Maxim 3 probleme/20p

- 1. (3p) Implementați un algoritm bazat pe metoda Backtracking pentru rezolvarea problemei SAT (v. curs cu condiții de continuare, criterii de alegere a variabilelor)
- **2.** (1.5p) Să se descompună un număr natural n în toate modurile posibile distincte ca sumă de numere prime (de exemplu, pentru n = 10 descompunerile sunt 2+2+2+2+2, 2+2+3+3, 2+3+5, 5+5, 3+7).
- 3. (1.5p) O tablă nxm are în fiecare pătrățică o literă mare. Pe această tablă se poate juca un joc cu un singur jucător astfel : la începutul jocului în colțul din stânga-sus al tablei este plasată o piesă. În fiecare moment jucătorul poate muta această piesă într-o poziție vecină (sus, dreapta, jos, stânga) cu singura restricție ca în poziția respectivă să nu existe o literă peste care piesa a mai trecut. Scopul este de a menține piesa în joc cât mai mult posibil. Să se determine numărul maxim de mutări pe care le poate face jucătorul și un exemplu de șir maxim de mutări
- **4. (7p) Branch and Bound** Implementați un algoritm bazat pe metoda Branch and Bound pentru rezolvarea problemei rucsacului varianta discretă sau pentru determinarea unui circuit hamiltonian minim TSP (v. curs)
- **5. (10p) Algoritmi genetici** Implementați un algoritm genetic pentru determinarea maximului unei funcții pozitive pe un domeniu dat (funcția se va fixa în cod)

Date de intrare:

- dimensiunea populației
- domeniul de definiție al funcției
- precizia cu care se lucrează (cu care se discretizează intervalul)
- probabilitatea de recombinare (crossover, încrucişare)
- probabilitatea de mutație
- numărul de etape ale algoritmului

Ieşire:

- Un fișier text sugestiv care evidențiază operațiile **din prima etapă** a algoritmului, (de exemplu fișierului <u>Evolutie.txt</u> (obținut pentru funcția –x²+x+2, domeniul [-1, 2], dimensiunea populației 20, precizia 6, probabilitatea de recombinare 0.25, probabilitatea de mutație 0.01 și 50 de etape))
- Bonus: Interfață grafică sugestivă, care evidențiază evoluția algoritmului

În fișier sunt scrise

• populația inițială sub forma

i: reprezentare cromozom x = valoarea corespunzătoare cromozomului în domeniul de definiție al funcției f =valoarea corespunzătoare cromozomului ($f(X_i)$)

• probabilitățile de selecție pentru fiecare cromozom

$$p_i = \frac{f(X_i)}{\sum_{i} f(X_j)}$$

- probabilitățile cumulate care dau intervalele pentru selecție $\, q_{_i} = p_{_1} + ... + p_{_i} \,$
- evidențierea procesul de selecție, care constă în generarea unui număr aleator u uniform pe [0,1) și determinarea intervalului [qi, qi+1) căruia aparține acest număr; corespunzător acestui interval se va selecta cromozomul i+1. Procesul se repetă până

se selectează numărul dorit de cromozomi. **Cerință:** căutarea intervalului corespunzător lui u se va face folosind căutarea binară.

- evidențierea cromozomilor care participă la recombinare
- pentru recombinările care au loc se evidențiază perechile care participă la recombinare, punctul de rupere generat aleator precum și cromozomii rezultați în urma recombinării (sau, după caz, se evidențiază tipul de încrucișare ales)
- populația rezultată după recombinare
- populația rezultată după mutații
- pentru restul generațiilor (populațiilor din etapele următoare) se vor afișa doar valoarea maximă $\max_i f(X_i)$ și valoarea medie a performanței $\sum f(X_i)/n$.

Se vor folosi metoda de codificare discutată la curs și încrucișarea cu un punct de tăietură (rupere).

```
Evolutie.txt
Populatia initiala
    1: 0000011101001001110001 x = -0,914592 f = 0.24892945287918744
    2: 001010010011101111111100 = -0.516787 = 1.2161433551687346
    3: 0100000001010010110111 x= -0,246207 f=1.69317538311855
     4: 1101001110110001101101 x= 1,480791 f=1.288048141479274
    5: 1001110010011100111001 x= 0,835307 f=2.1375690008662946 6: 1011111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365
    7: 0110000010110000001111 x= 0,133068 f=2.115360642895274
    8: 0000100011000110001010 = -0.897179 = 0.29789055630549277
    9: 0101110111101010011111 x= 0,100578 f=2.0904619502816644
   10: 0011101010110110001001 x = -0,311975 f = 1.590697249227337
   11: 1100110111010010011111 x= 1,411980 f=1.4182933275624994
12: 01110111111000110000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
13: 11111100001001100000000 x= 1,954865 f=0.13336723106734194
   14: 0111010000000010110010 x= 0,359503 f=2.230260491735224
   15: 1100000001110111000101 x= 1,255452 f=1.6792930285557333
   16: 1011010101010000001011 x= 1,124764 f=1.8596696522000606
   17: 11010111101011011011011 x= 1,527482 f=1.1942809038290045
   18: 11011011101000100111111 x= 1,573845 f=1.0968573281925882
   19: 00100101011011001011110 x= -0,562311 f=1.1214962076226662
   20: 1011101100000000100111 x= 1,191435 f=1.771918100644858
Probabilitati selectie
cromozom 1 probabilitate 0.0085418577836996

        cromozom
        2 probabilitate 0.041731195181167476

        cromozom
        3 probabilitate 0.058100249521212656

        cromozom
        4 probabilitate 0.044198562748676756

        cromozom
        5 probabilitate 0.07334933732050686

        cromozom
        6 probabilitate 0.05893959396975151

cromozom 7 probabilitate 0.07258727146930355

        cromozom
        8 probabilitate
        0.010221927287582215

        cromozom
        9 probabilitate
        0.07173288847506332

        cromozom
        10 probabilitate
        0.05458377673941411

cromozom 11 probabilitate 0.048667844481579396
cromozom 12 probabilitate 0.07689715048702854
cromozom 13 probabilitate 0.004576412745083748
cromozom 14 probabilitate 0.07652998759552974
cromozom 15 probabilitate 0.05762388524608598
cromozom 16 probabilitate 0.06381339576343534
```

cromozom 17 probabilitate 0.0409809988986984

```
18 probabilitate 0.037637970107847966
cromozom
         19 probabilitate 0.03848343777592496
cromozom
cromozom 20 probabilitate 0.06080225640240799
Intervale probabilitati selectie
0 0.0085418577836996 0.050273052964867074 0.10837330248607974
0.1525718652347565 \ \ 0.22592120255526335 \ \ 0.28486079652501484 \ \ 0.3574480679943184
0.3676699952819006 \ 0.4394028837569639 \ 0.493986660496378 \ 0.5426545049779574
0.6195516554649859 \ 0.6241280682100697 \ 0.7006580558055995 \ 0.7582819410516854
0.8220953368151208 0.8630763357138193 0.9007143058216672 0.9391977435975922
1.0 u=0.6034720442729782 selectam cromozomul 12
u=0.17892824175281696 selectam cromozomul 5
u=0.6867737986711382 selectam cromozomul 14
u=0.7176059630936646 selectam cromozomul 15
u=0.5619562065293205 selectam cromozomul 12
u=0.24081572433510423 selectam cromozomul 6
u=0.5408716518401836 selectam cromozomul 11
u=0.43771824679891214 selectam cromozomul 9
u=0.7390763060836184 selectam cromozomul 15
u=0.8447467542582436 selectam cromozomul 17
u=0.7683657918169965 selectam cromozomul 16
u=0.9907124915454842 selectam cromozomul 20
u=0.8789773676106979 selectam cromozomul 18
u=0.9658384924654928 selectam cromozomul 20
u=0.0756221139277069 selectam cromozomul 3
u=0.03335884865931882 selectam cromozomul 2
u=0.26608038821171887 selectam cromozomul 6
u=0.5492264660581757 selectam cromozomul 12
Dupa selectie:
   1: 01110111111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
   2: 1001110010011100111001 x= 0,835307 f=2.1375690008662946
   3: 0111010000000010110010 = 0.359503 f = 2.230260491735224
   4: 1100000001110111000101 x= 1,255452 f=1.6792930285557333
   5: 01110111111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
   6: 1011111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365 7: 1100110111010010011111 x= 1,411980 f=1.4182933275624994
   8: 0101110111101010011111 x= 0,100578 f=2.0904619502816644
   9: 1100000001110111000101 x= 1,255452 f=1.6792930285557333
  10: 11010111101011011011011 x= 1,527482 f=1.1942809038290045
  11: 1011010101010000001011 x= 1,124764 f=1.8596696522000606
  12: 1011101100000000100111 x= 1,191435 f=1.771918100644858
  13: 11010111101011011011011 x= 1,527482 f=1.1942809038290045
  14: 1011010101010000001011 x= 1,124764 f=1.8596696522000606
  15: 1101101110100010011111 x= 1,573845 f=1.0968573281925882
  16: 1011101100000000100111 x= 1,191435 f=1.771918100644858
  17: 01000000010100101101111 = -0.246207 = 1.69317538311855
  18: 00101001001110111111100 = -0,516787 = 1.2161433551687346
  19: 1011111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365
  20: 0111011111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
Probabilitatea de incrucisare 0.25
1: 01110111111100011000001 u=0.8672982503681332
2: 1001110010011100111001 u=0.17618744553586774<0.25 participa
3: 0111010000000010110010 u=0.5623919628827635
4: 1100000001110111000101 u=0.12595818897032773<0.25 participa
5: 0111011111100011000001 u=0.5494832939809089
6: 1011111001000011000100 u=0.9988878068067887
7: 1100110111010010011111 u=0.044918841352894145<0.25 participa
8: 01011101111010100111111 u=0.15024385267360985<0.25 participa
9: 1100000001110111000101 u=0.5809198972137714
10: 1101011110101101101101 u=0.30819031632516913
11: 1011010101010000001011 u=0.9073062085201059
```

```
12: 1011101100000000100111 u=0.6421334753559018
13: 1101011110101101101101 u=0.46721859789040554
14: 1011010101010000001011 u=0.6320007810666798
15: 1101101110100010011111 u=0.20308557877487043<0.25 participa
16: 1011101100000000100111 u=0.6311055118179946
17: 0100000001010010110111 u=0.11241241610234687<0.25 participa
18: 00101001001110111111100 u=0.8000743582190735
19: 10111111001000011000100 u=0.529921293680138
20: 01110111111100011000001 u=0.3600402029299934
Recombinare dintre cromozomul 2 cu cromozomul 8:
1001110010011100111001 0101110111101010011111 punct
Recombinare dintre cromozomul 17 cu cromozomul 4:
Rezultat 110000001110111010111 01000000010100101010101
Recombinare dintre cromozomul 7 cu cromozomul 15:
Dupa recombinare:
   1: 01110111111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
  2: 1001110010011100111001 x= 0,835307 f=2.1375690008662946
   3: 0111010000000010110010 x= 0,359503 f=2.230260491735224
   4: 0100000001010010100101 x= -0,246220 f=1.6931561687147045
  5: 01110111111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
   6: 1011111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365
  7: 1100110111010010011111 x= 1,411980 f=1.4182933275624994
  8: 0101110111101010011111 x= 0,100578 f=2.0904619502816644
 9: 1100000001110111000101 x= 1,255452 f=1.6792930285557333
10: 11010111101011011011 x= 1,527482 f=1.1942809038290045
 11: 1011010101010000001011 x= 1,124764 f=1.8596696522000606
 12: 1011101100000000100111 x= 1,191435 f=1.771918100644858
 13: 1101011111010110110111 x= 1,527482 f=1.1942809038290045
 14: 1011010101010000001011 x= 1,124764 f=1.8596696522000606
 15: 1101101110100010011111 x= 1,573845 f=1.0968573281925882
 16: 101110110000000100111 x= 1,191435 f=1.771918100644858
17: 1100000001110111010111 x= 1,255464 f=1.679273576108589
 18: 00101001001110111111100 = -0,516787 = 1.2161433551687346
 19: 1011111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365
 20: 01110111111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
Probabilitate de mutatie pentru fiecare gena 0.01
Au fost modificati cromozomii:
13
14
Dupa mutatie:
   1: 01110111111100011000001 x = 0,404924 f = 2.240960465910953
  2: 1001110010011100111001 x= 0,835307 f=2.1375690008662946
   3: 011100000000010110010 x= 0,312628 f=2.2148915943894925
   4: 0100000001010010100101 x= -0,246220 f=1.6931561687147045
   5: 01110111111100011000001 = 0,404924 f=2.240960465910953
   6: 1011111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365
  7: 1100110111010010011111 x= 1,411980 f=1.4182933275624994
   8: 01011101111010100111111 x= 0,100578 f=2.0904619502816644
  9: 1100000001110111000101 x= 1,255452 f=1.6792930285557333
 10: 11010111101011011011011 x= 1,527482 f=1.1942809038290045
 11: 1011010101010000001011 x= 1,124764 f=1.8596696522000606
 12: 1011101100000000100111 x= 1,191435 f=1.771918100644858
 13: 11010111110001101101011 x= 1,526017 f=1.1972889597163063
 14: 1011010101010100001011 x= 1,124947 f=1.859440823122117
 15: 1101101110100010011111 x= 1,573845 f=1.0968573281925882
```

```
16: 1001101100000000100111 x= 0,816435 f=2.1498691578171627 17: 1100000001110111010111 x= 1,255464 f=1.679273576108589 18: 00101001001110111111100 x= -0,516787 f=1.2161433551687346 19: 10111111001000011000100 x= 1,229633 f=1.7176358177971365 20: 01110111111100011000001 x= 0,404924 f=2.240960465910953
```

Evolutia maximului

- 2.240960465910953
- 2.240960465910953
- 2.240961009934791
- 2.240961009934791
- 2.2410299678993897
- 2.2410299678993897
- 2.2410299678993897
- 2.2110299070993097
- 2.2410299678993897
- 2.2410299678993897
- 2.2410299678993897 2.2470135119363746
- 2.2470135119363746
- 2.2470135119363746
- 2.2470135119363746
- 2.2470135119363746
- 2.2470135119363746
- 2.2470135119363746
- 2.249998987949042
- 2.2470135119363746
- 2.247013824631034
- 2.247013824631034
- 2.247013824631034
- 2.247013824631034
- 2.247013824631034
- 2.247013824631034
- 2.247170709171197 2.2471717743374526
- 2.2490254104411807
- 2.249025678372649
- 2.249025678372649
- 2.2471755768655597
- 2.2471717743374526
- 2.249994372922319
- 2.2471717743374526
- 2.2471717743374526
- 2.2498015271856295
- 2.2471717743374526
- 2.249338579381251
- 2.249338579381251
- 2.2493387265332436
- 2.249338579381251
- 2.249338579381251
- 2.249338579381251
- 2.249338579381251
- 2.249338579381251
- 2.2494117796242903
- 2.2494117796242903
- 2.249338579381251
- 2.249921331421878 2.249921331421878