# 5. 胞遗传信息的表达及调控

### • 5.1. 转录及真核生物转录后加工

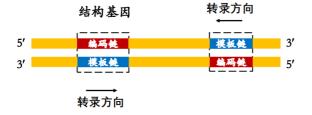
### • 5.1.1. 转录的概述

1. 定义: 双链DNA中的一条合成RNA

2. 物质基础: rNTP/NTP, DNA, RNA聚合酶,蛋白因子(原核: S因

子&真核: 转录因子)

### 5.1.3. 转录有关的核心概念



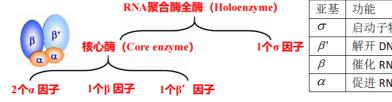
- 1. 启动子: RNA 聚合酶识别/结合/启动转录的DNA 序列,特异性,序列保守,不转录
- 2. 转录单元:启动子到终止子的DNA序列;有多个(原核细胞)or单个(真核细胞)编码基因
- 3. 终止子:给RNA聚合酶转录终止信号的DNA序列

#### • 5.1.3.\* PS

- 1. 结构基因: DNA分子上转录出 RNA 的区段
- 2. 不对称转录: DNA双链上,一股链是模板,另一股不转录;模板链并非在同一单链上
- 3. 模板链与编码链:模板链(合成RNA的模板DNA链);编码链(相对发另一条单链DNA)

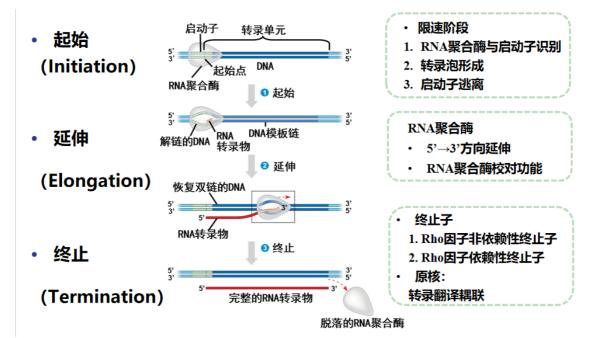
## • 5.1.4. 原核生物的转录

• 5.1.4.1. 原核生物RNA聚合酶: $5^{'} \rightarrow 3^{'}$ 聚合/校对/无需引物/能解旋



2	亚基	功能
	$\sigma$	启动子特异性识别
	β'	解开 DNA
	β	催化 RNA 生成
	α	促进 RNA 聚合酶与上游转录因子结合

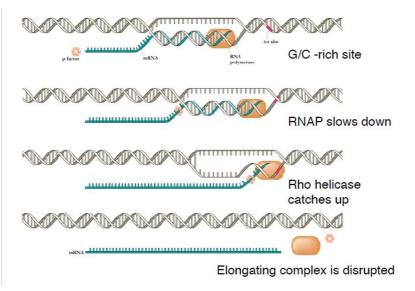
5.1.4.2. 转录过程



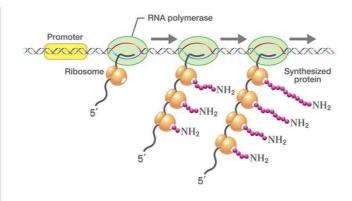
- 5.1.4.3. 转录终止的类型
  - (1)不依赖于Rho因子的转录终止



读取内含子(内源性富含GC)形成发卡结构阻止转录复合物推进转录结束



5.1.4.4. 转录翻译耦联(原核细胞):产物长的为转录/翻译方向

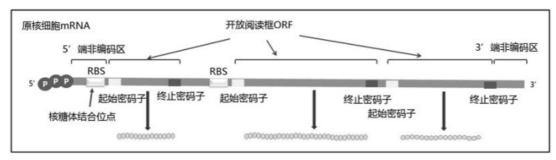


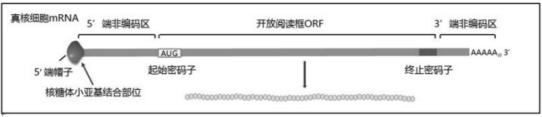
- 5.1.5. 真核生物转录后的加工(RNA加工)

  - 5.1.5.3. RNA加工的内容: 3'加尾巴/5'加帽子/切去内含子

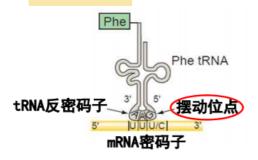


- 5.1.5.4. 同源蛋白:同一转录产物不同加工
- 5.2. 翻译
  - 5.2.1. 概述: 氨基酸  $\frac{mRNA$ 模板核糖体,氨酰tRNA,蛋白因子 mRNA从 $5' \rightarrow 3'$ ,多肽氨基端 $\rightarrow$ 羧基端
  - 5.2.2. 密码子
    - 1. 含义: RNA上三个核苷酸代表一种氨基酸
    - 2. 特殊密码子: 终止密码子(UAA/ UAG/UGA), 起始密码子(大多是AUG)
    - 3. 密码子简并性: 多种同义密码子(只在第3位碱基上不同)编码同一个氨基酸,
    - 4. 开放阅读框: 起始-终止密码子间的核苷酸序列
  - 5.2.3. 翻译的装置
    - 5.2.3.1. mRNA, 注意RBS的功能





5.2.3.2. tRNA

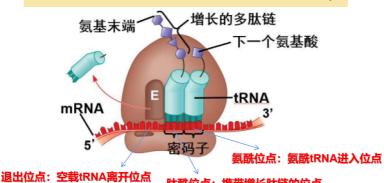


1. 结构:末端有特定氨基酸,有特定反密码子

2. 氨酰\$tRNA: 将特定氨基酸连接到tRNA的3'末

3. 摆动性:第三位碱基不同的同义密码子可以被同一种tRNA识别

5.2.3.3. 核糖体: rRNA+蛋白质(大小亚基)→三个结合位点 (注意意EPA三个位点都穿过大小两个亚基)



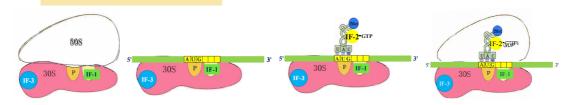
退出位点:全载tRNA离开位点 肽酰位点:携带增长肽链的位点

5.2.4. 翻译过程:起始,延申,终止

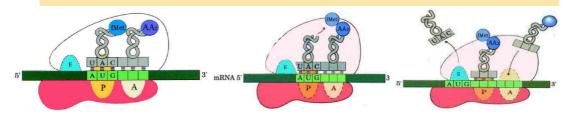
## 5.2.4.0. 原核生物翻译过程所需要的蛋白质因子

1. 起始因子:作用在翻译起始,IF-1(阻止其他tRNA 结合小亚基),IF-2(结合特定起始tRNA进入核糖体),IF-3(阻止大小亚基结合)

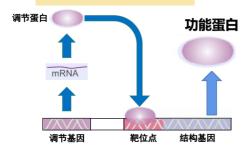
- 2. 延长因子: 转位酶, 使核糖体向端移动一个密码子
- 3. 释放因子: RF1/RF2/RF3分别为, I类释放因子(识别终止子), II类释放因子(协助I类因子释放, 无特异性), 核糖体循环因子
- 5.2.4.1. 翻译的起始:大小亚基分离→小亚基结合mRNA&起 始tRNA→大亚基回来



• 5.2.4.2. 翻译的延申: 进位→成肽→转位, 注意肽酰转移酶作用



- 5.2.4.3. 翻译的终止: A位结合释放因子并识别终止子→多肽合成停止——给羧基末端加水 tRNA释放肽链, mRNA大小亚基分离
- 5.3. 基因表达调控&操纵子
  - 5.3.1. 结构&调节基因



调节基因编码产物:阻遏/激活蛋白

5.3.2. 操纵子&操纵基因

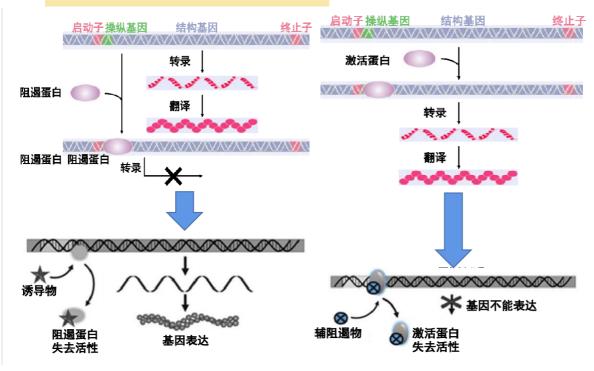


1. 操纵基因:可结合调节蛋白

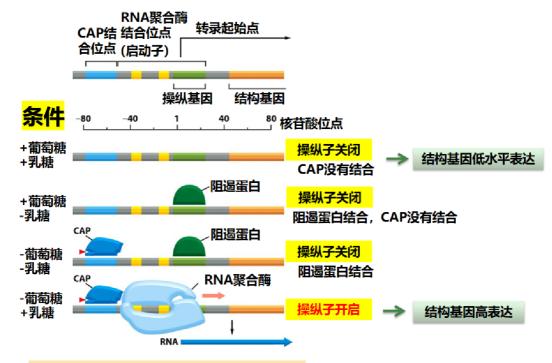
2. 操纵子:结构基因+控制元件(调节蛋白可识别),可被阻遏/激

### 活蛋白关闭/打开

5.3.3. 阻遏&激活蛋白+诱导&辅阻遏物



- 5.3.4. 原核生物结构基因表达四种调控
  - 1. 可诱导的正调控系统(0到1): 无活性激活蛋白变活开启转录
  - 3. 可诱导的负调控系统(-1到 1): 抑制转录诱导物解除抑制
  - 4. 可阻遏的负调控系统(0到-1): 无活性阻遏蛋白变活抑制转录
  - 2. 可阻遏的正调控系统(1到-1): 开启转录后辅阻遏物出现抑制转录
- 5.3.6. 操纵子示例
  - 5.3.6.1. 大肠杆菌乳糖操纵子: 两个转录调节蛋白——阻遏蛋白&CAP(激活蛋白)



# 5.3.6.2. 色氨酸操纵子的衰减机制

