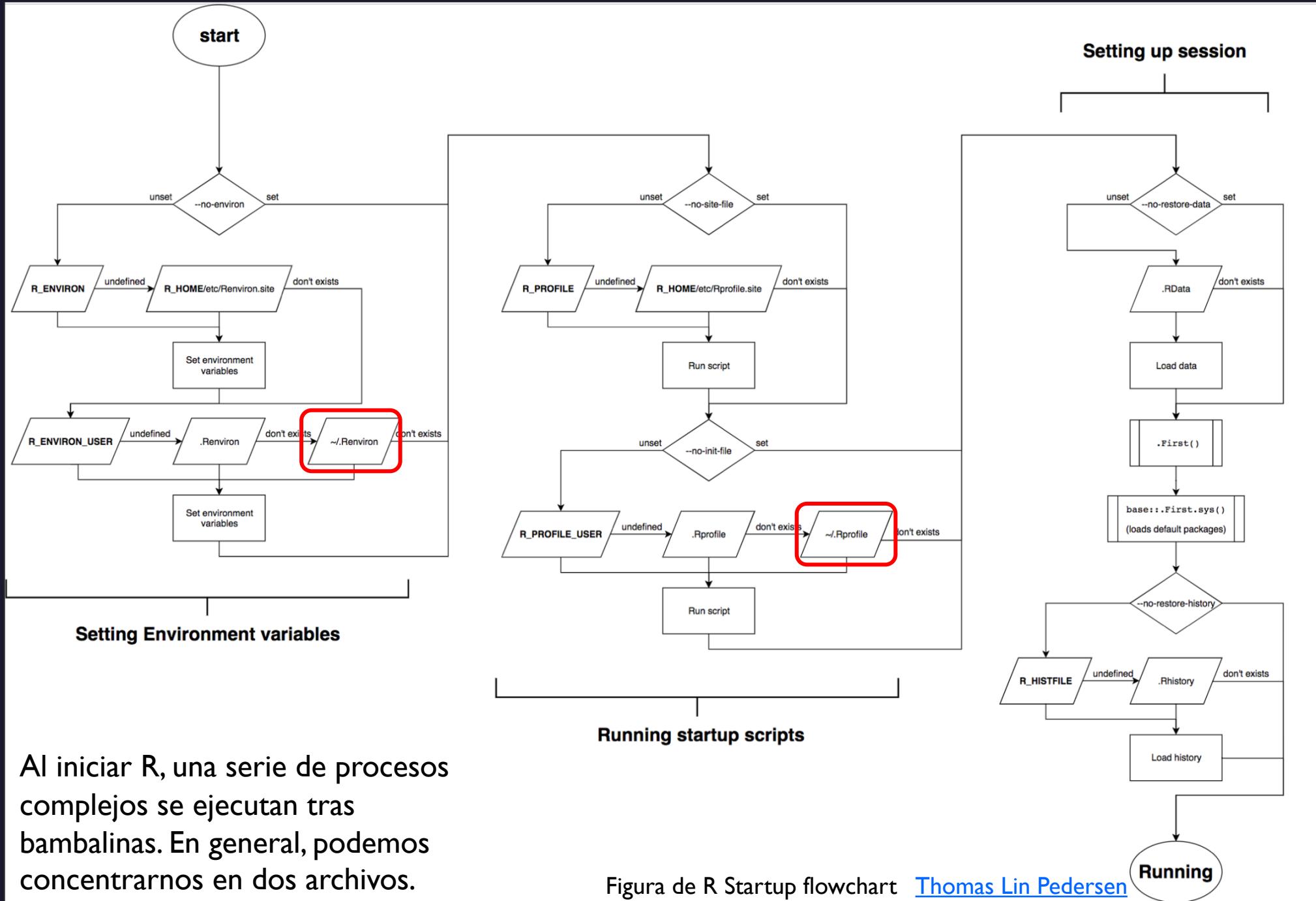
Material disponible en:

<https://github.com/ComunidadBioInfo/cdsb2020>

Basado en el RStudioConf2020 workshop *What They Forgot* disponible en:

rstd.io/wtf-2020-rsc

<https://rstats.wtf/r-startup.html>



Qué información tienen estos archivos?

A estos archivos se les conoce como *dotfiles* o archivos de puntos.

Permiten personalizar el comportamiento de nuestra sesión.

<https://dotfiles.github.io/>

.Renvironment

- Contiene variables sobre la configuración y el funcionamiento del ambiente de R.
- Puedes colocar claves de APIs, por ejemplo claves seguras de conexión a Github.
- **No** contiene código de R.

La forma más fácil de acceder a este archivo es usando
`usethis::edit_r_environ()`

Ejemplo de un .Renvironment

Número de líneas que se observan en history



```
R_HISTSIZE=100000
```

Directorio donde se guardan los paquetes



```
R_LIBS_USER=~/R/%p/%v
```

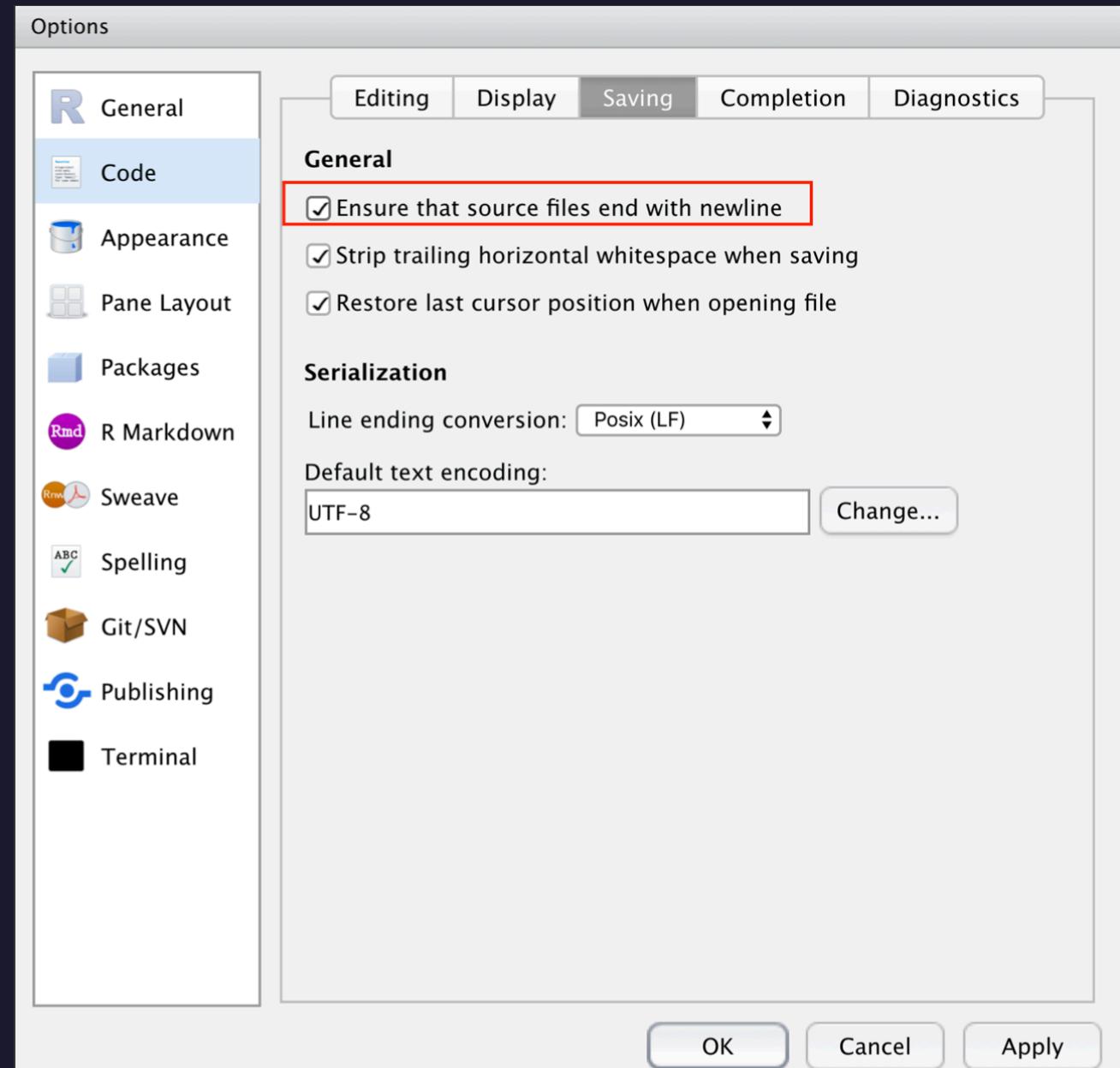
Ruta de conexión con Github



```
GITHUB_PAT=abc123
```

Importante!

Los archivos .Renvironment
y .Rprofile
deben terminar con un
salto de linea



Ejemplo

1. Abre una nueva sesión de R y ejecuta algunas líneas, observa cuántas líneas se ven en la ventana history.
2. Abre tu archivo .Renvironment
3. Ingresa esta variable `R_HISTSIZE = 2`
4. Guarda los cambios del archivo
5. Cierra tu sesión de R y abre una nueva
6. Cuántas líneas se ven ahora en history?

Hagamos un ejercicio

```
install.packages("usethis")
```

```
library(usethis)
```

```
use_course("comunidadbioinfo/archivos-inicio")
```

Abre el archivo 01_archivos-inicio_A.R

.Rprofile

- Contiene código que será ejecutado cada vez que se inicia una sesión.
- Se ejecuta después de .Renvironment

La forma más fácil de acceder a este archivo es usando:

```
usethis::edit_r_profile()
```

Algunas cosas que podemos colocar en .Rprofile

- Establecer una ruta de conexión con CRAN.
- Escribir mensajes de bienvenida.
- Personalizar la consola.
- Cambiar (con precaución)
 - Configuraciones de visualización (por ejemplo el ancho de las ventanas)
 - Cargado automático de paquetes que usamos frecuentemente
 - Establecer alias o llamadas cortas a funciones frecuentemente usadas

Ejemplo de un .Rprofile

```
options(digits = 3)  
  
library(tidyverse)  
  
f <- dplyr::filter
```

Escribamos este código en nuestro .Rprofile y observemos los efectos que tiene.

Podemos incluso personalizar los mensajes de error, como en este ejemplo de Karl Broman's

```
options(error= function() cat(' \\n \\n \\n \\n \\n  
( o.o )  
> ^ <\\n\\n'))
```

Pruébalo escribiendo stop("Meow")

Hagamos un ejercicio

```
install.packages("usethis")
```

```
library(usethis)
```

```
use_course("comunidadbioinfo/archivos-inicio")
```

Abre el archivo 02_archivos-inicio_A.R

Para más opciones de `.Renviron` y `.Rprofile`

Consulta la ayuda de opciones:

`?options`

O consulta el manual en:

<https://stat.ethz.ch/R-manual/R-devel/library/base/html/EnvVar.html>

Más ideas para personalizar tu .Rprofile

Customizing your Rprofile by Colin Gillespie

<https://www.jumpingrivers.com/blog/customising-your-rprofile/>