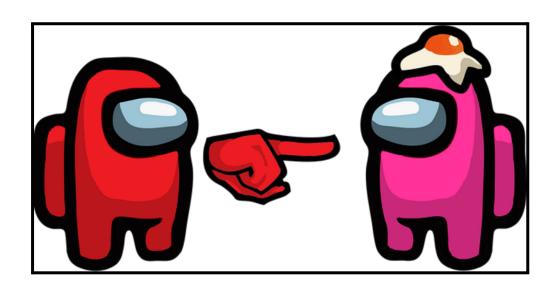
Data mining job

REAL OR FAKE JOBS



Raúl Gamero Ramón - Henok Argudo Vera MIDA

Índice

Descripción del problema	3
Pre-processing	4
Criterio de evaluación de los modelos	7
Ejecución métodos machine learning	8
Naive Bayes	8
Mejora del rendimiento con Threshold	8
KNN	9
Encontrar mejor-K para KNN y Weighted-KNN	9
Eliminar features irrelevantes	9
Decision Trees	11
Parámetros usados	11
Interpretación del Decision Tree con ejemplo	12
Fiabilidad del Decision Tree con las hojas	13
Support Vector Machines	14
Parámetros usados	14
Numero de supports y interpretación	16
Métodos meta-learning	17
Performance Majority Voting	17
Bagging	17
RandomForest	18
Adaboost	18
Comparaciones y conclusiones	19
Tabla comparativa	19
McNemar Test	19
Similitudes con cross-validation	20
Mejor método	20
Bibliografía	21

Descripción del problema

Siempre que nos aplicamos a ofertas de trabajo, nos fiamos de que la oferta de trabajo sea real. Pero realmente, ese trabajo existe?

Esto fue lo primero que nos preguntamos después de ver el dataset de <u>fake jobs postings</u> que encontramos en Kaggle. Y es que realmente hay más 'fake jobs' de los que nos imaginamos.

El dataset original contenía 18.000 descripciones de puestos de trabajo, de los cuales 800 eran fake. Tenía 18 columnas, cada una describiendo el puesto de trabajo.

Once de ellas son categóricas, una es numérica, y las 6 restantes son binarias.

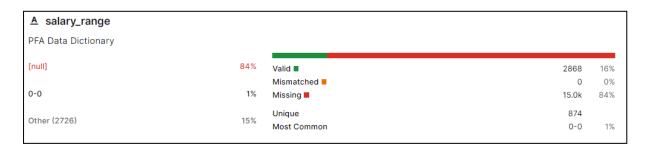
Coulmns	Description
job_id	Unique Job ID
title	The title of the job ad entry
location	Geographical location of the job ad
department	Corporate department (e.g. sales)
salary_range	Indicative salary range (e.g. \$50,000-\$60,000)
company_profile	A brief company description
description	The details description of the job ad
requirements	Enlisted requirements for the job opening
benefits	Enlisted offered benefits by the employer
telecommuting	True for telecommuting positions
has <i>company</i> logo	True if company logo is present
has_questions	True if screening questions are present
employment_type	Full-type, Part-time, Contract, etc
required_experience	Executive, Entry level, Intern, etc
required_education	Doctorate, Master's Degree, Bachelor, etc
industry	Automotive, IT, Health care, Real estate, etc
function	Consulting, Engineering, Research, Sales etc
fraudulent	target - Classification attribute

El dataset contiene gran cantidad de missings, por lo que habría que hacer un gran esfuerzo en el 'preprocessing'. Que haya muchos missing infiere que probablemente obtengamos peores accuracies en nuestros modelos, pero realmente lo que buscamos en este proyecto es entender los diferentes pasos a seguir en la minería de datos y aprender a aplicarlos en un proyecto real.

Pre-processing

Para hacer el preprocessing, vamos a definir dos tipos de datos del dataframe, los numéricos y los categóricos.

Por parte de los numéricos solo existe una columna que es la de 'salary range'.



Esta columna tiene muchos valores perdidos, por ello decidimos tratar de "recuperar" los valores perdidos en esta columna tomando como referencia los valores que tengan otras filas con el mismo valor en la columna *title*. Es decir, deducimos el salario que debería de tener un puesto de trabajo en función de las que sí que tienen valor en 'salary_range'.

Básicamente, cogeremos todos los valores para un mismo puesto de trabajo (mismo 'title') y hacemos la media de estos valores. Finalmente asignamos a los valores nulos con ese mismo 'title' la media calculada.

Por otra parte tenemos los datos categóricos, que són prácticamente todos los demás. Para sustituir estos valores perdidos, lo haremos de la misma manera que hicimos con 'salary-range', y definiremos una función para ello.

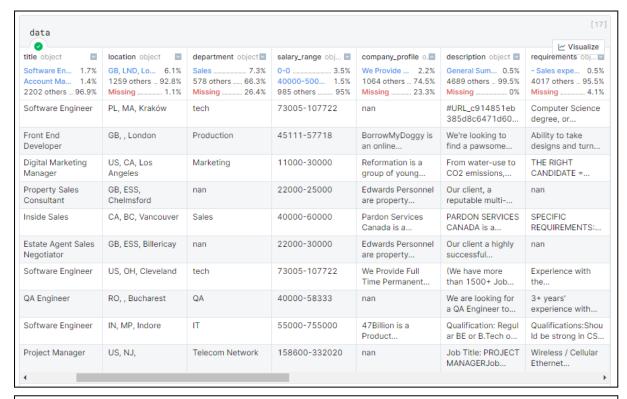
```
def preprocessing_function (dic, reference, missing):
```

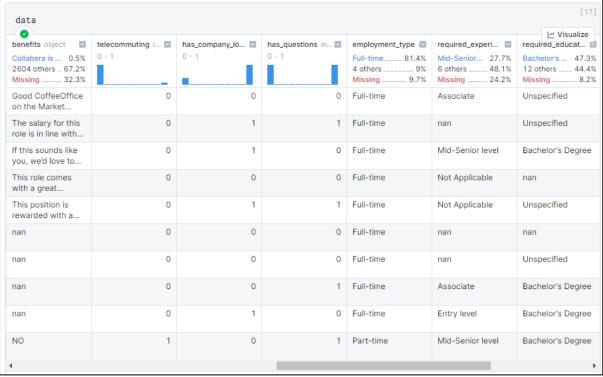
Dónde 'dic' contiene los nombres de todos los trabajos del dataset, 'reference' indica la columna que se toma como referencia para obtener los valores y 'missing' indica la columna sobre la que se quieren insertar nuevos valores.

El primer paso es recorrer todas las filas del dataset y por cada nuevo valor (diferente de null) que se encuentre en la columna de 'missing' se asociará al valor que corresponda a la columna de 'reference'.

Realizamos un último recorrido del dataset en el que asignaremos un valor a todas las casillas de la columna 'missing' que tengan valor null y con un valor en la columna 'reference' igual a alguna de las filas que se han recorrido anteriormente.

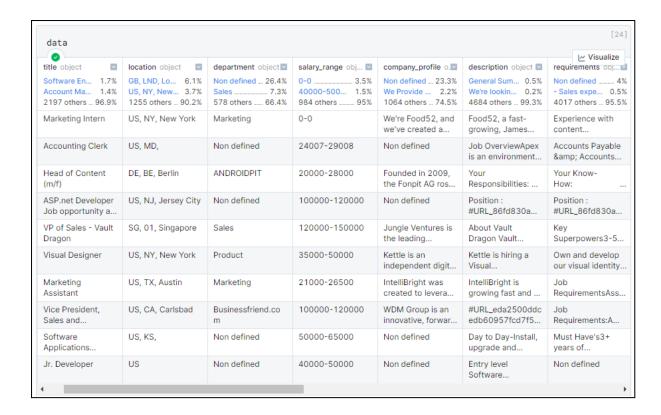
Una vez intentado sustituir todos los valores perdidos, nos queda arreglar todos los missing restantes.



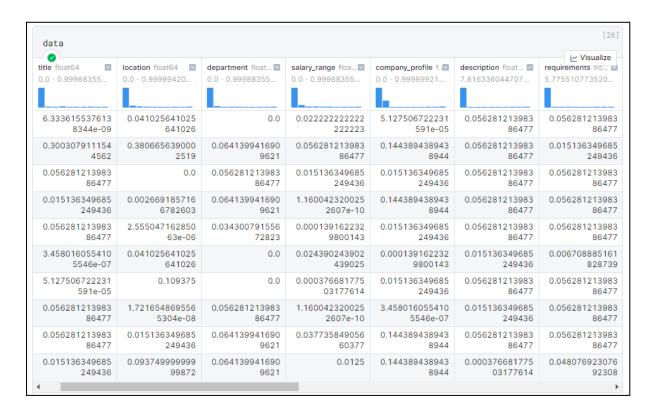


Vemos que la columna de 'benefits' aún tiene más de un 30% de missing después de hacer todo el preprocessing, sabemos que no hay ningún motivo importante por el cual deba tener tantos datos perdidos, por lo tanto decidimos que eliminarla es la mejor opción.

También, los datos categóricos que sean missing, los sustituiremos por una nueva categoría que llamaremos 'non defined'. Esto lo hacemos con el objetivo de no eliminar filas ya que no queremos sesgar el conjunto de datos.



Finalmente, solo nos queda transformar el dataset a valores numéricos, para poder aplicar algoritmos de data mining. Para ello recurrimos al mean encoding, quedando el dataset con el siguiente formato.



Criterio de evaluación de los modelos

Para elegir la mejor técnica con la que evaluar nuestros resultados (cross-validation o k-fold cross-validation), hay diversos aspectos a tener en cuenta, el tamaño del dataset, conjunto de datos balanceado y tiempo de ejecución para el caso de k-fold, respecto al tamaño actual de nuestro dataset.

Usaremos k-fold ya que se utiliza una proporción más alta del conjunto de datos para entrenar el modelo, lo que puede resultar en un modelo más preciso. También creemos que no habrá mucha diferencia en el tiempo de ejecución entre uno u otro.

Usaremos k=10 ya que proporciona un buen compromiso entre la precisión y la velocidad de ejecución. Tendremos suficientes datos para el entrenamiento y será de ejecución relativamente rápida.

Para la métrica de evaluación, tenemos varias posibilidades. En nuestro caso tenemos que predecir el valor de un caso binario. Es decir, si la oferta de trabajo será fraudulenta o no.

Fijándonos en los resultados de está columna, nos damos cuenta que el dataset está desbalanceado.

```
Representación de la clase "fraudulento": 5.63%
Representación de la clase "no fraudulento": 94.37%
```

Esto provoca que el accuracy no sea una buena medida de evaluación.

Si escogieramos el accuracy, lo que pasaría es que probablemente nos saliera un accuracy muy alto, pero realmente lo que nos importa son los casos en los que la oferta de trabajo es fraudulenta, que sería en los que fallaría más.

A partir de aquí podemos escoger entre precisión, recall o f1-score.

Como el f1-score se utiliza para combinar las medidas de precisión y recall en un sólo valor, nos resultará realmente práctico, ya que hace más fácil el poder comparar el rendimiento combinado de la precisión y la exhaustividad entre varias soluciones. Por lo tanto, usaremos el f1-score.

Ejecución métodos machine learning

Naive Bayes

Para utilizar Naive Bayes, consideramos cada variable condicionalmente independiente de la clase, ya que esto es 'naive'. Esto quiere decir que las variables no estarán condicionadas de si los otros sucesos ocurren o no.

Como ya dijimos, nuestro dataset es desbalanceado. Sabiendo esto y que el dataset tiene un buen tamaño, podemos asumir que tendremos suficientes elementos para obtener probabilidades fiables.

Dicho esto, podemos ejecutar el modelo, y utilizando un k-fold con k=10 obtenemos los siguientes resultados:

	precision	recall	f1-score	support
0.0	0.99	0.97	0.98	4913
1.0	0.62	0.90	0.74	293
accuracy			0.96	5206
macro avg	0.81	0.93	0.86	5206
weighted avg	0.97	0.96	0.97	5206

Obtenemos un f1 de 98% para no fraudulentos y un 74% para fraudulentos, haciendo así una media de precisión del 86%.

Mejora del rendimiento con Threshold

Ya que tenemos un dataset binario y desbalanceado podemos ajustar el valor de threshold para mejorar el valor de f1. Esto se hace para que el modelo sea más sensible a la clase menos frecuente, de manera que el modelo sea más propenso a clasificar una predicción como positiva para la clase menos frecuente.

Después de ajustar el threshold obtenemos los siguientes resultados:

Selected threshold in 10-fold cross validation: [0.99998176 0.99998176]						
		precision	recall	f1-score	support	
(0.0	0.99	0.98	0.98	1467	
1	1.0	0.70	0.85	0.77	95	
accura	acy			0.97	1562	
macro a	avg	0.84	0.91	0.88	1562	
weighted a	avg	0.97	0.97	0.97	1562	

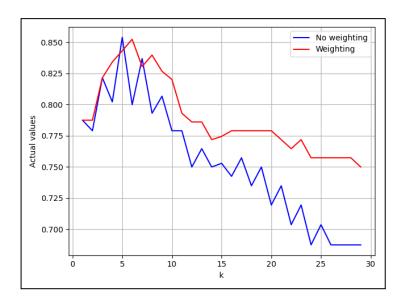
Podemos observar una mejora de 86% a 88%, gracias a que ahora la clase de fraudulento pasa de tener un f1 de 0.74 a 0.77.

KNN

Encontrar mejor-K para KNN y Weighted-KNN

Para encontrar la mejor K normalmente se usa basándose en la k con la que se obtiene más accuracy. En nuestro caso, como lo que más importa es el f1-score, usaremos este valor.

Para ello hemos optado por hacer una gráfica donde se representa el valor de k en función del valor de f1. El valor de k irá cambiando a través de un bucle en el que irá de 1 a 30.

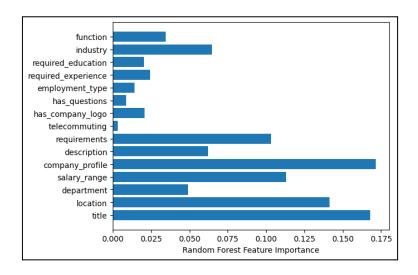


Podemos observar que el mejor valor para K en K-NN es el 5, y para Weighted K-NN es el 6, y obtenemos un valor de 0.8524 para f1.

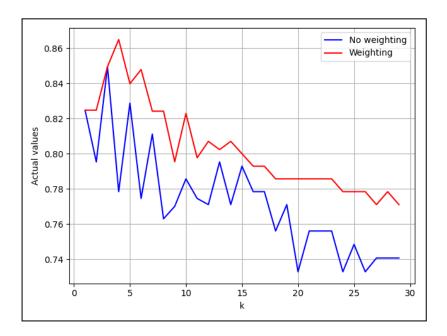
Eliminar features irrelevantes

Como sabemos K-NN es sensible a los features más irrelevantes, por lo que vamos a probar a eliminar aquellas columnas que lo sean.

Para encontrar cuales de ellas lo son, utilizaremos la función feature_importances de Random Forest, obteniendo los siguientes resultados.



Podemos observar que las features más irrelevantes son telecommuting, has_questions y has_company_logo. Vamos a eliminarlas y volver a comprobar el mejor valor de K.



Viendo el gráfico observamos que hemos mejorado el valor de f1 a 0.8650, y que también han cambiado los valores de K. Ahora, el mejor valor para K en K-NN es el 3, y para Weighted K-NN es el 4.

Decision Trees

Parámetros usados

Para encontrar los mejores parámetros para el Decision Tree utilizaremos RandomizedSearchCV de sklearn. Esto nos permitirá obtener los mejores parámetros a través de prueba y error. Es decir, RandomizedSearchCV probará todas las combinaciones de parámetros posibles a partir de una plantilla con todos los parámetros a probar que nosotros le daremos, y nos devolverá la información del DT obtenido con mejor f1.

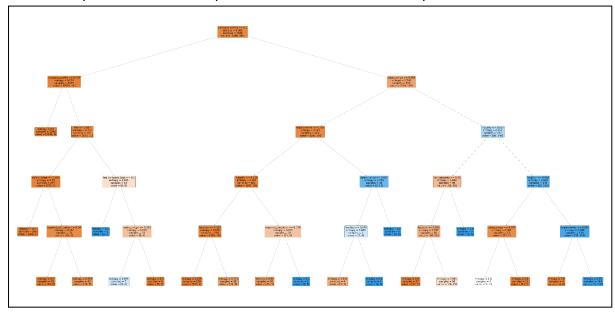
Dicho esto introducimos los parámetros a probar, y creamos el objeto de RandomizedSearch con k-fold (k=10) y haciendo que sus resultados se basen en el f1.

Después de esto ya podemos entrenar el modelo y comprobar los resultados que obtenemos, que son los siguientes:

```
print(rs.best_score_)
print(rs.best_params_)
BestPar = rs.best_params_

0.8621638524077548
{'splitter': 'best', 'min_samples_split': 3, 'max_features': 7, 'max_depth': 10, 'criterion': 'gini'}
```

Finalmente podemos ver el DT que se obtiene añadiendo estos parámetros



Interpretación del Decision Tree con ejemplo

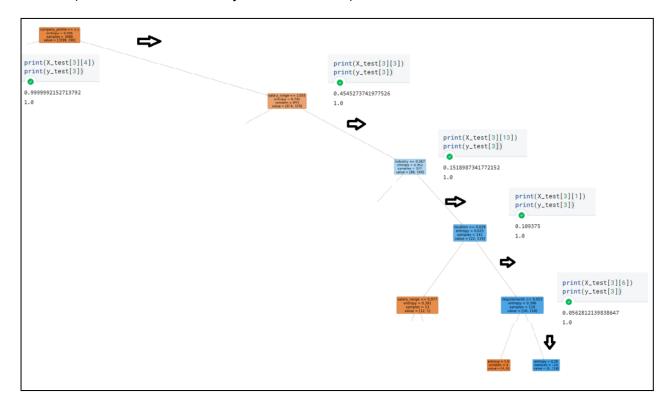
Vamos a realizar una comprobación del funcionamiento del DT utilizando una muestra del set de validación en la que de como resultado 1 (fraudulent):

```
(X_train, X_test, y_train, y_test) = cv.train_test_split(X, y, test_size=.33, random_state=1)
```

utilizando X_test escogeremos una fila [i] que dé como resultado en y_test[i] un 1(fraudulent), encontramos que la fila 3 cumple esa condición y para esta comprobaremos los valores de los atributos que se muestran en el árbol de decisión. Con tal de movernos en el orden necesario por cada nodo, accederemos indexando las columnas de la siguiente manera:

```
for colName in data:
    print(colName, data.columns.get_loc(colName))
0
title 0
location 1
department 2
salary_range 3
company_profile 4
description 5
reauirements 6
telecommuting 7
has_company_logo 8
has_questions 9
employment_type 10
required_experience 11
required_education 12
industry 13
function 14
fraudulent 15
```

Con y_test[3] seguimos la ruta indicada por el decision tree obtenido teniendo en cuenta el valor de cada feature para cada nodo, y podemos ver que acaba en una hoja correcta(azul="fraudulent", naranja="no fraudulent"):



Fiabilidad del Decision Tree con las hojas

Para comprobar la fiabilidad del DT utilizaremos el valor de cada hoja del árbol. Este determina la predicción del árbol. De esta manera podemos comparar la predicción del modelo con los casos reales. Para ello utilizaremos tres hojas aleatorias del DT.

Como podemos observar hay una gran diferencia a la hora de calcular los casos fraudulentos. Esto es algo completamente normal ya que al ser un dataset desbalanceado es mucho más fácil que prediga los casos más abundantes, en este caso los no fraudulentos.

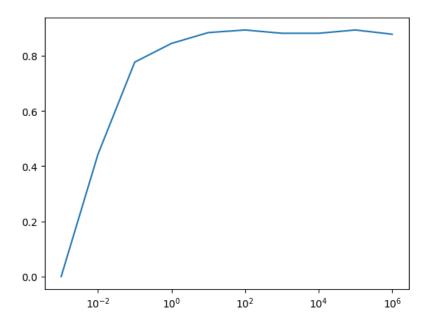
```
count2 = 0
                                                                                  entropy = 0.0
for i in range(0, len(X_test)):
                                                                                samples = 2344
    if(X_{test[i][4]} \le 0.1 \text{ and } X_{test[i][4]} \le 0.036):
        count2 += 1
                                                                               value = [2344, 0]
print(count2)
1109
count3 = 0
                                                                                entropy = 0.0
for i in range(0, len(X_test)):
   if(X_{test[i][4]} \le 0.1 \text{ and } X_{test[i][4]} > 0.036 \text{ and } X_{test[i][0]} > 0.087
                                                                                 samples = 5
       and X_test[i][8] > 0.5 and X_test[i][3] > 0.135):
                                                                                value = [5, 0]
       count3 += 1
print(count3)
```

En cambio si hacemos que se centre en los casos en que da como resultado los no fraudulentos, se observa que predice con mucho más acierto.

Support Vector Machines

Parámetros usados

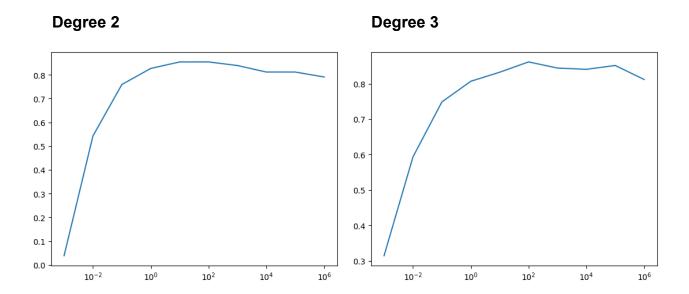
Primero de todo hemos buscado las mejores C para el modelo que usa kernel lineal y el modelo que usa el kernel polinomial, obteniendo los siguientes resultados.



Kernel Lineal

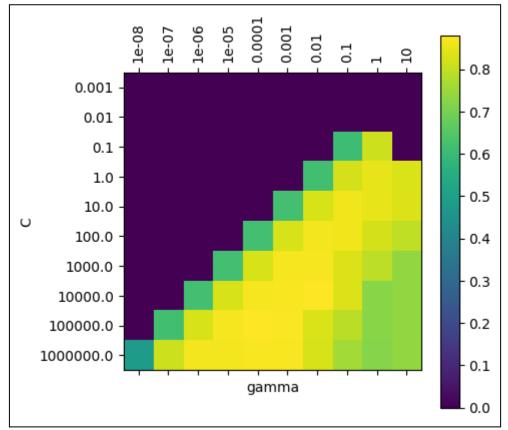
Podemos observar que las mejores C son 100 y 10000. Como tienen el mismo valor de f1, nos quedaremos con la más simple que es 100.

Kernel Polinomial



Podemos observar que las mejores C son 100 para ambos casos, degree 2 y degree 3.

RBFPara RBF hemos utilizado GridSearchCV para obtener tanto la mejor C como la mejor gamma.



Prácticamente no se observa pero los resultados nos dicen que:

```
Mejor combinación parmetros encontrados: {'C': 10000.0, 'gamma': 0.01}
```

Una vez hemos obtenido los mejores parámetros para cada kernel y utilizando RandomSearchCV obtendremos cual es el kernel que nos da mayor valor de f1.

Parámetros utilizados:

Resultado

```
f1: 0.8936170212765957 con parámetros {'kernel': 'linear', 'C': 100}
```

Numero de supports y interpretación

Supports para linear kernel

```
Number of supports: 115 ( 99 of them have slacks)
Prop. of supports: 0.03297018348623853
```

Supports para poly kernel

```
Number of supports: 138 ( 52 of them have slacks)
Prop. of supports: 0.03956422018348624
```

Supports para rbf kernel

```
Number of supports: 163 ( 44 of them have slacks)
Prop. of supports: 0.046731651376146786
```

En todos los casos de SVM obtenemos un número muy bajo de supports, y en el que menos obtenemos es aquel en el que obtenemos mejor performance. Esto es algo común en SVMs. Además, sabiendo que nuestro modelo realiza una clasificación binaria, el linear kernel es una buena opción de por sí siempre y cuando los datos sean linealmente separables, es decir, en dos clases.

Finalmente podemos observar cuales son los main supports de la versión con kernel lineal, haciendo un print de ellos:

```
array([
                         41, 163, 186,
                                          253.
                                                277,
                                                      278, 303,
                    31.
       403, 489, 552, 656, 754,
                                   793, 824, 828,
                                                     942, 1044, 1055,
      1119, 1194, 1199, 1256, 1268, 1277, 1337, 1344, 1438, 1456, 1566,
      1582, 1656, 1682, 1823, 1826, 1871, 2048, 2132, 2261, 2268, 2349,
      2414, 2427, 2532, 2579, 2625, 2739, 2742, 2814, 2846, 2908, 3038,
      3072, 3143, 3266, 3369, 3464,
                                      3, 168, 256, 335, 454, 470,
       548, 604, 610, 678, 703, 819, 907, 988, 1005, 1021, 1050,
      1169, 1393, 1433, 1499, 1583, 1662, 1664, 1751, 1792, 1820, 1881,
      1891, 1921, 2000, 2097, 2212, 2509, 2563, 2577, 2616, 2646, 2688,
      2867, 2875, 2900, 2920, 2941, 3116, 3144, 3168, 3176, 3197, 3212,
      3374, 3426, 3445, 3484, 3487], dtype=int32)
```

Métodos meta-learning

Performance Majority Voting

Para el majority voting usaremos los mejores modelos que hemos obtenido en cada algoritmo de cada método.

Una vez definidos, podemos ejecutar el majority voting, donde obtenemos el siguiente f1:

```
f1: 0.866 [Majority Voting]
```

También vamos a ejecutar la variante de majority voting weighted voting, donde ahora cada modelo tendrá un pesaje a la hora de votar diferente. En nuestro caso, todos los modelos votarán por igual excepto Decision Tree ya que es el menos fiable. Obtenemos el siguiente resultado, en el que observamos una mejora.

```
f1: 0.875 [Weighted Voting]
```

Bagging

En este caso utilizaremos BaggingClassifier() con un estimador base DecisionTreeClassifier() y iremos iterando el numero de estimadores(n_estimators) entre: [1,2,5,10,20,50,100,200]

para cada caso obtenemos los siguientes resultados tomando como medida de scoring el valor f1:

```
f1: 0.824 [1]
f1: 0.829 [2]
f1: 0.881 [5]
f1: 0.879 [10]
f1: 0.877 [20]
f1: 0.882 [50]
f1: 0.888 [100]
f1: 0.884 [200]
```

Después de obtener estos resultados, optamos por hacer uso del parámetro max_features, para el cual vamos a tener que buscar con prueba y error el mejor valor, es decir, el que muestre unos mejores resultados respecto al Bagging anterior, para ello utilizamos:

```
max_features=0.75
```

En estos valores podemos ver una clara mejoría a partir de 50 estimadores:

```
f1: 0.792 [1]
f1: 0.772 [2]
f1: 0.848 [5]
f1: 0.867 [10]
f1: 0.874 [20]
f1: 0.892 [50]
f1: 0.883 [100]
f1: 0.891 [200]
```

RandomForest

En nuestro proyecto ya usamos RandomForest, para obtener las features más importantes para el algoritmo KNN. Ahora volveremos a usarlo para ver los diferentes f1-score que obtenemos en función del número de estimadores. Obtenemos los siguientes resultados:

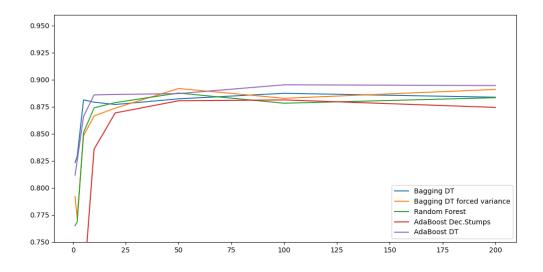
```
f1-score: 0.765 [1]
f1-score: 0.769 [2]
f1-score: 0.851 [5]
f1-score: 0.874 [10]
f1-score: 0.879 [20]
f1-score: 0.888 [50]
f1-score: 0.878 [100]
f1-score: 0.883 [200]
```

Adaboost

Aquí utilizamos AdaBoostClassifier() con los mismos parámetros que con Bagging. Vemos que con pocos estimadores obtenemos un valor de f1 score menor respecto a los métodos anteriores, pero a medida que aumenta la cantidad de estimadores, se obtienen unos valores bastante similares a los anteriores.

	Con max_depth=5
f1: 0.412 [1]	f1: 0.812 [1]
f1: 0.423 [2]	f1: 0.825 [2]
f1: 0.708 [5]	f1: 0.866 [5]
f1: 0.836 [10]	f1: 0.886 [10]
f1: 0.869 [20]	f1: 0.886 [20]
f1: 0.881 [50]	f1: 0.887 [50]
f1: 0.881 [100]	f1: 0.895 [100]
f1: 0.874 [200]	f1: 0.895 [200]

Podemos comparar el resultado de todos los métodos en una misma gráfica,donde comprobamos que la mejor performance la realiza AdaBoost con Decision Tree.



Comparaciones y conclusiones

Tabla comparativa

Método	F1-Score
Naive Bayes	0.88
KNN	0.85
Decision Trees	0.86
SVM	0.89
Majority Voting	0.86
Bagging	0.89
Random Forest	0.88
AdaBoost	0.89

McNemar Test

Para comparar los diferentes métodos utilizados, usaremos el test de McNemar:

KNN con DecisionTree:

Naïve Bayes con KNN: pvalue 1.802802378388091e-08 statistic 9.0 Naïve Bayes con DecisionTree: 1.802802378388091e-08 pvalue statistic 9.0 Naïve Bayes con SVM: 1.802802378388091e-08 pvalue statistic 9.0 Naïve Bayes con MajorityVoting: pvalue 1.802802378388091e-08 statistic 9.0 Naïve Bayes con Bagging: 1.802802378388091e-08 statistic 9.0 Naïve Bayes con RandomForest: 1.802802378388091e-08 pvalue statistic 9.0 Naïve Bayes con AdaBoost: 1.802802378388091e-08 statistic 9.0

pvalue 2.4904030624384174e-05 statistic 9.0 KNN con SVM: pvalue 2.4904030624384174e-05 statistic 9.0 KNN con MajorityVoting: pvalue 2.4904030624384174e-05 statistic 9.0 KNN con Bagging: pvalue 2.4904030624384174e-05 statistic 9.0 KNN con RandomForest: 2.4904030624384174e-05 pvalue statistic 9.0 KNN con AdaBoost: pvalue 2.4904030624384174e-05 statistic 9.0

DecisionTree con SVM: 0.5966417603730826 statistic 26.0 DecisionTree con MajorityVoting: pvalue 0.5966417603730826 statistic 26.0 DecisionTree con Bagging: pvalue 0.5966417603730826 statistic 26.0 DecisionTree con RandomForest: 0.5966417603730826 pvalue statistic 26.0 DecisionTree con AdaBoost: pvalue 0.5966417603730826 statistic 26.0

```
MajorityVoting con Bagging:
pvalue 1.5236437320709229e-05
statistic 3.0
MajorityVoting con RandomForest:
pvalue 1.5236437320709229e-05
statistic 3.0
MajorityVoting con AdaBoost:
pvalue 1.5236437320709229e-05
statistic 3.0
```

```
Bagging con RandomForest:

pvalue 0.063568115234375

statistic 5.0

Bagging con AdaBoost:

pvalue 0.063568115234375

statistic 5.0

RandomForest con AdaBoost:

pvalue 0.063568115234375

statistic 5.0
```

En la mayoría de los casos, el p-valor es menor al valor significativo que hemos establecido, por lo que podemos afirmar que existe una diferencia significativa entre todos los modelos. Excepto entre DT y SVM, SVM y Majority Voting y todos los meta-metodos entre sí. En estos el p-value es mayor, y por lo tanto no podemos afirmar diferencia.

Respecto la statistica de McNemar, como no es igual a cero en ningún caso, podemos concluir que existe una diferencia significativa entre todos los modelos en términos de TP y FN.

Similitudes con cross-validation

	f1 con k-fold (k=10)	f1 con cross-validation
Naive Bayes	0.88	0.86
KNN	0.85	0.92
Decision Tree	0.86	0.89
SVM	0.89	0.93

Podemos observar que los resultados obtenidos por cada modelo son bastante similares, es decir, no hay grandes diferencias. Aun así, en general obtenemos mayor f1 con cross-validation y esto es probablemente debido a que el dataset es muy desequilibrado. Es decir, en k-fold algunos pliegues pueden contener una proporción desproporcionada de clases, lo que puede afectar el rendimiento general de los modelos. En cambio, un cross-validation puede ser más adecuado en este caso.

Mejor método

Visto los resultados y por la comodidad al usarlo, nos quedamos con el **SVM de kernel lineal.** Posiblemente sea con el que obtenemos mejor f1 ya que al transformar el espacio de características de manera que sea linealmente separable, aumenta la capacidad de la SVM para clasificar correctamente los datos. También es un gran modelo para hacer predicciones precisas en datos nuevos y no vistos previamente.

Bibliografía

K-fold:

https://www.researchgate.net/post/How can I create a single confusion matrix after K f old cross validation

https://towardsdatascience.com/how-to-plot-a-confusion-matrix-from-a-k-fold-cross-validation-b607317e9874

Mean-encoding:

https://www.youtube.com/watch?v=nd7vc4MZQz4

Python functions:

https://www.softwaretestinghelp.com/python-range-function/

Naive Bayes:

https://towardsdatascience.com/naive-bayes-classifier-how-to-successfully-use-it-in-python-ecf76a995069

KNN:

https://www.yourdatateacher.com/2021/10/11/feature-selection-with-random-forest/ https://scikit-learn.org/stable/auto_examples/ensemble/plot_forest_importances.html

DecisionTreeClassifier:

https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.tree.DecisionTreeClassifier.html

Plot:

https://matplotlib.org/stable/api/ as gen/matplotlib.pyplot.scatter.html