

Tema 1. ÁRBOLES GENERALES y BINARIOS

Estructuras de Datos y Algoritmos II

Grado en Ingeniería Informática

M José Polo Martín

mjpolo@usal.es

Universidad de Salamanca

curso 2018-2019

Contenido

- 1 Tema1. Árboles Generales y Binarios
 - Definiciones y conceptos básicos
 - Árboles Binarios
 - Nivel abstracto o de definición
 - Nivel de representacion o implementación
 - Aplicaciones
 - Recorridos en Árboles Binarios
 - En profundidad
 - En amplitud
 - Árboles Binarios Completos y Casi-Completos

1 Definiciones y conceptos básicos

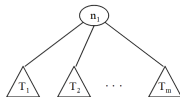
Árbol

Colección de elementos llamados **nodos**, uno de los cuales se distingue como **raíz**, con una relación entre ellos que impone una estructura **jerárquica**

Definición formal

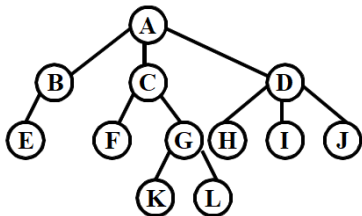
Un **árbol** T es un conjunto finito de cero o más nodos $\{n_1, n_2, \dots, n_i\}$ de tal forma que

- 1 Hay un nodo especialmente designado llamado raíz ($n_1 = \text{raíz}(T)$)
- 2 Los nodos restantes $\{n_2, n_3, \dots, n_i\}$ se dividen en m conjuntos disjuntos T_1, T_2, \dots, T_m ($m \geq 0$), llamados **subárboles** de la raíz, tales que cada T_j es, por sí mismo, un árbol



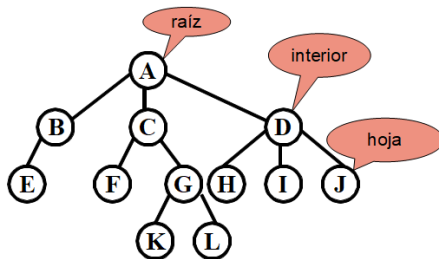
Características y propiedades

- **Recursión** característica inherente de los árboles
- Un árbol sin nodos es un **árbol vacío** o **nulo**
- Todo árbol que no es vacío tiene un **único** nodo **raíz**
- Un nodo X es **descendiente directo** de un nodo Y si existe una arista del nodo Y al nodo X (X “es hijo” de Y)
- Un nodo Z es **antecesor directo** de un nodo V si existe una arista del nodo Z al nodo V (Z “es padre” de V)
- Todos los nodos que son descendientes directos (hijos) de un mismo nodo (padre) se designan como **hermanos**
- Cada nodo puede tener un número arbitrario de descendientes directos, incluso cero



Definiciones

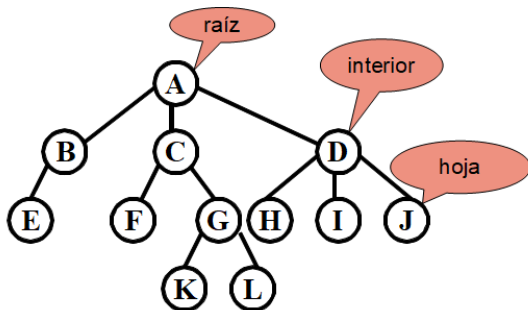
- Todos los nodos que no tienen descendientes directos se denominan nodos **hoja** o **terminales**
- Todo nodo con descendientes, es decir, que no es hoja, se designa como nodo **interno**
- **Grado de un nodo:** número de sus descendientes directos
- **Grado del árbol:** grado máximo de todos los nodos del árbol



Definiciones

- **Camino** de un nodo n_i a otro nodo n_k : secuencia de nodos n_i, n_{i+1}, \dots, n_k tal que n_j es el padre de n_{j+1} para $i \leq j < k$
 - **Longitud de un camino**: número de aristas que lo forman ($k-1$)
 - En un árbol hay exactamente un camino de la raíz a cada nodo
- Si existe un camino de un nodo n_i a otro nodo n_j , entonces n_j es **descendiente** de n_i y n_i es **antecesor** de n_j
- **Profundidad de un nodo**: número de aristas en el camino único que permite acceder a él desde la raíz. La raíz tiene profundidad cero
- **Altura de un nodo**: número de aristas en el camino más largo desde el nodo en cuestión hasta una hoja. Todos los nodos hoja tienen altura 0
- **Altura de un árbol** es igual a la altura de la raíz

Ejemplo



$\text{grado}(A) = 3$ $\text{profundidad}(A) = 0$ $\text{altura}(A) = 3$

$\text{grado}(C) = 2$ $\text{profundidad}(C) = 1$ $\text{altura}(C) = 2$

...

...

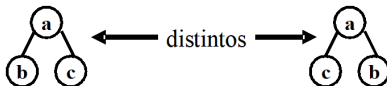
...

$\text{grado}(K) = 0$ $\text{profundidad}(K) = 3$ $\text{altura}(K) = 0$

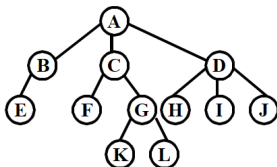
$\text{grado}(\text{árbol}) = 3$ $\text{altura}(\text{árbol}) = 3$

Árboles ordenados

- Árboles en los que los hijos de cada nodo se ordenan de izquierda a derecha

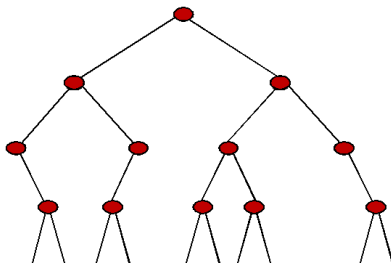


- El orden de izquierda a derecha entre nodos hermanos puede extenderse para comparar dos nodos cualesquiera con el siguiente criterio: " si **b** y **c** son hermanos y **b** está a la izquierda de **c**, entonces todos los descendientes de **b** están a la izquierda de todos los descendientes de **c**".



2 Árboles Binarios

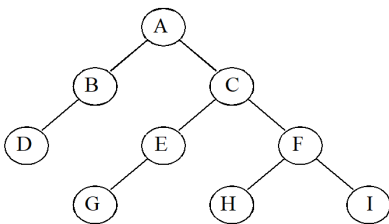
- **Definición 1:** conjunto finito de nodos que puede ser vacío o puede distribuirse en una raíz y un par de árboles binarios llamados subárboles izquierdo y derecho de la raíz, los cuales pueden también estar vacíos
- **Definición 2:** árbol ordenado de grado dos



2.1 Representación mediante Memoria Contigua

Matrices

- Los nodos se almacenan en las celdas contiguas de una matriz
- Cada celda de la matriz almacenará la información del nodo y dos enteros que indicarán los índices de la matriz donde se encuentran sus descendientes directos izquierdo y derecho (el valor 0 indicará ausencia de hijo)



1	A	2	3
2	B	4	0
3	C	5	6
4	D	0	0
5	E	7	0
6	F	8	9
7	G	0	0
8	H	0	0
9	I	0	0
10			
11			
	...		
N-2			
N-1			
N			

Declaraciones Básicas

Consideraciones:

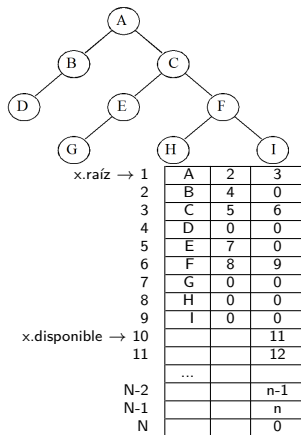
- Utilización de un matriz suficientemente grande para almacenar el número máximo de nodos que pueda tener el árbol
- Necesidad de una lista de disponibilidad para manejar el espacio en la matriz y un entero para indicar el índice de la matriz donde se encuentra la raíz

Algoritmo 1.1 declaraciones básicas

```

1: constantes
2:  $N = 100$ 
3: tipos
4: tipoNodo = registro
5: información : tipoformación
6: izq, der : entero
7: fin registro
8: tipoÁrbol = registro
9: nodos : matriz[1, . . . , N] de tipoNodo
10: raíz : entero
11: disponible : entero
12: fin registro

```



Ejemplo variable x:tipoÁrbol

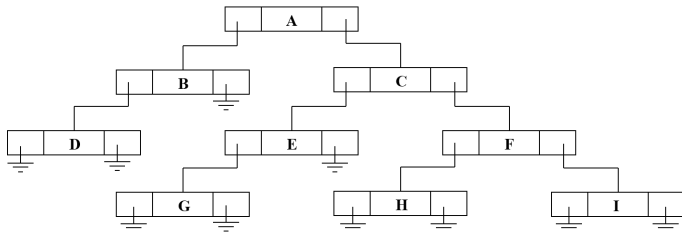
Para todo nodo situado en la celda i:

- Hijo izquierdo $\Rightarrow x.nodos[i].izq$
- Hijo derecho $\Rightarrow x.nodos[i].der$

2.2 Representación mediante Memoria Dispersa

Memoria dinámica (punteros)

- Cada celda se enlaza, a lo sumo, con otras dos siguiendo la estructura del árbol que representa
- Cada celda almacenará la información del nodo y dos apuntadores para enlazar con las raíces de los subárboles izquierdo y derecho del nodo
- Los nodos se almacenan en celdas que no tienen por qué ocupar posiciones consecutivas en memoria



Declaraciones Básicas

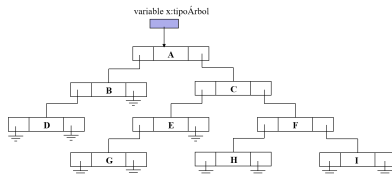
Consideraciones:

- Desde la raíz de un árbol puede llegarse al resto de los nodos
- Para acceder a un árbol solo se necesita la dirección de memoria donde se almacena la raíz \Rightarrow **El árbol puede representarse por un puntero a un nodo de árbol binario**

Algoritmo 1.2 declaraciones básicas

```

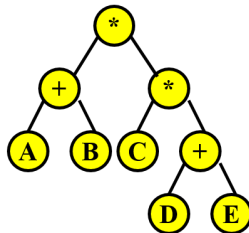
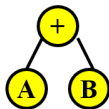
1: tipos
2: tipoNodo = registro
3: izq :↑ tipoNodo
4: información : tipoInformación
5: der :↑ tipoNodo
6: fin registro
7: tipoÁrbol :↑ tipoNodo
8: punteroNodo :↑ tipoNodo
  
```



Este es el tipo de representación más común y la que utilizaremos en el resto del tema

Aplicaciones

- Numeración de capítulos y secciones de un libro
- Análisis de circuitos eléctricos
- Representación de expresiones aritméticas:



Prefija	Infija	Postfija
+AB	A+B	AB+
*+AB*C+DC	(A+B)*(C*(D+E))	AB+CDE+**

Ejemplo de aplicación: construcción de un árbol algebraico

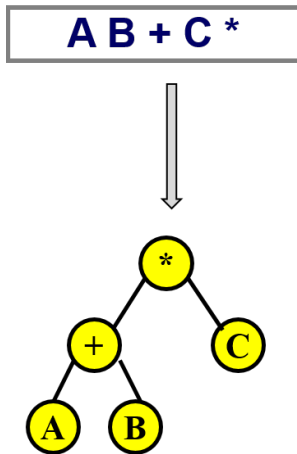
Algoritmo 1.3 generaÁrbol(expresión:cadena):tipoÁrbol

Entrada: expresión algebraica en notación Postfija

Salida: árbol binario que representa la expresión de entrada

```

1: a : tipoÁrbol
2: p : tipoPila
3: i : entero
4: símbolo : carácter
5: creaVacia(p)
6: símbolo ← expresión[1]
7: i ← 1
8: mientras símbolo ≠ FINEXPRESIÓN hacer
9:   casos símbolo en
10:    operando :
11:      a ← creaNodo(símbolo)
12:      inserta(a, p)
13:    operador:
14:      a ← creaNodo(símbolo)
15:      a ↑ .der ← suprime(p)
16:      a ↑ .izq ← suprime(p)
17:      inserta(a, p)
18:    fin casos
19:    i ← i + 1
20:    símbolo ← expresión[i]
21:  fin mientras
22:  devolver suprime(p)
  
```



Obsérvese la utilización del **TAD pila** en la implementación de este algoritmo

Especificación del TAD PILA utilizado en el ejemplo

- Pila cuyos elementos son punteros a nodos de árboles binarios
- Operaciones básicas:
 - **creaVacía(p)**: inicia o crea la pila **p** como una pila vacía, sin ningún elemento
 - **vacía(p)**: devuelve verdadero si la pila **p** está vacía, y falso en caso contrario
 - **inserta(x,p)**: añade el elemento **x** a la pila **p** convirtiéndolo en el nuevo tope o cima de la pila
 - **suprime(p)**: devuelve y elimina el elemento del tope o cima de la pila **p**

3 Recorridos en Árboles Binarios

- Recorrer un árbol: visitar todos sus nodos de forma sistemática, de tal manera que cada nodo sea visitado una sola vez
- Un nodo es visitado cuando se encuentra en el recorrido y en ese momento se puede efectuar cualquier proceso sobre su contenido
- Categorías básicas de recorridos:
 - en PROFUNDIDAD: basados en las relaciones padre-hijo de los nodos
 - en AMPLITUD o por NIVELES: basados en la distancia de cada nodo a la raíz

Recorridos en PROFUNDIDAD

- Existen tres métodos diferentes de efectuar el recorrido en profundidad, todos ellos de naturaleza recursiva, imponiendo un orden secuencial y lineal a los nodos del árbol
- Las actividades básicas a realizar son:
 - visitar la raíz
 - recorrer el subárbol izquierdo
 - recorrer el subárbol derecho
- Los tres métodos se diferencian en el orden en que se visite la raíz, dando lugar a los tres recorridos:
 - EN-ORDEN
 - PRE-ORDEN
 - POST-ORDEN

Recorrido PRE-ORDEN

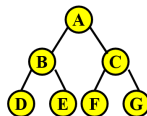
- ➊ Visitar la raíz
- ➋ Recorrer en PRE-ORDEN el subárbol izquierdo
- ➌ Recorrer en PRE-ORDEN el subárbol derecho

Algoritmo 1.4 *preOrden(a : tipoÁrbol)*

Entrada: *a* dirección del nodo raíz del árbol

Salida: procesa todos los nodos en preorden

- 1: si *a* \neq NULO entonces
 - 2: *visitar(a* \uparrow *.información)*
 - 3: *preOrden(a* \uparrow *.izq)*
 - 4: *preOrden(a* \uparrow *.der)*
 - 5: fin si
-



Recorrido EN-ORDEN

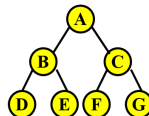
- ➊ Recorrer en En-ORDEN el subárbol izquierdo
- ➋ Visitar la raíz
- ➌ Recorrer en EN-ORDEN el subárbol derecho

Algoritmo 1.5 *enOrden*(a : tipoÁrbol)

Entrada: a dirección del nodo raíz del árbol

Salida: procesa todos los nodos en orden

- 1: si $a \neq \text{NULO}$ entonces
 - 2: *enOrden*(a ↑ .izq)
 - 3: visitar(a ↑ .información)
 - 4: *enOrden*(a ↑ .der)
 - 5: fin si
-



Recorrido POST-ORDEN

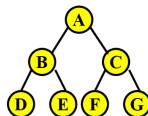
- ➊ Recorrer en POST-ORDEN el subárbol izquierdo
- ➋ Recorrer en POST-ORDEN el subárbol derecho
- ➌ Visitar la raíz

Algoritmo 1.6 `postOrden(a : tipoÁrbol)`

Entrada: *a* dirección del nodo raíz del árbol

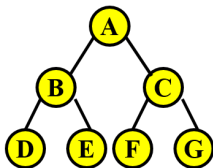
Salida: procesa todos los nodos en postorden

- 1: si *a* \neq NULO entonces
 - 2: `postOrden(a ↑ .izq)`
 - 3: `postOrden(a ↑ .der)`
 - 4: `visitar(a ↑ .información)`
 - 5: fin si
-



Recorrido en AMPLITUD o por NIVELES

- Consiste en visitar primero la raíz del árbol, después los nodos que se encuentran en siguiente nivel, etc.
- En este recorrido no importa tanto la estructura recursiva del árbol, si no la distribución de los nodos en los diferentes niveles
- Una posible implementación puede efectuarse utilizando una cola cuyos elementos son punteros a nodos del árbol



A BC DEFG
nivel 0 nivel 1 nivel 2

Algoritmo de recorrido en AMPLITUD

Algoritmo 1.7 niveles(a : tipoÁrbol)

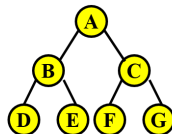
Entrada: a dirección del nodo raíz del árbol

Salida: procesa todos los nodos por niveles

```

1: nodo : punteroNodo
2: c : tipoCola
3: creaVacia(c)
4: si a ≠ NULO entonces
5:   inserta(a, c)
6: fin si
7: mientras NOT(vacia(c)) hacer
8:   nodo ← suprime(p)
9:   visitar(nodo ↑ .información)
10:  si nodo ↑ .izq ≠ NULO entonces
11:    inserta(nodo ↑ .izq, c)
12:  fin si
13:  si nodo ↑ .der ≠ NULO entonces
14:    inserta(nodo ↑ .der, c)
15:  fin si
16: fin mientras

```



A	BC	DEFG
nivel 0	nivel 1	nivel 2

Obsérvese la utilización del **TAD cola** en la implementación de este algoritmo

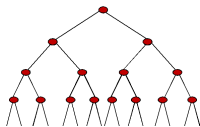
Especificación del TAD COLA utilizado en algoritmo amplitud

- Cola cuyos elementos son punteros a nodos de árboles binarios
- Operaciones básicas:
 - **creaVacía(c)**: inicia o crea la cola c como una cola vacía, sin ningún elemento
 - **vacía(c)**: devuelve verdadero si la cola c está vacía, y falso en caso contrario
 - **inserta(x,c)**: añade el elemento x a la cola c convirtiéndolo en el último elemento de cola
 - **suprime(c)**: devuelve y elimina el primer elemento la cola c

4 Árboles Binarios Completos y Casi-Completos

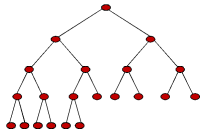
Árbol Binario Completo

Árbol binario que contiene el número máximo de nodos para su altura



Árbol Binario Casi-Completo

Árbol binario completamente lleno, con la posible excepción del nivel más bajo, el cual se llena de izquierda a derecha



Característica: tienen la altura mínima para su conjunto de nodos

Altura de un árbol binario de N nodos

- Altura máxima \Rightarrow lista de nodos

$$H_{max} = N$$

- Altura mínima \Rightarrow árbol binario casi-completo

$N = 1$	$H_{min} = 0$	$N_{min} = 1 = 2^0$	$N_{max} = 1 = 2^1 - 1$
$2 \leq N \leq 3$	$H_{min} = 1$	$N_{min} = 2 = 2^1$	$N_{max} = 3 = 2^2 - 1$
$4 \leq N \leq 7$	$H_{min} = 2$	$N_{min} = 4 = 2^2$	$N_{max} = 7 = 2^3 - 1$
$8 \leq N \leq 15$	$H_{min} = 3$	$N_{min} = 8 = 2^3$	$N_{max} = 15 = 2^4 - 1$
...
N	$H_{min} = h$	$N_{min} = 2^h$	$N_{max} = 2^{h+1} - 1$

$$H_{min} = h = \lceil \log N \rceil$$

- Número de nodos de un a.b. casi-completo de altura h

$$2^h \leq N \leq 2^{h+1} - 1$$

Más aplicaciones: Árboles de Búsqueda

- Los árboles binarios suelen utilizarse para estructurar una colección de datos de forma que faciliten la búsqueda de un elemento particular
- Conviene, por tanto, organizar los datos de forma que las longitudes de los caminos de búsqueda sean mínimas \Rightarrow Árboles binarios CASI-COMPLETOS y sus variantes
 - Árboles Binarios de Búsqueda y Balanceados, los estudiaremos en el tema 5
 - Árboles Multicamino: extensiones de los Árboles Balanceados que se utilizan para búsqueda de información en memoria secundaria, se estudiarán en el tema 7, dedicado a la Organización de Índices (Árboles B y Árboles B+)