

A

GGGA TTT AAACCACTTGTGTcGGGCTGGGcc

B

TCCA TTACGGGTGGCCTcACGTAAcACcG

235 247 294 322 487 527 528 532 633 707 712 729 737 835 880 893 1005 1192 1210 1216 1247 1242 2387 2585 3069 3108 3345 3348 3357