# Проверка гипотезы о равенстве дисперсий

$$H_0:\sigma_x^2=\sigma_y^2H_1:\sigma_x^2
eq\sigma_y^2$$

- **Нулевая гипотеза (Н0):**  $\sigma_x^2 = \sigma_y^2$  это нулевая гипотеза, которую мы хотим проверить. Она утверждает, что дисперсии двух выборок X и Y равны.
- Альтернативная гипотеза (H1):  $\sigma_x^2 \neq \sigma_y^2$  это альтернативная гипотеза, которая утверждает, что дисперсии выборок X и Y не равны.

# Расчет дисперсий:

Для начала, мы вычисляем выборочные дисперсии для обеих выборок:

•  $s_x^2$ : Выборочная дисперсия для выборки X вычисляется как среднее квадратов отклонений каждого элемента выборки X от ее выборочного среднего  $\overline{x}$ , умноженное на  $\frac{1}{n_x-1}$ , где  $n_x$  - размер выборки X.

$$s_x^2 = rac{1}{n_x - 1} \sum_{i=1}^{n_x} (x_i - \overline{x})^2$$

```
x_var = data.X.var(ddof=1)
print(f'Дисперсия первой выборки: {x_var}')
```

•  $s_y^2$ : Аналогично, выборочная дисперсия для выборки Y вычисляется как среднее квадратов отклонений каждого элемента выборки Y от ее выборочного среднего  $\overline{y}$ , умноженное на  $\frac{1}{n_y-1}$ , где  $n_y$  - размер выборки Y.

$$s_y^2 = rac{1}{n_y - 1} \sum_{i=1}^{n_y} (y_i - \overline{y})^2$$

```
y_var = data.Y.var(ddof=1)
print(f'Дисперсия второй выборки: {y_var}')
```

### Вычисленное значение критерия Фишера

Затем мы вычисляем значение критерия Фишера (F), который является отношением выборочных дисперсий:

$$F = rac{\sigma_x^2}{\sigma_y^2}$$
если  $S_x > S_y, \quad F = rac{\sigma_y^2}{\sigma_x^2}$ если  $S_x < S_y$ 

Это значение F показывает, насколько выборочные дисперсии отличаются друг от друга.

```
f_r = y_var / x_var
Markdown(f'Вычисленное значение критерия: $F={f_r}$')
```

#### Теоретическое значение критерия Фишера

Далее мы вычисляем теоретическое значение критерия Фишера ( $F_{\kappa p}$ ), которое является критическим значением для заданного уровня значимости  $\alpha$ , степени свободы для выборок X и Y (соответственно  $n_x-1$  и  $n_y-1$ ).

•  $F_{\kappa p}$  вычисляется с использованием функции обратного преобразования распределения F (инверсия функции распределения).

$$F_{\kappa p}=F(lpha/2,n_x-1,n_y-1)$$

```
f_t = st.f.ppf(1-a/2, n_x - 1, n_y - 1)
print(f'Теоретическое значение критерия: \{f_t\}')
```

# Вывод о принятии или не принятии гипотезы

Наконец, мы сравниваем вычисленное значение критерия Фишера (F) с теоретическим значением ( $F_{\kappa n}$ ):

- Если  $F > F_{\kappa p}$  или  $F < \frac{1}{F_{\kappa p}}$ , то у нас есть статистически значимые различия между дисперсиями выборок X и Y, и мы отвергаем нулевую гипотезу.
- Если  $F \leq F_{\kappa p}$  и  $\frac{1}{F_{\kappa p}} \leq F$ , то у нас нет статистически значимых различий между дисперсиями выборок X и Y, и нулевая гипотеза не отвергается.

```
if f_r < f_t:
    display(Markdown('Гипотеза о равенстве дисперсий принимается, т.к.
$F<F_{кр}$ ($H_0$)'))
else:
    display(Markdown('Гипотеза о равенстве дисперсий отвергается ($H_0$),
принимается альтернативная гипотеза ($H_1$)'))</pre>
```

Этот анализ позволяет определить, есть ли статистически значимые различия в дисперсиях между двумя выборками.

# Проверка гипотезы о равенстве генеральных средних

$$H_0: \mu_x = \mu_y H_1: \mu_x 
eq \mu_y$$

- **Нулевая гипотеза (H0):**  $\mu_x = \mu_y$  это нулевая гипотеза, которую мы хотим проверить. Она утверждает, что средние значения двух выборок X и Y равны.
- Альтернативная гипотеза (H1):  $\mu_x \neq \mu_y$  это альтернативная гипотеза, которая утверждает, что средние значения выборок X и Y не равны.

## Вычисление выборочных средних:

Сначала вычисляются выборочные средние для обеих выборок:

•  $\overline{x}$ : Вычисление среднего значения выборки X как сумма всех элементов выборки, поделенная на количество элементов в выборке  $n_x$ .

$$\overline{x} = rac{1}{n_x} \sum_{i=1}^{n_x} x_i$$

```
x_mean = x.mean()
print(f'Выборочное среднее первой выборки: {x_mean}')
```

•  $\overline{y}$ : Вычисление среднего значения выборки Y аналогично, как сумма всех элементов выборки, поделенная на количество элементов в выборке  $n_y$ .

$$\overline{y} = rac{1}{n_y} \sum_{i=1}^{n_y} y_i$$

```
y_mean = y.mean()
print(f'Выборочное среднее второй выборки: {y_mean}')
```

Эти значения представляют собой выборочные оценки средних генеральных совокупностей.

#### Вычисление дисперсий выборок:

Затем вычисляется объединенная выборочная дисперсия  $S^2$ , которая используется в дальнейшем для вычисления t-критерия:

•  $S^2$ : Вычисление объединенной выборочной дисперсии  $S^2$  как взвешенное среднее дисперсий выборок X и Y, учитывая их размеры и выборочные дисперсии.

$$S^2 = rac{(n_x-1)S_x^2 + (n_y-1)S_y^2}{n_x + n_y - 2}$$

```
S_{pow_2} = ((n_x - 1) * x_var(ddof=0) + (n_y - 1) * y_var(ddof=0))/(n_x + n_y - 2)
```

#### Вычисление t-критерия Стьюдента:

После вычисления выборочных средних и объединенной выборочной дисперсии, мы вычисляем t-критерий Стьюдента (t):

• t: Вычисление t-критерия, который является мерой того, насколько выборочные средние  $\overline{x}$  и  $\overline{y}$  различаются относительно объединенной выборочной дисперсии  $S^2$ 

 $t=rac{\overline{X}-\overline{Y}}{S\sqrt{rac{1}{n_x}+rac{1}{n_y}}}$ 

```
t_r = (x_mean - y_mean) / ((S_pow_2 * (1 / n_x + 1 / n_y)) ** 0.5)
print(f'Вычисленное значение критерия: \{t_r\}')
```

# Вычисление табличного t-криетрия Стьюдента:

Затем вычисляется табличное значение t-критерия Стьюдента ( $t_{\kappa p}$ ):

•  $t_{\kappa p}$ : Это критическое значение, которое зависит от заданного уровня значимости  $\alpha$  и числа степеней свободы, равного сумме степеней свободы выборок X и Y минус 2.

$$t_{\kappa p}=t_{1-rac{lpha}{2},n_x+n_y-2}$$

```
t_t = st.t.ppf(1 - a / 2, n_x + n_y - 2)
print(f'Табличное значение критерия: {t_t}')
```

#### Вычисление Z:

В вашей процедуре также включено вычисление Z-критерия для проверки гипотезы, если известны дисперсии генеральных совокупностей:

• Z: Это Z-критерий, который используется для проверки гипотезы о различии средних значений, учитывая известные дисперсии  $\sigma_x^2$  и  $\sigma_y^2$ .

$$Z=rac{\overline{x}-\overline{y}}{\sqrt{rac{\sigma_{x}^{2}}{n_{x}}+rac{\sigma_{y}^{2}}{n_{y}}}}$$

```
z = (x_mean - y_mean) / ((x_var / n_x + y_var / n_y) ** 0.5) print(f'Вычисленное значение критерия: \{z\}')
```

#### Вычисление табличного Z

Наконец, вычисляется табличное значение Z-критерия ( $z_{\kappa p}$ ):

•  $z_{\kappa p}$ : Это критическое значение Z-критерия, которое зависит от заданного уровня значимости  $\alpha$  и используется для сравнения с вычисленным Z-критерием. Если вычисленный Z-критерий превышает по абсолютной величине это табличное значение, то нулевая гипотеза отвергается.

```
z_critical = st.norm.ppf(1 - a/2)
print(f'Табличное значение критерия: {z_critical}')
```

Этот анализ позволяет определить, есть ли статистически значимые различия между средними значениями двух выборок X и Y на основе выборочных данных и известных дисперсий (в случае использования Z-критерия) или объединенной выборочной дисперсии (в случае использования t-критерия Стьюдента).

# Проверка гипотезы о равенстве вероятностей благоприятного исхода в двух сериях

$$H_0: p_1 = p_2 H_1: p_1 
eq p_2$$

- **Нулевая гипотеза (H0):**  $p_1 = p_2$  это нулевая гипотеза, которую мы хотим проверить. Она утверждает, что вероятности благоприятного исхода в двух сериях  $p_1$  и  $p_2$  равны.
- Альтернативная гипотеза (H1):  $p_1 \neq p_2$  это альтернативная гипотеза, которая утверждает, что вероятности благоприятного исхода в двух сериях  $p_1$  и  $p_2$  не равны.

## Вычисление вероятностей

Сначала вычисляются вероятности благоприятного исхода в каждой серии:

•  $W_1$ : Вычисление вероятности благоприятного исхода в первой серии как отношение количества благоприятных исходов  $m_1$  к общему количеству наблюдений  $n_1$  в первой серии.

$$W_1=rac{m_1}{n_1}$$

```
w1 = m1 / n1 Markdown(f'Вероятность благоприятного исхода в первой серии: $W_1 = \{w1\}$')
```

•  $W_2$ : Аналогично, вычисление вероятности благоприятного исхода во второй серии как отношение количества благоприятных исходов  $m_2$  к общему количеству наблюдений  $n_2$  во второй серии.

$$W_2=rac{m_2}{n_2}$$

```
w2 = m2 / n2 Markdown(f'Вероятность благоприятного исхода в первой серии: $W_2 = {w2}$')
```

Также вычисляется общая вероятность p для обеих серий, объединяя количество благоприятных исходов и общее количество наблюдений:

• p: Вычисление общей вероятности благоприятного исхода в обеих сериях как отношение суммы количества благоприятных исходов в обеих сериях  $(m_1 + m_2)$  к суммарному общему количеству наблюдений в обеих сериях  $(n_1 + n_2)$ .

$$p=\frac{(m1+m2)}{(n1+n2)}$$

```
p = (m1 + m2) / (n1 + n2)
Markdown(f'Вероятность благоприятного исхода в обеих сериях: $p = {p}$')
```

# Вычисление критерия

Затем мы вычисляем значение Z-критерия (z), который является мерой того, насколько различаются вероятности благоприятного исхода в двух сериях относительно общей вероятности p:

• z: Вычисление Z-критерия, который определяется как разница между вероятностями  $W_1$  и  $W_2$ , деленная на стандартное отклонение этой разницы. Стандартное отклонение рассчитывается с использованием общей вероятности p и размеров выборок  $n_1$  и  $n_2$ .

$$z = rac{W_1 - W_2}{\sqrt{p(1-p)(rac{1}{n_1} + rac{1}{n_2})}}$$

```
z = (w1 - w2) / np.sqrt(p * (1 - p) * (1 / n1 + 1 / n2))
print(f'Вычисленное значение критерия: {z}')
```

## Табличное значение критерия

Наконец, мы вычисляем табличное значение Z-критерия ( $z_{\kappa p}$ ), которое используется для сравнения с вычисленным Z-критерием:

•  $z_{\kappa p}$ : Это критическое значение Z-критерия, которое зависит от заданного уровня значимости  $\alpha$ . Если вычисленное значение Z-критерия превышает по абсолютной величине это табличное значение, то нулевая гипотеза отвергается.

$$z_t = \Phi^{-1}(1-\frac{a}{2})$$

```
z_critical = st.norm.ppf(1 - a / 2)
print(f'Табличное значение критерия: {z_critical}')
```

Этот анализ позволяет определить, есть ли статистически значимые различия между вероятностями благоприятного исхода в двух сериях на основе выборочных данных и заданного уровня значимости.е