研究室準備品メモ（4月18日（木）分）

DNAサンプル

・PCR後のサンプル (25 uL) 4セット (8連チューブ)

・PCR産物確認用 (DNA 10 uL + Loading buffer 2 uL)

・PCR産物精製用 (DNA 15 uL + dH2O 35 uL)

電気泳動（PCR産物の確認）

・1%アガロースゲル 2枚（ゲルトレイにセットした状態）

・電気泳動装置 2台

・1X TAE buffer 1 L

・100 bp ladder marker 20 uL x 4本 (1.5 mLチューブ)

PCR産物の精製

・NucleoSpin Gel and PCR Clean-up １箱

・dH2O 1000 uL x 4セット

・Buffer NTI 800 uL (1.5 uL チューブ) x 4セット

・Buffer NT3 1500 uL (1.5 uL チューブ) x 4本 x 4セット

・Buffer NE 240 uL (1.5 uL チューブ) x 4セット

・コレクションチューブ 16本x 4セット

・カラム 16本x 4セット

・フタなしチューブ 16本x 4セット

・1.5 mLチューブ 16本x 4セット

・廃液用50 mLチューブ 4本x 4セット

シーケンス用プレミックスの準備

・dH2O -

・各プライマー (2 pmol/uL) 40 uLずつ (1.5 mLチューブ)

・8連チューブ 2本x 8セット

その他

・PCRチューブラック 4個

・マイクロチューブラック 4個

・50 mL チューブラック 4個

・フリーズボックス 4個

・各種ピペッター(20,200,1000) 4セット

・イエロー、ブルーチップ 4セット

・ナノポアデバイス 1台

・小型遠心機 1台

・サインペン 4本

解析ツールのメモ（4月19日（木）分）

波形ファイルの確認（オンラインツール）:

<https://www.gear-genomics.com/teal/>

<https://chromatogramviewer.microclineprojects.com/>

部分配列の取得 https://www.bioinformatics.nl/cgi-bin/emboss/extractseq

アセンブル（オンラインツール）: <https://doua.prabi.fr/software/cap3>

相補鎖変換 https://www.genscript.com/sms2/rev\_comp.html

アライメント＆系統樹作成（オンラインツール）:

https://ngphylogeny.fr/

<https://www.genome.jp/tools-bin/clustalw>

<https://www.ebi.ac.uk/jdispatcher/msa/clustalo>

<https://mafft.cbrc.jp/alignment/server/>

系統樹描画 https://phylo.io/

データ確認

距離行列 https://www.ebi.ac.uk/jdispatcher/phylogeny/simple\_phylogeny

Aegilops tauschii

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/datasets/genome/GCF\_002575655.2/

Aegilops sharonensis

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/datasets/genome/GCA\_904067115.1/

Triticum aestivum

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/datasets/genome/GCF\_018294505.1/

Triticum aestivum subsp. spelta

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/datasets/genome/GCA\_903994165.1/

Setaria italica

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/datasets/genome/GCF\_000263155.2/

Setaria viridis

https://www.ncbi.nlm.nih.gov/datasets/genome/GCF\_005286985.1/