Reporte de Laboratorio 1 Punteros y funciones en C++

Dunia Barahona - B40806

11 de septiembre de 2016

Índice

1. Código

2. Conclusiones 7

1. Código

A continuación se mencionan las funciones del programa.

• cont: obtiene el tamaño del código genético (ARN) ingresado desde la línea de comandos.

```
int cont (char **bss)
{
    int n = 0;
    while (bss[1][n] != '\0')
    {
        n++;
    }
    return n;
}
```

Figura 1: función cont

 amino: determina cual aminoácido corresponde al codón de ARN ingresado según la tabla de conversión ARN a aminoácido.

```
char amino(int p1, int p2, int p3)
     char **comb[4];
     comb[0] = new char*[4];
     comb[1] = new char*[4];

comb[2] = new char*[4];

comb[3] = new char*[4];
     comb[0][0] = new char[4];
     comb[0][1] = new char[4];
comb[0][2] = new char[4];
comb[0][3] = new char[4];
     comb[1][0] = new char[4];
     comb[1][1] = new char[4];
     comb[1][2] = new char[4];
     comb[1][3] = new char[4];
     comb[2][0] = new char[4];
comb[2][1] = new char[4];
comb[2][2] = new char[4];
     comb[2][3] = new char[4];
     comb[3][0] = new char[4];
     comb[3][1] = new char[4];
comb[3][2] = new char[4];
                     = new
     comb[3][3]
                               char[4];
```

Figura 2: tabla de conversión ARN-aminoácido

```
comb[0][0][0] = 'K';
comb[0][0][1] = 'N';
comb[0][0][2] = 'K';
comb[0][0][3] = 'N';

comb[0][1][0] = 'T';
comb[0][1][1] = 'T';
comb[0][1][2] = 'T';
comb[0][1][3] = 'T';

comb[0][2][0] = 'R';
comb[0][2][1] = 'S';
comb[0][2][2] = 'R';
comb[0][2][3] = 'S';

comb[0][3][0] = 'I';
comb[0][3][1] = 'I';
comb[0][3][2] = 'M';
comb[0][3][2] = 'M';
comb[0][3][3] = 'I';
```

Figura 3: tabla de conversión ARN-aminoácido

```
comb[1][0][0] = '0';
comb[1][0][1] = 'H';
comb[1][0][2] = '0';
comb[1][0][3] = 'H';

comb[1][1][0] = 'P';
comb[1][1][1] = 'P';
comb[1][1][2] = 'P';
comb[1][1][3] = 'P';

comb[1][2][0] = 'R';
comb[1][2][1] = 'R';
comb[1][2][2] = 'R';
comb[1][2][3] = 'R';

comb[1][3][0] = 'L';
comb[1][3][1] = 'L';
comb[1][3][2] = 'L';
comb[1][3][3] = 'L';
```

Figura 4: tabla de conversión ARN-aminoácido

```
comb[2][0][0] = 'E';
comb[2][0][1] = 'D';
comb[2][0][2] = 'E';
comb[2][0][3] = 'D';

comb[2][1][0] = 'A';
comb[2][1][1] = 'A';
comb[2][1][2] = 'A';
comb[2][1][3] = 'A';

comb[2][2][0] = 'G';
comb[2][2][1] = 'G';
comb[2][2][2] = 'G';
comb[2][2][3] = 'G';

comb[2][3][0] = 'V';
comb[2][3][1] = 'V';
comb[2][3][2] = 'V';
```

Figura 5: tabla de conversión ARN-aminoácido

```
comb[3][0][0] = '|';
comb[3][0][1] = 'Y';
comb[3][0][2] = '|';
comb[3][1][0] = 'S';
comb[3][1][1] = 'S';
comb[3][1][2] = 'S';
comb[3][1][3] = 'S';
comb[3][2][0] = '|';
comb[3][2][1] = 'C';
comb[3][2][2] = 'W';
comb[3][2][3] = 'C';

comb[3][3][0] = 'L';
comb[3][3][1] = 'F';
comb[3][3][2] = 'L';
comb[3][3][2] = 'L';
comb[3][3][3] = 'F';
char pt = comb[p1][p2][p3];
delete[] *(comb);
return pt;
}
```

Figura 6: tabla de conversión ARN-aminoácido

■ triplete: traduce las bases del codón recibido según lo siguiente: A= 0, C= 1, G= 2, U= 3.

```
char triplete (char *bss)
    int* temp= new int[3];
                                  // arreglo temporal
    for (int i = 0; i < 3; i++)
        switch (*(bss+i))
            case 'A':
                 *(temp+i) = 0;
                break;
            case
                 *(temp+i) = 1;
                break;
                 *(temp+i) = 2;
                break;
            case 'U':
                 *(temp+i) = 3;
                break;
            default:
                 *(temp+i) = -1;
                break;
    char AA = amino(temp[0]. temp[1]. temp[2]):
    delete[] temp;
    return AA;
```

Figura 7: función triplete

- insp: verifica si el ARN ingresado cumple con las siguientes condiciones:
 - 1. La cantidad de bases que lo componen es multiplo de 3.
 - 2. Está compuesto únicamente por los caracteres que corresponden a bases nitrogenadas (A, C, G, U).

```
int insp(char **bss)
{
    int swch= 0;
    int error = 0;
    int n = cont(bss);

int resto = n % 3;
    if (resto!= 0)
    {
        swch= 1;
        cout < "La serie ingresada no es multiplo de 3" << endl;
    }
    bss++;
    for (int i = 0; i < n; i++)
    {
        char tp = *(*bss+i);
        if (tp!='A' && tp!='C' && tp!='U')
        {
            error= 1;
            swch= 1;
        }
    }
    if (error != 0)
    {
        cout << "La serie ingresada contiene caracteres que no corresponden a las bases nitrogenadas (A, G, C, U)" << endl;
    }
    return swch;
}</pre>
```

Figura 8: función insp

■ traducirARNaAA: tiene como parámetro un puntero de char char** arn el cual contiene la dirección de memoria del ARN ingresado desde la línea de comandos y retorna un nuevo arreglo de char con los animoácidos resultantes.

```
char* traducirARNaAA(char **arn)
    int n = cont(arn);
    char* pt = new char[n/3];
    int swch= insp(arn);
    if (swch==0)
         char* temp = new char[3];
         char amac;
        int m= 0;
         for (int i = 0; i < n; i++)
             *temp = *(*(arn+1)+i);
             *(temp+1) = *(*(arn+1)+i+1);
*(temp+2) = *(*(arn+1)+i+2);
                                                // Es lo mismo que: temp[1]= bss[1][i+1];
             amac = triplete(temp);
             *(pt+m)= amac;
             //cout<< *(pt+m) << endl;
             i+=2;
         delete temp;
    return pt;
```

Figura 9: función traducirARNaAA

• imprimirArregloDeChar: recibe un puntero de char char* a y un entero int n, e imprime la cantidad especificada de caracteres del puntero.

```
int imprimirArregloDeChar(char* a, int n)
{
    for (int i = 0; i < n; i++)
        {
            cout << *(a+i);
        }
        cout << endl;
    return 0;
}</pre>
```

Figura 10: función imprimirArregloDeChar

2. Conclusiones

- Cuando no se sabe de antemano la cantidad de elementos con los que el programa va a trabajar se hace uso de la memoria dinámica.
- Es responsabilidad del programador liberar el espacio de memoria que se reservó a la hora de crear punteros.
- Usando punteros se pueden crear arreglos dinámicos, definiendo el tamaño mientras se ejecuta el programa.