目录

- 1 个体与集成
- 2 Boosting
 - o 2.1 AdaBoost 算法
 - 2.1.1 算法流程
 - 2.1.2 样本权值的更新
 - 2.1.3 学习器权值的更新
 - o 2.2 多分类
 - <u>2.2.1 SAMME 算法</u>
 - 2.2.2 SAMME.R 算法
 - 2.2.3 SAMME与 SAMME.R 的比较
 - o 2.3 AdaBoost 案例
 - 2.3.1 初始化
 - 2.3.2 第一次迭代
 - 2.3.3 第二次迭代
 - 2.3.4 第三次迭代
 - o 2.4 sklearn 案例
 - o 2.5 AdaBoost 特点
 - o 2.6 Booting 总结

个体与集成

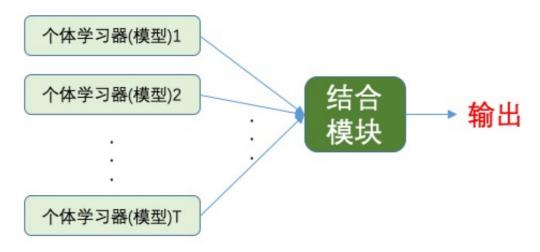
【参考】

• quantdare - What is the difference between Bagging and Boosting?

概念:多分类器(模型)系统(multi-classifier system)、基于委员会的学习(committee-based learning)、个体学习器(individual learner)、同质(homogeneous)、基学习器(base learner)、基学习算法(base learning algorithm)、异质(heterogeneous)、组件学习器(Component learner)、泛化性能、弱学习器(weak learner)、投票法(voting)、和而不同、多样性(diversity)、串行(序列化)、并行、

集成学习(ensemble learning)通过构建并结合多个学习器(模型)来完成学习的任务,有时候也被成为多分类器(模型)系统(multi-classifier system)、基于委员会的学习(committee-based learning)。

如下图, 集成学习的一般结构:



首先产生一组**个体学习器(individual learner)**,再用某种策略将他们集合起来。

个体学习器通常由一个现有的**学习算法**从训练数据中训练而来,例如 C4.5决策树算法,BP 神经网络算法,此时集成中只包含同种类型的个体学习器,这样的集成是**同质(homogeneous)**的。同质集成中的个体学习器又称为**基学习器(base learner)**,相应的算法也成为**基学习算法(base learning algorithm)**。

集成也可以包含不同的个体学习器,例如同时包含决策树和神经网络,这样的集成是**异质** (heterogeneous) 的。异质集成中的个体学习器由不同的学习算法生成,这时不再有基学习算法,相应的,个体学习器一般不称为基学习器,常称为**组件学习器(Component learner)**或者直接称为个体学习器。

集成学习通过将多个学习器进行结合,常可获得比单一学习器显著优越的泛化性能。这对**弱学习器** (weak learner) 尤为明显,弱学习器是指泛化性能略优于随机猜测的学习器,如二分类问题上精度 略高于50%的分类器,因此集成学习的很多理论研究都是针对弱学习器进行的,而基学习器有时也被称 作弱学习器。但在实践中,常用的还是强学习器。

把好东西与坏东西掺在一起,通常结果是比最差的要好,但比最好的要差。那么把多个学习器结合起来,如何获得比单一学习器更好的性能呢。以二分类为例:有三个分类器,在三个测试样本上的表现如下图:

_	样本1	样本2	样本3	- B	样本1	样本2	样本3		样本1	样本2	样本3
h1	√	√	×	h1	√	V	×	h1	√	×	×
h2	×	\checkmark	√	h2	\checkmark	√	×	h2	×	√	×
h3	√	×	√_	h3	√	√	×	h3	×	×	√
集成	√	√	√	集成	√	√	×	集成	×	×	×

(a) 集成性能提升

(b) 集成不起作用

(c) 集成起负作用

其中√表示真确分类,×表示错误分类,h1~h3表示分类器,集成的结果通过**投票法(voting)**产生,即**少数服从多数**。可以看到 a 的每一个分类器精度为66.6%,但集成之后的结果为 100%,集成让性能得到了提升;同理 b 集成不起作用,而 c 集成起到了反作用。

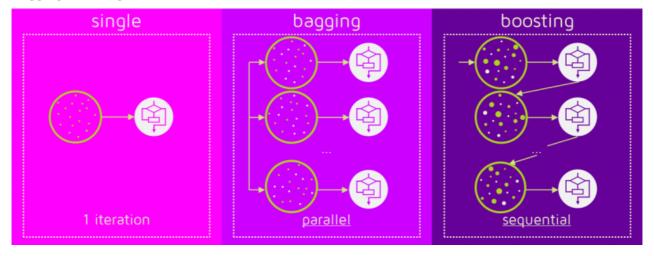
因此要想获得好的结果: 个体集学习器应该"和而不同",即个体学习器要有一个定的"准确性",即学习器不能太坏,并且要有"多样性(diversity)",即学习器之间要有差异。

然而个体学习器的准确性和多样性本身就存在着冲突,一般,准确性提高之后,要增加多样性就需要牺牲准确性。事实上,如何产生并结合好而不同的个体学习器,恰是集成学习的研究核心。

根据个体学习器的生成方式的不同,目前集成学习可以分为两大类:

- 个体学习器之间存在强依赖关系,必须串行生成的序列化方法,此代表是 Boosting
- 个体学习器之间不存在强依赖关系,可以同时生成的并行化方法,此代表为 Bagging和 随机森林 (Random Forest)

Bagging Boosting 示意图如下:



Boosting

【附加】

● Greedy Function Approximation: A Gradient Boosting Machine 概念: 样本分布

Boosting 是一族可将若学习器提升为强学习器的算法。

这族算法的工作机制类似: 先从初始训练集训练一个基学习器,在根据基学习器的表现对**训练样本的分布**进行调整,使得先前基学习器做错的训练样本在后续得到更多关注,然后基于**调整后的样本分布**来训练下一个基学习器;如此重复,直到基学习器数目达到事先指定的值 T,最终将这 T 个基学习器进行**加权结合**。

Boosting 族算法最著名的代表是 AdaBoost(Adaptive Boosting 自适应增强)。

AdaBoost 算法

概念:符号函数、指示函数、指数损失函数(exponential loss function)、

【参考】

- csdn Adaboost算法原理分析和实例+代码(简明易懂)
- sklearn AdaBoost
- paper A Decision-Theoretic Generalization of On-Line Learning and an Application to Boosting, 1997 加性模型(additive model)

为了讨论方便, 做出以下符号约定:

D表示训练集;

- x 表述训练集的样本
- $y_i \in \{-1, +1\}$ 表示样本的可能标签;
- T表示需要训练的次数,即需要训练多少个基学习器;
- f 是真是函数;
- h_t 表示第 t 轮的基学习器即弱学习器;
- α_t 表示第 t 个基学习器的权重;
- H_i 表示前 i 轮基学习器的加权组合
- H 表示最终的强分类器;
- \mathcal{D} 表示训练集中样本权重分布,初始时的所有样本的权重值都为 $\frac{1}{m}$,m为样本的个数;
- \mathcal{D}_t 表示在第 t 轮训练时,训练集中样本的权重分布,如 $\mathcal{D}_1 = \frac{1}{m}$;
- ω_{ti} 表示在 t 论, 第 i 个样本的权重
- Z_t 是规范化因子,用于确保 \mathcal{D}_t 是一个分布
- sign(y) 表示符号函数,当值 y<0时取值为 -1,当 y=0时取值为 0,当 y>0时取值为 1.
- I(y) 表示**指示函数**,当 y 为真的时候值为1,假时值为 0

一下算法流程是基于加性模型的算法,即依据的是 Freund and Schapire 1997 的论文,在 sklearn 中是基于 SAMME 和 SAMME.R 算法实现,在更新学习器权重与样本权重时有些许差别,且后者可以用于多分类系统。

算法流程

输入:

训练集: $D = \{(\boldsymbol{x}_1, y_1), (\boldsymbol{x}_2, y_2), \dots, (\boldsymbol{x}_m, y_m)\}$, 含有 m 个样本

基学习算法: \mathcal{L} 训练轮数: T

过程

- 1.这是初始化的数据集样本权重分布, $\mathcal{D}_1=rac{1}{m}$
- 2.进行迭代 for t =1,2,...T do:
 - (a) 训练基学习器: $h_t = \mathcal{L}(D, \mathcal{D}_t)$
 - (b) 计算基学习器的错误率: $\varepsilon_t = P_{{m x} \sim \mathcal{D}_t}(h_t({m x})
 eq f({m x}))$,即

$$\varepsilon_t = P_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_t}(h_t(\boldsymbol{x}) \neq y_i)$$
, 也就是:

$$arepsilon_t = P_{oldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_t}(h_t(oldsymbol{x})
eq y_i) = \sum_{i=1}^m \omega_{ti} \mathbf{I}(H_t(x_i)
eq y_i)$$
 (A1)

- (c) 检查条件: **if** $\varepsilon_t>0.5$ **then break**,检测训练出来的基学习器是否好于随机分类器,不好于则退出学习
 - (d) 设置基学习器权重: 若训练出来的基学习器没有好于随机分类器, 为当前基学习器设置权重

$$lpha_t = rac{1}{2} \ln \left(rac{1 - arepsilon_t}{arepsilon_t}
ight)$$
 (A2) (e) 更新样本权

重: $Z_t = 2\sqrt{arepsilon_t(1-arepsilon_t)}$

$$\mathcal{D}_{t+1}(oldsymbol{x}) = rac{\mathcal{D}_{t}(oldsymbol{x})}{Z_{t}} imes egin{cases} exp(-lpha_{t}) & if\ h_{t}(oldsymbol{x}) = f(oldsymbol{x}) \ exp(lpha_{t}) & if\ h_{t}(oldsymbol{x})
eq f(oldsymbol{x}) \ = rac{\mathcal{D}_{t}(oldsymbol{x})exp\left(-lpha_{t}f(oldsymbol{x})h_{t}(oldsymbol{x})
ight)}{Z_{t}} \end{cases}$$
(A3)

输出:

$$H(oldsymbol{x}) = sign\left(\sum_{t=1}^{T} lpha_t h_t(oldsymbol{x})
ight)$$
 (A4)

样本权值的更新

从式子(A3)可以看到样本权重的更新时依赖于 α_t 和 Z_t ,而 α_t 从式子(A2)可以看出是依赖于 ε_t , Z_t 也是,因此权重的更新时依赖于 ε_t 。而权重更新的公式又可以写成如下的形式:

$$\mathcal{D}_{t+1}(\boldsymbol{x}) = \frac{\mathcal{D}_t(\boldsymbol{x})exp\left(-\alpha_t y_i h_t(x_i)\right)}{Z_t}$$
(A5)

基学习器在与测试有以下两种情况:

(1) 对样本预测错误: 即 y=1是预测为了-1,当y=-1时预测成了 1,因此 $y_i h_t(x_i) = -1$,这时有:

$$\mathcal{D}_{t+1}(\boldsymbol{x}) = \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{Z_{t}} \exp(\alpha_{t}) = \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{Z_{t}} \exp(\frac{1}{2}\ln(\frac{1-\varepsilon_{t}}{\varepsilon_{t}}))$$

$$= \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{2\sqrt{\varepsilon_{t}(1-\varepsilon_{t})}} \sqrt{\frac{1-\varepsilon_{t}}{\varepsilon_{t}}} = \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{2\varepsilon_{t}}$$
(A6)

(2) 当样本预测正确的时候,即 y=1是预测为了1,当y=-1时预测成了 -1,因此 $y_i h_t(x_i) = 1$,这时有:

$$\mathcal{D}_{t+1}(\boldsymbol{x}) = \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{Z_{t}} \exp(-\alpha_{t}) = \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{Z_{t}} \exp(-\frac{1}{2}\ln(\frac{1-\varepsilon_{t}}{\varepsilon_{t}}))$$

$$= \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{2\sqrt{\varepsilon_{t}(1-\varepsilon_{t})}} \sqrt{\frac{\varepsilon_{t}}{1-\varepsilon_{t}}} = \frac{\mathcal{D}_{t}(\boldsymbol{x})}{2(1-\varepsilon_{t})}$$
(A7)

因此我们就可以得到如下的权值更新公式:

- 当样本分类错误时,样本权值更新为: $\mathcal{D}_{t+1}(\boldsymbol{x}) = \frac{\mathcal{D}_t(\boldsymbol{x})}{2\varepsilon_t}$ 当样本分类正确时,样本权值更新为: $\mathcal{D}_{t+1}(\boldsymbol{x}) = \frac{\mathcal{D}_t(\boldsymbol{x})}{2(1-\varepsilon_t)}$

学习器权值的更新

AdaBoost 有多种推到方法,最简单的是基于加性模型(additive model),即基学习器的线性组合:

$$H(\boldsymbol{x}) = \sum_{t=1}^{T} \alpha_t h_t(\boldsymbol{x})$$
 (1)

用上式最小化指数损失函数(exponential loss function):

$$\ell_{exp}(H \mid \mathcal{D}) = \mathbb{E}_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}}[e^{-f(\boldsymbol{x})H(\boldsymbol{x})}]$$
 (2)

在 AdaBoost 算法中,第一个基分类器 h_1 是通过直接将基本学习算法用于初始数据的分布得到。之后迭代生成 h_t 和 α_t ,当基分类器 h_t 基于分布 \mathbf{D}_t 产生之后,该基分类器的权重 α_t 应使得 $\alpha_t h_t$ 最小化指数损失函数:

$$\ell_{exp}(\alpha_{t}h_{t} \mid \mathcal{D}) = \mathbb{E}_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_{t}} \left[e^{-f(\boldsymbol{x})\alpha_{t}h_{t}(\boldsymbol{x})} \right]$$

$$= \mathbb{E}_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_{t}} \left[e^{-\alpha_{t}} \mathbf{I}(f(\boldsymbol{x}) = h_{t}(\boldsymbol{x})) + e^{\alpha_{t}} \mathbf{I}(f(\boldsymbol{x}) \neq h_{t}(\boldsymbol{x})) \right]$$

$$= e^{-\alpha_{t}} P_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_{t}} (f(\boldsymbol{x}) = h_{t}(\boldsymbol{x})) + e^{\alpha_{t}} P_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_{t}} (f(\boldsymbol{x}) \neq h_{t}(\boldsymbol{x}))$$

$$= e^{-\alpha_{t}} (1 - \varepsilon_{t}) + e^{\alpha_{t}} \varepsilon_{t}$$

$$(3)$$

其中 $\varepsilon_t = P_{\boldsymbol{x} \sim \mathcal{D}_t}(f(\boldsymbol{x}) \neq h_t(\boldsymbol{x}))$,令指数损失行数的导数为:

$$\frac{\partial \ell_{exp(\alpha_t h_t \mid \mathcal{D})}}{\partial \alpha_t} = e^{-\alpha_t} (1 - \varepsilon_t) + e^{\alpha_t} \varepsilon_t \tag{4}$$

令(4)式为零就可以得到:

$$\alpha_t = \frac{1}{2} \ln(\frac{1 - \varepsilon_t}{\varepsilon_t})$$

多分类

【参考】

- paper J. Zhu, H. Zou, S. Rosset, T. Hastie, "Multi-class AdaBoost", 2009. SAMME 与 SAMME.R
 算法
- stackoverflow Why estimator weight in SAMME.R AdaBoost algorithm is set to 1

AdaBoost 算法只能用于二分类,经过改进的 SAMME 与 SAMME.R 算法则可以用于多分类系统。

符号约定:

● n:表示样本个数

● K:表示类别总数,当 K 为 2 时就是二分类

• C:表示输出类别函数,即分类器的加权和

• c_i : 表示第 i 个样本的类别

● *M*:表示学习器的个数

α:表示学习器权重

ω:表示样本权重

T: 分类器

SAMME 算法

算法流程

1.初始化观测权重 $\omega_i = \frac{1}{n}, i = 1, 2, \ldots, n$

2.for m=1,2,...,M DO:

- (a) 使用权重 ω_i 在训练数据上训练分类器 $T^{(m)}(m{x})$
- (b) 计算分类器误差:

$$\epsilon^{(m)} = \sum_{i=1}^n \omega_i \mathbf{I}\left(c_i
eq T^{(m)}(x_i)
ight) / \sum_{i=1}^n \omega_i$$

(c) 计算当前分类器权重:

$$lpha^{(m)} = \log rac{1 - \epsilon^{(m)}}{\epsilon^{(m)}} + \log(K-1)$$

(d) 更新样本权重:

$$\omega_i \leftarrow \omega_i \cdot \exp\Bigl(lpha^{(m)} \cdot \mathbf{I}\left(c_i
eq T^{(m)}(x_i)
ight)\Bigr), i=1,\dots,n$$

(e) 重新归一化样本权重 ω_i

3.输出

$$C(oldsymbol{x}) = arg \max_k \sum_{m=1}^M lpha^{(m)} \cdot \mathbf{I}\left(T^{(m)}(oldsymbol{x}) = k
ight)$$

SAMME.R 算法

此处的 R 是 Real 的意思,SAMME.R 使用了概率评估(probability estimates)方法来更新加性模型(additive model),而 SAMME 只使用了分类。

1.初始化观测权重 $\omega_i = \frac{1}{n}, i = 1, 2, \ldots, n$

2.for m=1,2,...,M DO:

- (a) 使用权重 ω_i 在训练数据上训练分类器 $T^{(m)}(\boldsymbol{x})$
- (b) 获取权重化类别的概率评估:

$$p_k^{(m)}(oldsymbol{x}) = Prob_{\omega}(c=k|oldsymbol{x}), k=1,\ldots,K$$

(c) 更新:

$$h_k^{(m)} \leftarrow (K-1) \left(\log p_k^{(m)}(oldsymbol{x}) - rac{1}{K} \sum_{k'} \log p_{k'}^{(m)}(oldsymbol{x})
ight), k = 1, \ldots, K$$

(d) 更新样本权重:

$$\omega_i \leftarrow \omega_i \cdot \expigg(-rac{K-1}{K}y_i^T \log p^m(x_i)igg), i=1,\dots,n$$

(e) 重新归一化样本权重 ω_i

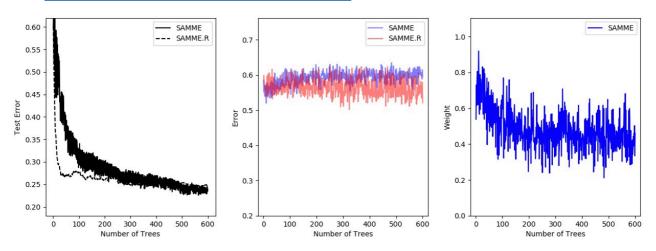
3.输出

$$C(oldsymbol{x}) = arg \max_k \sum_{m=1}^M h_k^{(m)}(oldsymbol{x})$$

SAMME与 SAMME.R 的比较

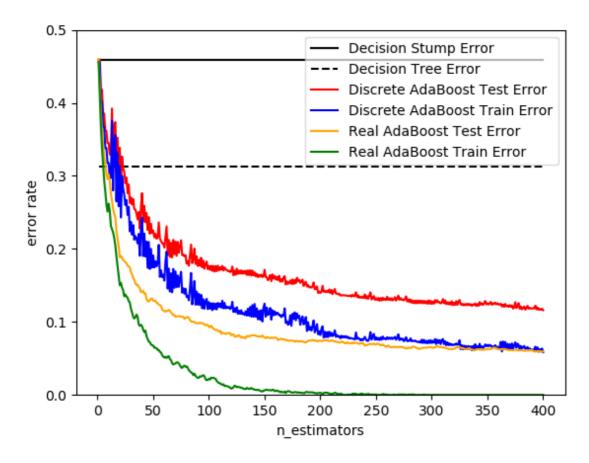
【参考】

• sklearn - Multi-class AdaBoosted Decision Trees



由上面左侧的图可以看到,使用了概率评估的 SAMME.R 收敛的速度比只是用分类的 SAMME 方法要快很多,而且也获得了更低的测试误差(test error),且适应的迭代次数更少。中间图是每个树在测试集额上的分类误差(classification error)。右侧图展示了 SAMME 中每棵树的权重变化,SAMME.R 不需要权重,因此没有展示。

下图展示的是两者在测试与训练是的误差比较,其中 Discrete 是 SAMME, Real 是 SAMME.R。



AdaBoost 案例

【参考】

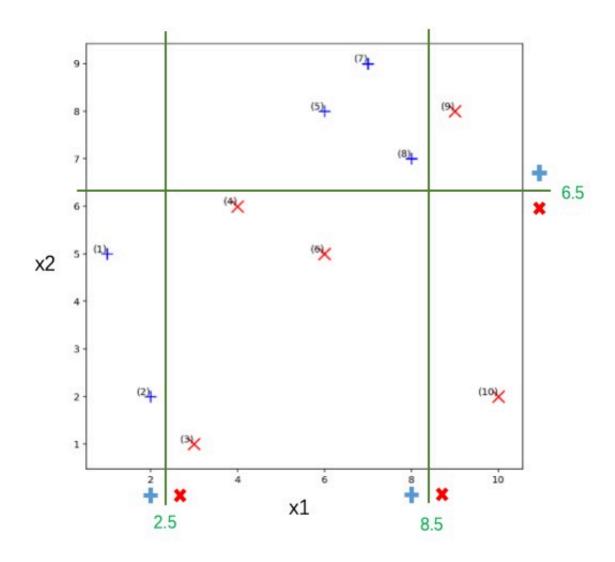
• csdn - Adaboost 算法的原理与推导 较为全面

下面的案例,查看上参考文章更容易理解,因为下面的例子直接就给出了 h_1,h_2,h_3 三个分类器,但这三个分类器其实是根据上面提到的AdaBoost算法在不同样本权重下训练出来的。可以参考 sklearn 的 AdaBoost 源码实现。

有如下数据:

样本序号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
样本点X	(1,5)	(2,2)	(3,1)	(4,6)	(6,8)	(6,5)	(7,9)	(8,7)	(9,8)	(10,2)
类别 Y	1	1	-1	-1	1	-1	1	1	-1	-1

将这个 10 条数据分为两类,图中 + 表示类别为 1 , x 表示类别为 -1.使用水平和垂直执行作为分类器,下图有三个弱分类器:



$$h_1 = egin{cases} 1 & X_1 < 2.5 \ -1 & X_1 > 2.5 \end{cases} \quad h_2 = egin{cases} 1 & X_1 < 8.5 \ -1 & X_1 > 8.5 \end{cases} \quad h_3 = egin{cases} 1 & X_2 < 6.5 \ -1 & X_2 > 6.5 \end{cases}$$

初始化

首先需要初始化训练样本数据的权值分布,每一个训练样本最开始时都被赋予相同的权值: $\omega_{1i}=\frac{1}{m}$,这样训练样本集的初始权值分布 $D_1(i)$: 令每个权值 $\omega_{1i}=\frac{1}{m}=0.1$,其中,m = 10,i = 1,2, ..., 10,然后分别对于t= 1,2,3, ...等值进行迭代(t表示迭代次数,表示第t轮),下表已经给出训练样本的权值分布情况:

样本序号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
样本点X	(1,5)	(2,2)	(3,1)	(4,6)	(6,8)	(6,5)	(7,9)	(8,7)	(9,8)	(10,2)
类别 Y	1	1	-1	-1	1	-1	1	1	-1	-1

第一次迭代

初试的权值分布 $D_1=1/m$ (10个数据,每个数据的权值皆初始化为0.1), $D_1=[0.1,0.1,0.1,0.1,0.1,0.1,0.1,0.1,0.1]$

在权值分布D1的情况下,取已知的三个弱分类器 r_1 、 r_2 、 r_3 中误差率最小的分类器作为第1个基本分类器 $h_1(\boldsymbol{x})$ (三个弱分类器的误差率都是0.3,此处选择第一个)。错误率等于该分类器被错分样本的权重之和,因为有 3 个被分错,且每个样本的权重都为 0.1,因此可以计算出误差误差率和 h_1 需要更新的权重:

$$\varepsilon_{1} = (0.1 + 0.1 + 0.1) = 0.3$$

$$\alpha_{1} = \frac{1}{2} \ln(\frac{1 - \varepsilon_{1}}{\varepsilon_{1}}) = \frac{1}{2} \ln(\frac{1 - 0.3}{0.3}) = 0.4236$$

$$\varepsilon_{1} = \frac{1}{2} \ln(\frac{1 - \varepsilon_{1}}{\varepsilon_{1}}) = \frac{1}{2} \ln(\frac{1 - 0.3}{0.3}) = 0.4236$$

之后,更新训练样本的权值分布,用于下一轮的迭代,对于正确分类的训练样本{1,2,3,4,6,9,10}(共7个)的权值更新使用公式(A7):

$$\mathcal{D}_2 = rac{\mathcal{D}_1}{2(1-arepsilon_1)} = rac{1}{10} imes rac{1}{2(1-0.3)} = rac{1}{14}$$

可以看到,正确分类的样本的权值由原来的1/10减少到了1/14。

对于错误分类的样本{5,7,8}的权值更新使用公式(A6)进行更新:

$$\mathcal{D}_2=rac{\mathcal{D}_1}{2arepsilon_1}=rac{1}{10} imesrac{1}{2 imes0.3}=rac{1}{6}$$

可以看到, 错误分类的样本的权值由原来的1/10增加到了1/6.

经过第一轮的迭代之后,各个样本的权值变为了:

 $D_2 = [1/14, 1/14, 1/14, 1/14, 1/6, 1/14, 1/6, 1/6, 1/6, 1/14, 1/14].$

由于样本数据 $\{5,7,8\}$ 被 $h_1(x)$ 分错了,所以它们的权值由之前的0.1增大到1/6;反之,其它数据皆被分正确,所以它们的权值皆由之前的0.1减小到1/14,下表给出了权值分布的变换情况:

样本序号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
样本点X	(1,5)	(2,2)	(3,1)	(4,6)	(6,8)	(6,5)	(7,9)	(8,7)	(9,8)	(10,2)
类别 Y	1	1	-1	-1	1	-1	1	1	-1	-1
权值分布 D1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
权值分布 D2	1/14	1/14	1/14	1/14	1/6	1/14	1/6	1/6	1/14	1/14
sign(H1(x))	1	1	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1

被选中的红色列,是被 $h_1(x)$ 分错的样本,没有选择中的知识被真确分类的样本。因此分类函数为:

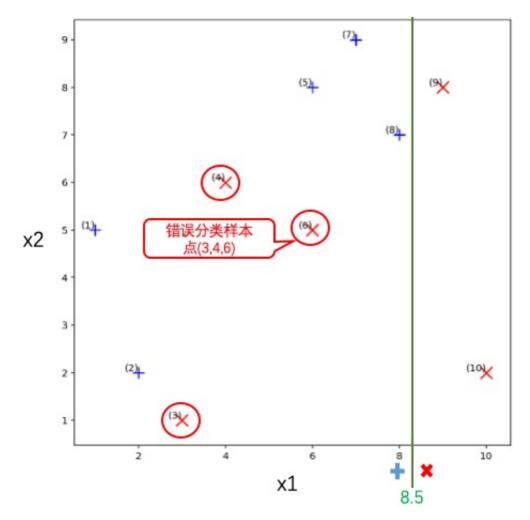
$$H_1({m x}) = lpha_1 h_1({m x}) = 0.4236 h_1({m x})$$

此时,组合一个基本分类器 $sign(H_1(x))$ 作为强分类器在训练数据集上有3个误分类点(即5,7,8),此时强分类器的训练错误为: 0.3

第二次迭代

在权值分布 \mathcal{D}_2 的情况下,再取三个弱分类器 r_1 、 r_2 、 r_3 中误差率最小的分类器作为第2个基本分类器 $h_2(x)$:

- ① 当取弱分类器h1=X1=2.5时,此时被错分的样本点为{5,7,8}":
- 误差率e=1/6+1/6+1/6=3/6=1/2;
- ② 当取弱分类器h2=X1=8.5时,此时被错分的样本点为{3,4,6}:
- 误差率e=1/14+1/14+1/14=3/14;
- ③ 当取弱分类器h3=X2=6.5时,此时被错分的样本点为{1,2,9}:
- 误差率e=1/14+1/14+1/14=3/14;



因此,取当前最小的分类器 r_2 作为第2个基本分类器 $h_2(x)$ 。显然, $h_2(x)$ 把样本 $\{3,4,6\}$ 分错了,根据 \mathcal{D}_2 可知它们的权值为 $\omega_{23}=1/14, \omega_{24}=1/14, \omega_{26}=1/14$,所以 $h_2(x)$ 在训练数据集上的误差率:

$$arepsilon_2 = P(h_2(x_i)
eq y_i) = (1/14 + 1/14 + 1/14) = 3/14$$
 $lpha_2 = rac{1}{2} \ln(rac{1 - arepsilon_2}{arepsilon_2}) = 0.6496$

之后,更新训练样本的权值分布,用于下一轮的迭代,对于正确分类的训练样本的权值更新使用公式 (A7):

$$\mathcal{D}_3 = rac{\mathcal{D}_2}{2(1-arepsilon_2)} = rac{7}{11}\mathcal{D}_2$$

对于错误分类的样本的权值更新使用公式(A6)进行更新:

$$\mathcal{D}_3 = rac{\mathcal{D}_2}{2arepsilon_2} = rac{7}{3}\mathcal{D}_2.$$

新的样本的权重分布为: $D_3 = [1/22, 1/22, 1/6, 1/6, 7/66, 1/6, 7/66, 7/66, 1/22, 1/22]$ 。下表给出了权值分布的变换情况:

样本序号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
样本点X	(1,5)	(2,2)	(3,1)	(4,6)	(6,8)	(6,5)	(7,9)	(8,7)	(9,8)	(10,2)
类别 Y	1	1	-1	-1	1	-1	1	1	-1	-1
权值分布 D1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
权值分布 D2	1/14	1/14	1/14	1/14	1/6	1/14	1/6	1/6	1/14	1/14
sign(H1(x))	1	1	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1
权值分布 D3	1/22	1/22	1/6	1/6	7/66	1/6	7/66	7/66	1/22	1/22
sign(H2(x))	1	1	1	1	1	1	1	1	-1	-1

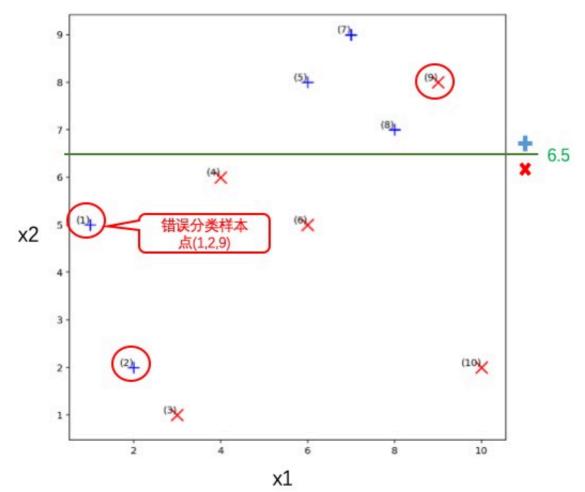
浅紫色是被 $h_2(x)$ 分错的样本。

可得分类函数: $H_2(x) = 0.4236h_1(x) + 0.6496h_2(x)$ 。此时,组合两个基本分类器 $sign(H_2(x))$ 作为强分类器在训练数据集上有3个误分类点(即 $\{3,4,6\}$),此时强分类器的训练错误为: 0.3

第三次迭代

在权值分布 \mathcal{D}_3 的情况下,再取三个弱分类器 r_1 、 r_2 、 r_3 中误差率最小的分类器作为第3个基本分类器 $h_3(x)$:

- ① 当取弱分类器h1=X1=2.5时,此时被错分的样本点为{5,7,8}: 误差率e=7/66+7/66+7/66=7/22;
- ② 当取弱分类器h2=X1=8.5时,此时被错分的样本点为{3,4,6}: 误差率e=1/6+1/6+1/6=1/2=0.5;
- ③ 当取弱分类器h3=X2=6.5时,此时被错分的样本点为{1,2,9}: 误差率e=1/22+1/22+1/22=3/22;



因此,取当前最小的分类器 r_3 作为第3个基本分类器 $h_3(x)$,此时被错误分类的样本为 $\{1,2,9\}$,可以知道他们的权值为: $\omega_{31}=1/14, \omega_{32}=1/14, \omega_{39}=1/14$,所以 $h_3(x)$ 在训练数据集上的误差率:

$$arepsilon_3 = P(h_2(x_i)
eq y_i) = (1/22 + 1/22 + 1/2) = 3/22 \ lpha_3 = rac{1}{2} ext{ln}(rac{1 - arepsilon_3}{arepsilon_3}) = 0.9229$$

之后,更新训练样本的权值分布,用于下一轮的迭代,对于正确分类的训练样本的权值更新使用公式 (A7):

$$\mathcal{D}_4 = rac{\mathcal{D}_3}{2(1-arepsilon_3)} = rac{11}{19}\mathcal{D}_3$$

对于错误分类的样本的权值更新使用公式(A6)进行更新:

$$\mathcal{D}_4 = rac{\mathcal{D}_3}{2arepsilon_3} = rac{11}{3}\mathcal{D}_3$$

这样, 第3轮迭代后, 得到各个样本数据新的权值分布为:

 $\mathcal{D}_4 = [1/6, 1/6, 11/114, 11/114, 7/114, 11/114, 7/114, 7/114, 1/6, 1/38]$,下表给出了权值分布的变换情况:

样本序号	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
样本点X	(1,5)	(2,2)	(3,1)	(4,6)	(6,8)	(6,5)	(7,9)	(8,7)	(9,8)	(10,2)
类别 Y	1	1	-1	-1	1	-1	1	1	-1	-1
权值分布 D1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
权值分布 D2	1/14	1/14	1/14	1/14	1/6	1/14	1/6	1/6	1/14	1/14
sign(H1(x))	1	1	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1	-1
权值分布 D3	1/22	1/22	1/6	1/6	7/66	1/6	7/66	7/66	1/22	1/22
sign(H2(x))	1	1	1	1	1	1	1	1	-1	-1
权值分布 D4	1/6	1/6	11/114	11/114	7/114	11/114	7/114	7/114	1/6	1/38
sign(H3(x))	1	1	-1	-1	1	-1	1	1	-1	-1

可得分类函数: $H_3(x) = 0.4236h_1(x) + 0.6496h_2(x) + 0.9229h_3(x)$ 。此时,组合三个基本分类器sign(f3(x))作为强分类器,在训练数据集上有0个误分类点。至此,整个训练过程结束。

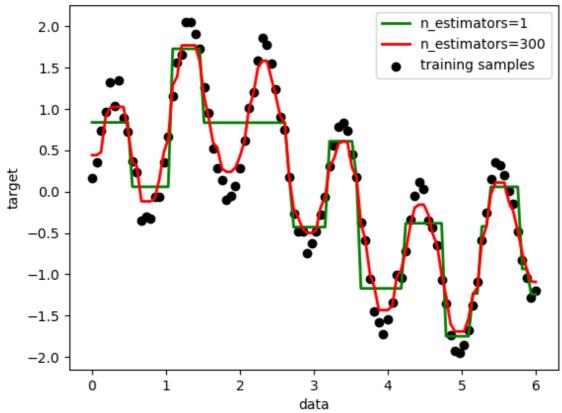
整合所有分类器,可得最终的强分类器为:

$$H(m{x}) = \sum_{t=1}^{T} lpha_t h_t(m{x}) = 0.4236 h_1(m{x}) + 0.6496 h_2(m{x}) + 0.9229 h_3(m{x})$$

sklearn 案例

sklearn - Decision Tree Regression with AdaBoost

Boosted Decision Tree Regression



AdaBoost 特点

AdaBoost主要有以下两个特点:

- (1) 是训练的错误率上界, 随着迭代次数的增加, 会逐渐下降;
- (2) 是Adaboost算法即使训练次数很多,也不会出现过拟合的问题。

标准的 AdaBoost 只可用于二分类任务,遇到多分类的情况,需要借助 one-versus-rest 的思想来训练 多分类模型。

优点

- (1) Adaboost提供一种框架,在框架内可以使用各种方法构建子分类器。可以使用简单的弱分类器,不用对特征进行筛选,也**不存在过拟合的现象**。
- (2) Adaboost算法不需要弱分类器的先验知识,最后得到的强分类器的分类精度依赖于所有弱分类器。无论是应用于人造数据还是真实数据,Adaboost都能显著的提高学习精度。
- (3) Adaboost算法不需要预先知道弱分类器的错误率上限,且最后得到的强分类器的分类精度依赖于所有弱分类器的分类精度,可以深挖分类器的能力。Adaboost可以根据弱分类器的反馈,自适应地调整假定的错误率,执行的效率高。
- (4) Adaboost对同一个训练样本集训练不同的弱分类器,按照一定的方法把这些弱分类器集合起来,构造一个分类能力很强的强分类器,即"三个臭皮匠赛过一个诸葛亮"。

缺点:

在Adaboost训练过程中,Adaboost会使得难于分类样本的权值呈指数增长,训练将会过于偏向这类困难的样本,导致Adaboost算法易受噪声干扰。此外,Adaboost依赖于弱分类器,而弱分类器的训练时间往往很长。

Booting 总结

Boosting 算法要求基学习器能对特定的数据分布学习,这可通过**重赋权法(re-weighting)**实施,即在训练过程中的每一轮,根据样本分布为每个训练样本重新赋予一个权重。

对无法接受带权样本的基学习算法,则可通过**重采样法(re-sampling)**来处理,即在每一轮学习中,根据样本分布对训练集重新采样,再用重新采样而得的样本集对基学习器进行训练。

一般而言,这两种做法没有明显的优劣之分。

Boosting 在每一轮都要检测当前生成的基学习器是否满足基本条件,如算法中(c)行,**检查当前基分类器是否比随机猜测的好**,一旦条件不满足,则当前基学习器即被抛弃,同时学习过程停止。这种情况下,初始设置的学习轮数 T 也许还没有达到,可能最终导致最终集成中只包含很少的基学习器而性能不佳。若采用重采样法,则可以获得的重启动的机会以避免训练过程中的过早停止,即在不满抛弃不满足条件的当前基学习器之后,可根据当前分布重新对训练样本进行采样,在基于新的采样结果从新训练学习器,从而使得学习的过程可以持续到特定的轮数。

从偏差-方差分解来看,Boosting 主要关注**降低偏差**,因此Boosting 能基于泛化能力相当弱的学习器构建出很强的集成。