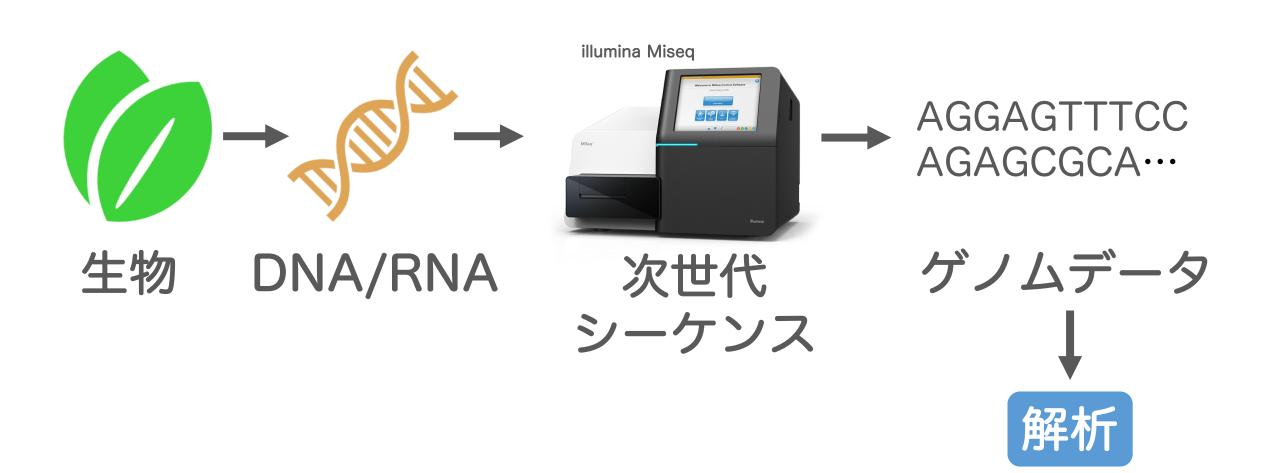
ゲノム情報解析入門

解析環境セットアップ・使い方

ゲノム解析とは



ゲノムデータは巨大なデータ

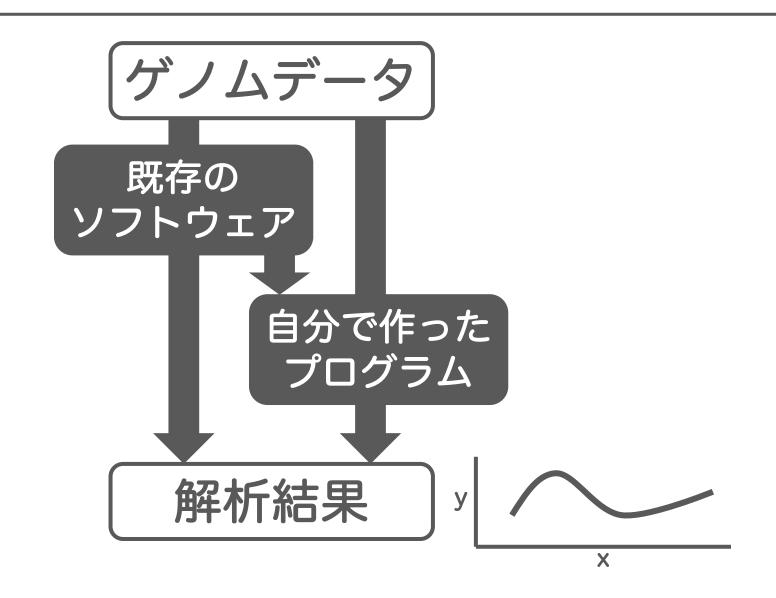
ゲノム配列

ヒト シロイヌナズナ イネ コムギ 3 Gb (3億塩基対) 130 Mb (1300万塩基対) 390 Mb (3900万塩基対) 17 Gb (17億塩基対)

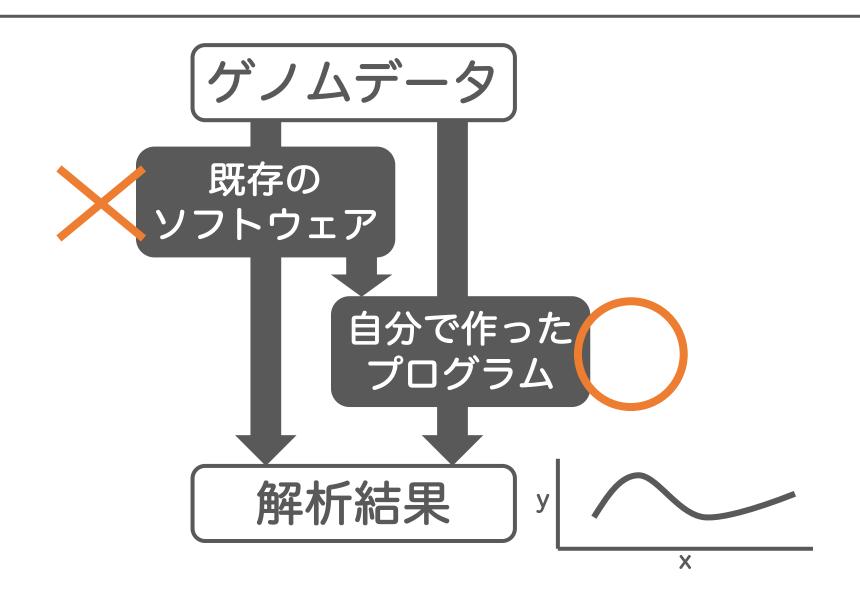
• 遺伝子発現量

ヒト シロイヌナズナ イネ コムギ 26,000 遺伝子 27,000 遺伝子 37,000 遺伝子 120,000 遺伝子

ゲノム解析のアプローチ



「ゲノム情報解析入門」で勉強するゲノム解析



実習で伝えたいこと

実習では、<u>プログラムを書いたり、実行したり</u>します (プログラミング)



プログラミングをマスターする



プログラミングができれば何ができるのかを知る

確認

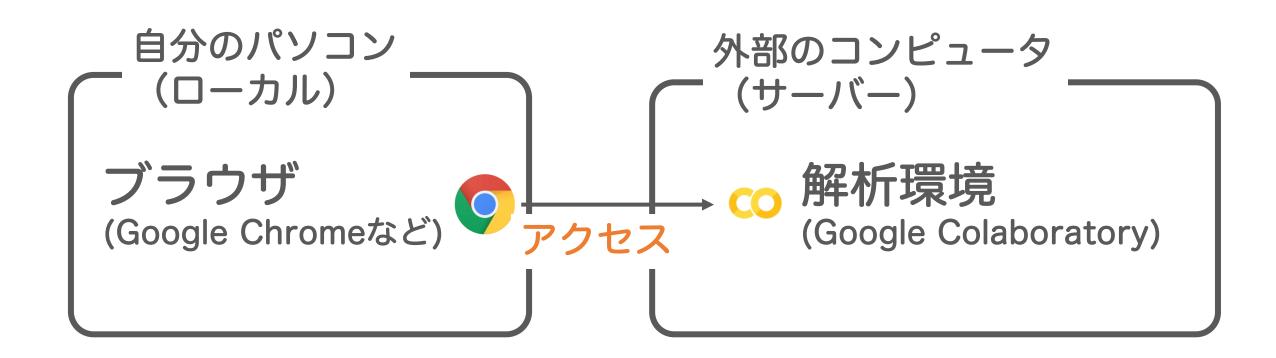
- ロインターネットに接続されている
- ロブラウザがインストールされている

利用可能なブラウザ

- Google Chrome
- Firefox
- Safari (Mac)

□ Googleアカウントを持っている

実習で使う解析環境



解析環境にアクセスする

①ブラウザを開き、次のワードを検索する



kyoto crop evolution





click→ Crop Evolution Lab. | 京都大学 農学研究科 栽培植物起源学 ... www.crop-evolution.kais.kyoto-u.ac.jp > ... ▼

フォトギャラリー・お問い合わせ・リンク・サイトマップ・日本語・English. 〒617-0001 京都府 向日市物集女町中条1番地. TEL:075-921-0652 FAX:075-932-8063. Copyright © 2019 **Crop Evolution** Lab. All Rights Reserved.

解析環境にアクセスする

② 栽培植物起原学研究室ホームページにある「ゲノム情報解析入門」をクリック



解析環境にアクセスする

③ ゲノム解析入門の講義テキストをクリック

講義・実習表

No.	講義・実習内容	日付	_{資料} click	その他
01	ガイダンス	10月1日	シラバス	
02	解析環境セットアップ・使い方	10月8日	スライド / テキスト / 課題	
03	Pythonをはじめる - 基礎 -	10月15日	テキスト / 課題	
04	Pythonをはじめる - 実践 -	10月29日	テキスト / 課題	
05	Pythonライブラリを使う - 基礎 -	11月5日	テキスト / 課題	
06	Pythonライブラリを使う - 実践 -	11月12日	テキスト / 課題	
07	機械学習 - 概要 -	11月19日	テキスト / 課題	
80	機械学習 - 分類 (1) -	11月26日	テキスト / 課題	
09	機械学習 - 分類 (2) -	12月3日	テキスト / 課題	
10	機械学習	12月17日	テキスト / 課題	
11	機械学習	12月24日	テキスト / 課題	

実習内容は、進捗等により変更することがあります。