## ЛАБОРАТОРНАЯ РАБОТА № 3 (ПИ) Метод молекулярной динамики

Цель работы: моделирование динамики системы взаимодействующих молекул

Задачи: 1) Изучение метода молекулярной динамики 2) реализация алгоритма моделирования динамики молекулярной системы с использованием алгоритма Верле и потенциала Ленарда-Джонса; 3) отладка программы и проведение вычислительного эксперимента; 4) оформление отчета.

### Краткое описание метода молекулярной динамики.

Метод молекулярной динамики применяется для изучения свойств жидкостей, газов и различных поверхностных явлений [1, 2]. Основа этого метода – численное решение классических уравнений Ньютона для рассматриваемой консервативной системы частиц. При этом предполагается выполнение законов сохранения импульса и энергии, причем потенциальная энергия определяется только суммой двухчастичных взаимодействий.

$$U = V(r_{12}) + V(r_{13}) + ... + V(r_{23}) + ... = \sum_{i < j-1}^{N} V(r_{ij}), (1)$$

где  $V(r_{ii})$  – потенциал двухчастичных взаимодействий, а  $V(r_{ii})$  зависит только от абсолютной величины расстояния  $r_{ii}$  между частицами i и j. Парное взаимодействие вида (1) соответствует простым жидкостям, например жидкому аргону. Наиболее важными особенностями V(r)для простых жидкостей является сильное отталкивание для малых r и слабое притяжение на больших расстояниях. Одной из наиболее употребительных феноменологических формул для V(r) является

потенциал Леннарда-Джонса : 
$$V(r) = \left[ \left( \frac{\sigma}{r} \right)^{12} - \left( \frac{\sigma}{r} \right)^{6} \right]$$
, (2)

где  $\sigma$  — нормированная единица расстояния, r — расстояние между частицами в единицах  $\sigma$ .

Силы и ускорения молекул определяются следующим образом:

$$F_{i,n+1} = -grad(U_{i,n}), a_{i,n+1} = \frac{F_{i,n+1}}{m_i}$$

Для расчета траекторий каждой частицы используется алгоритм Верле в скоростной форме.

Расчет координаты:  $x_{n+1} = x_n + v_n \Delta t + a_n (\Delta t)^2 \ . \ (3)$  Расчет скорости:  $v_{n+1} = v_n + \frac{1}{2} (a_n + a_{n+1}) \Delta t \ . \ (4)$   $a_{n+1} = \frac{x_{n+1} - 2x_n + x_{n-1}}{(\Delta t)^2}$  Расчет ускорения: (5)

$$a_{n+1} = \frac{x_{n+1} - 2x_n + x_{n-1}}{(\Delta t)^2}$$

Расчет ускорения:

где  $x_n$ ,  $v_n$ ,  $a_n$  — значение координаты, скорости и ускорения на n-ом шаге расчета,  $x_{n+1}$ ,  $v_{n+1}$ ,  $a_{n+1}$  – значение координаты, скорости и ускорения на n+1-ом шаге расчета,  $\Delta t$  — шаг по времени.

Далее приводятся примеры практической реализации этого метода с использованием алгоритма Верле для интегрирования уравнений движений молекул, причем взаимодействие между которыми описывается потенциалом Ленарда-Джонса [1, 2].

#### Структура программы:

- 1) Исходные данные: начальное состояния системы (размеры ящика Lx, Ly, количество молекул N, их координатѕ и скорость, а также временной интервал  $dt = \Delta t$ , используемый при интегрировании).
- 2) Вычисление потенциала и сил взаимодействия (функция forc2)
- 3) Вычисление ускорения, новых координат и скоростей, спустя интервал  $dt = \Delta t$

## Пример 1. Исходные данные:

N=2; mas=[0.9 1.1];

Lx=0.5; Ly=0.5; vmax=0.35; dt=0.???; dt2=dt\*dt; dr=0; nstep=55;

# **Пример 2.** Функция sep2 для вычисления текущего расстояния между молекулами (MATLAB):

```
function r=sep2(xt,yt)
% m-m distance — расстояние между молекулами dx=xt(2)-xt(1); dy=yt(2)-yt(1); dxy=dx.*dx+dy.*dy; r=sqrt(dxy);
```

# **Пример 3.** Реализация функции, описывающей потенциал Ленарда-Джонса и силу взаимодействия двух частиц:

```
function f=forc2(r)
% m-m force & Len-Jones potential
% used in mo22de.m // tested in tstforc2.m
ri=1./r;
ri3=ri.*ri.*ri;
ri6=ri3.*ri3;
g=24*ri.*ri6.*(2*ri6-1);
f(1,:)=g./r;
% 1/r canceled in Fx Fy by dx - dy
% f(2) - L-J potential
f(2,:)=4*ri6.*(ri6-1);
```

## **Пример 4.** Реализация алгоритма Верле в среде MATLAB (фрагмент):

```
""
\% = = = = B- Start force testing %f0=forc1(r0);
f0=forc2(r0);
ac(1)=acold(1)+f0(1,1)*dr./mas(1);
ac(2)=acold(2)-f0(1,1)*dr./mas(2);
\%! minus from 3-rd Newton's Law
x=x0;
y=y0;
vt=v0;
\% = = = = = C- N particles dynamics: Verlet - k steps for k=1:nstep
xt=x+vt.*dt+ac.*dt.*dt/2;
yt=y+vt.*dt+ac.*dt.*dt/2;
figure(2) % Screen ++
```

```
plot(xx,yy)
 hold on
 plot(x0,y0,'g+')
 plot(xt(1),yt(1),'b*')
 plot(xt(2),yt(2),'ro')
 title('moleculas start+G and current*R positions')
 hold off
\% = D- Verlet //new: r, vt, f2=force2(r) and accelerat.
pause % srike ENTER to continue!
step=k
 acold=ac
 x=xt;
 y=yt;
 r=sep2(x,y)
 dr=r-r0:
 r0=r:
 f=forc2(r):
 ac(1)=acold(1)+f(1,1)*dr./mas(1);
 ac(2)=acold(2)-f(1,1)*dr./mas(2);
 v=vt
vt=v+(acold+ac).*dt/2;
end
```

### Форма отчета

А) Листинг программы моделирования Б) Значение оптимального временного интервала dt, найденное экспериментально. В) Результаты моделирования изменения состояния системы молекул (координат и скоростей) при заданных начальных условиях и найденном интервале dt.; Г) зависимость r от k.

### Литература.

- 1.  $\Gamma$ улд X., Tобочник  $\mathcal{A}$ . Компьютерное моделирование в физике: В 2-х частях. Пер с англ. М.: Мир, 1990.
- 2. Allen M, Tildesley D. Computer simulation of liquids. 1991.
- 3. Rapaport D. C. The Art of Molecular Dynamics Simulation. Cambridge, 2004.
- 4. *Апанасович В.В., Скакун В.В.* MATLAB и SIMULINK 1997.