

# Introducción al flujo de trabajo orientado a proyectos

Joselyn Chávez  
@josschavezf1

03 Agosto 2020



Este material posee una licencia tipo Creative Commons Attribution-ShareAlike 4.0 International License.

Para conocer más sobre esta licencia, visite  
<http://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/>

Material disponible en:

<https://github.com/ComunidadBioInfo/cdsb2020>

Basado en el RStudioConf2020 workshop *What They Forgot* disponible en:

[rstd.io/wtf-2020-rsc](https://rstd.io/wtf-2020-rsc)

Todo lo demás

Análisis  
estadísticos

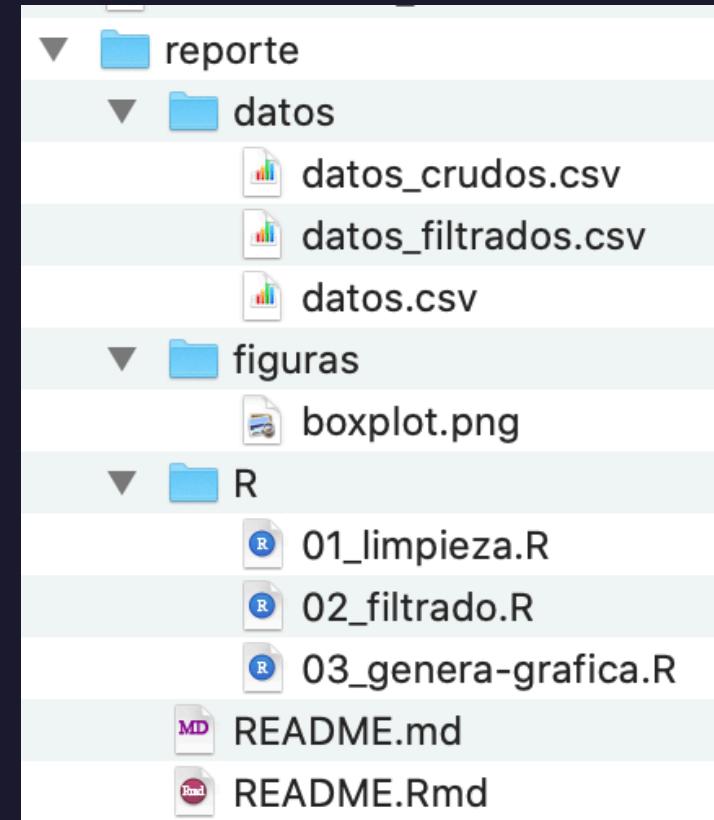
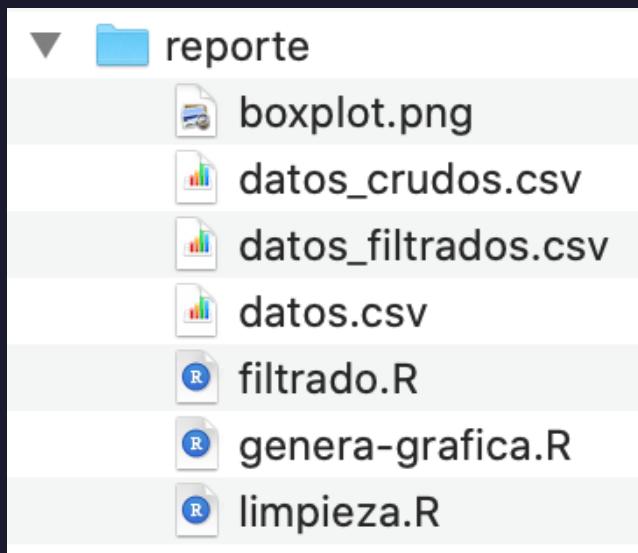
# Sé organizado

Organiza tu trabajo conforme lo vas creando y no dejes las cosas “para mañana”.

Haz que tu trabajo se explique por sí mismo.



# Sé organizado



Ensalada de archivos

Directorio ordenado, incluso con un archivo README

Estas recomendaciones estan basadas en:

**Good enough practices in scientific computing.**

**Wilson, Bryan, Cranston, Kitzes, Nederbragt, Teal, 2017.**

<https://journals.plos.org/ploscompbiol/article?id=10.1371/journal.pcbi.1005510>

<https://github.com/swcarpentry/good-enough-practices-in-scientific-computing>

# Explora tu instalación de R

Los paquetes en R son la unidad natural para distribuir código.

R base contiene ~ 14 paquetes de base y 15 paquetes recomendados, en todas sus distribuciones.

CRAN contiene ~ 15K paquetes que pueden ser instalados de la siguiente forma:

```
install.packages("devtools")
```

```
library(devtools)
```

En dónde se encuentran instalados mis paquetes?

Por defecto, se encuentran en el directorio que R asigna por defecto, cuya ruta podemos encontrar con

.Library

Para conocer (o modificar) la ruta de instalación de la sesión actual usamos

`.libPaths()`

# Cómo sabemos cuáles paquetes tenemos instalados?

`installed.packages()`

# Hagamos un ejercicio

```
install.packages("usethis")
```

```
library(usethis)
```

```
use_course("comunidadbioinfo/explora-librerias")
```