

Application digitale dans le domaine de l'alimentation des sportifs de haut niveau.

Analyses exploratoire et preprocessing.

Data set « Open Food Facts ».

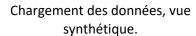
Sommaire.



Introduction.



Phase exploratoire.



Analyse valeurs manquantes, data sets numérique et catégoriel.

Distribution des données, valeurs remarquables.

Valeurs aberrantes: volumétrie, remplacement des valeurs, visualisation.



Pre-processing.

Imputation, encodage, remplacement valeurs manquantes.

- •KNN.
- •Iterative imputing.
- •Simple imputing.



Indépendance des variables.



Data set final.

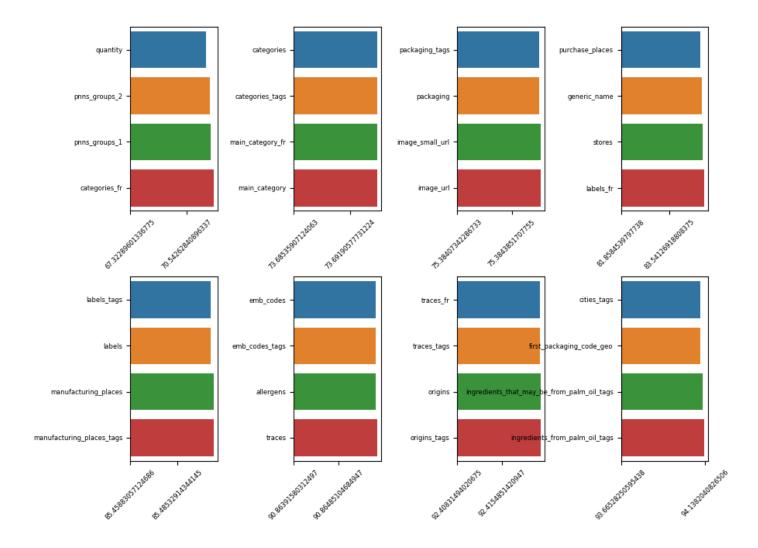
Introduction.

- Le data set Open Food Facts fournit des données précises sur un ensemble de produits de consommation alimentaire.
- Outre les code, nom de produit, marque, pays de production, date de production, le data set comporte aussi les éléments énergétiques et nutritifs.
- Notamment les éléments de teneur en graisse, sucre, carbohydrates, fibre, protéine, sel, sodium, vitamine A, vitamine C, calcium, fer sont essentiels à la nutrition d'un sportif de haut niveau.
- L'objectif ici est de s'appuyer sur ce data set pour fournir à l'athlète une information, le code Nutri-Sport (échelonné de A à E), lorsqu'il soumet à l'application le code barre d'un produit.
- L'application pourra également proposer des produits similaires.
- La qualité du data set n'est pas nécessairement suffisante. Des traitements préalables seront nécessaires à son exploitation.

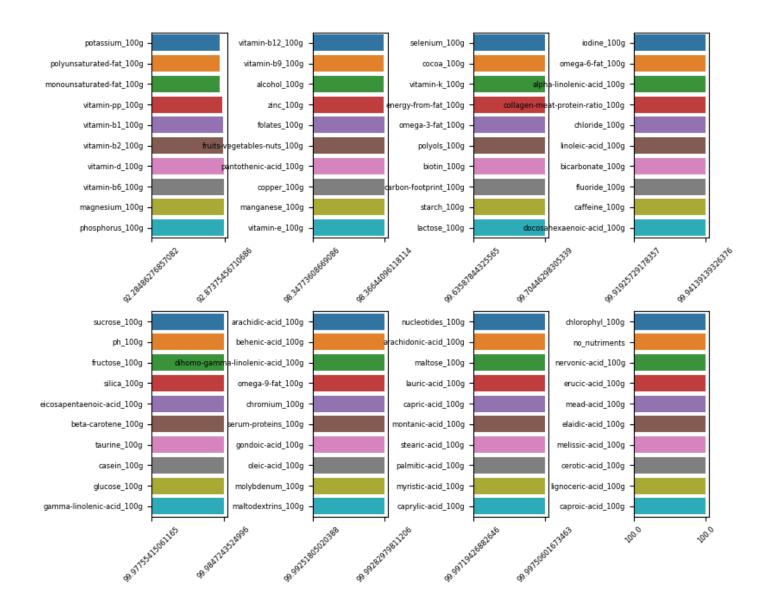


- Dimensions.
 - 320772 lignes.
 - 162 variables: 106 de type numérique, 22 de type catégoriel.
- Valeurs manquantes.
 - Certaines variables ont des taux de valeurs manquantes supérieurs à 60%. Cf. slides suivants.
 - Pour ces variables, on juge qu'elles sont insuffisamment informatives.
 Exclusion du data set.

Taux de valeurs manquantes par variable catégorielle.



Taux de valeurs manquantes par variable numérique.



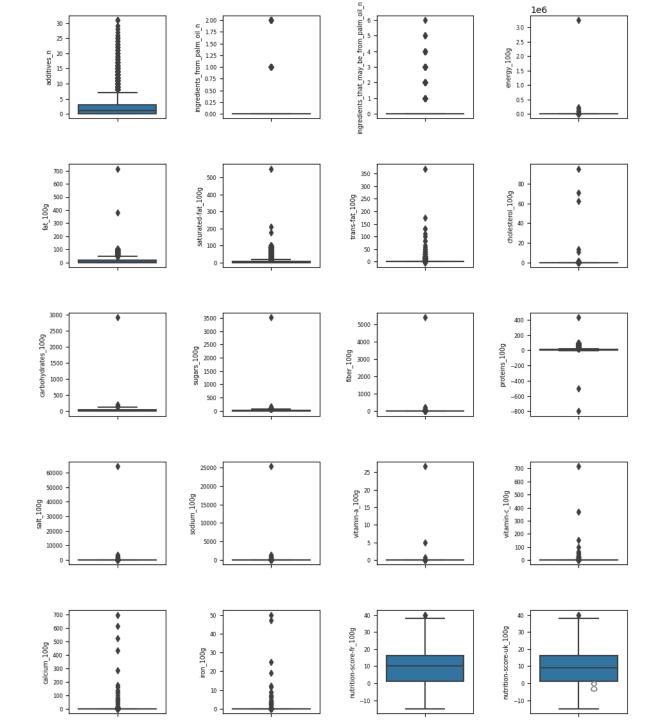
Après exclusion des variables non informatives.

df_cat.isnull().mean()*100			
code	0.007170		
url	0.007170		
creator	0.000623		
created_t	0.000935		
created_datetime	0.002806		
<pre>last_modified_t</pre>	0.000000		
<pre>last_modified_datetime</pre>	0.000000		
product_name	5.537266		
brands	8.857382		
brands_tags	8.859876		
countries	0.087289		
countries_tags	0.087289		
countries_fr	0.087289		
ingredients_text	22.386617		
serving_size	34.118003		
additives	22.404387		
additives_tags	51.778834		
additives_fr	51.778834		
nutrition_grade_fr	31.038245		
a+a+aa	0 01/2/0		

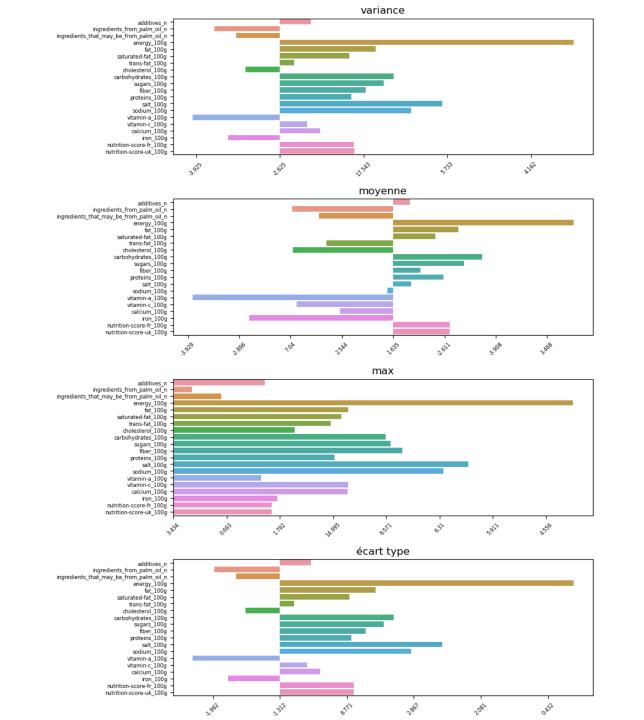
df_num.isnull().mean()*100	
additives_n	22.393787
ingredients_from_palm_oil_n	22.393787
<pre>ingredients_that_may_be_from_palm_oil_n</pre>	22.393787
energy_100g	18.598568
fat_100g	23.967491
saturated-fat_100g	28.437021
trans-fat_100g	55.327148
cholesterol_100g	55.080244
carbohydrates_100g	24.061951
sugars_100g	23.630803
fiber_100g	37.374210
proteins_100g	18.969860
salt_100g	20.345292
sodium_100g	20.359944
vitamin—a_100g	57.117828
vitamin-c_100g	56.085007
calcium_100g	56.027958
iron_100g	56.211265
nutrition-score-fr_100g	31.038245
nutrition-score-uk_100g dtype: float64	31.038245

Phase exploratoire. Distribution des données.

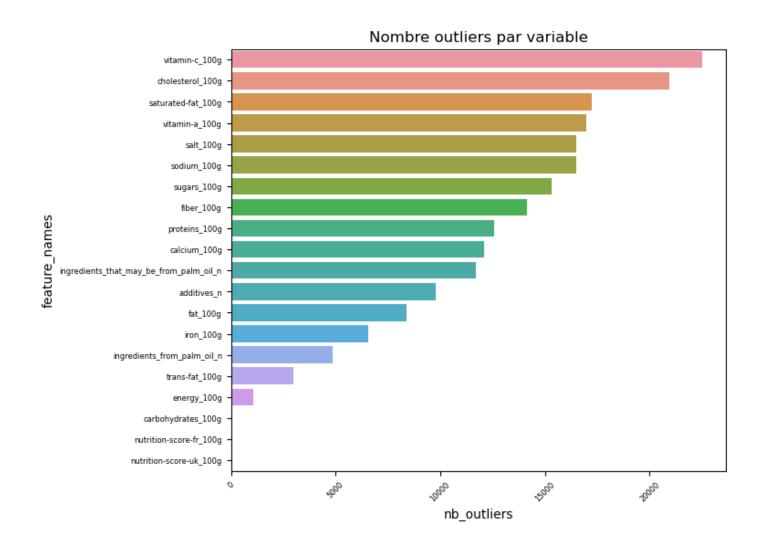
- Les données sont écartées de la moyenne.
- Existence de valeurs au delà du dernier quartile (outliers).



- Valeurs remarquables: variance, moyenne, max, écart-type.
 - Cf. slide suivant.



- Valeurs aberrantes.
 - Volumétrie: volume parfois important de valeurs situées au delà du dernier quartile.
 - Causes: des valeurs erronées (valeur saisie: 350g au lieu de 50g, par ex.)

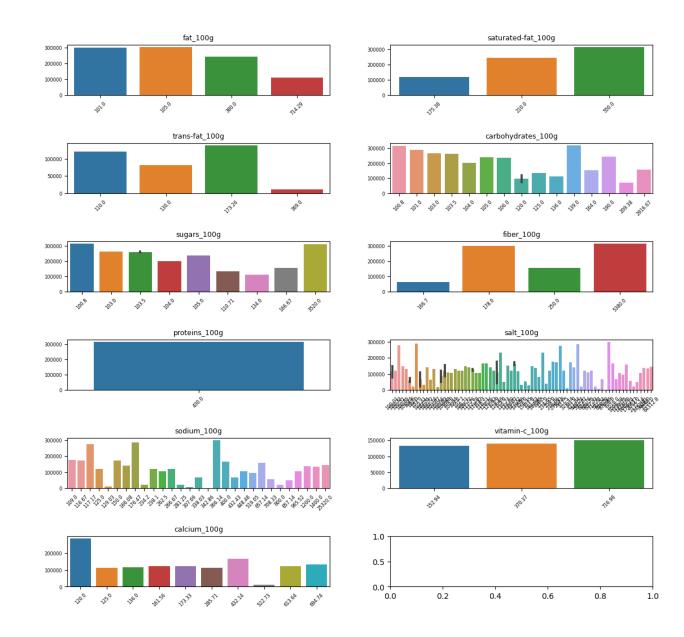


- Variables avec des erreurs de saisie (> 100g).
- Variable 'energy_100g': taux de valeurs en erreur de 75%.
 - Taux trop important (trop peu informatif), exclusion feature du dataset.
- Remplacement des valeurs erronées par la médiane (compte tenu de l'étalement des valeurs).

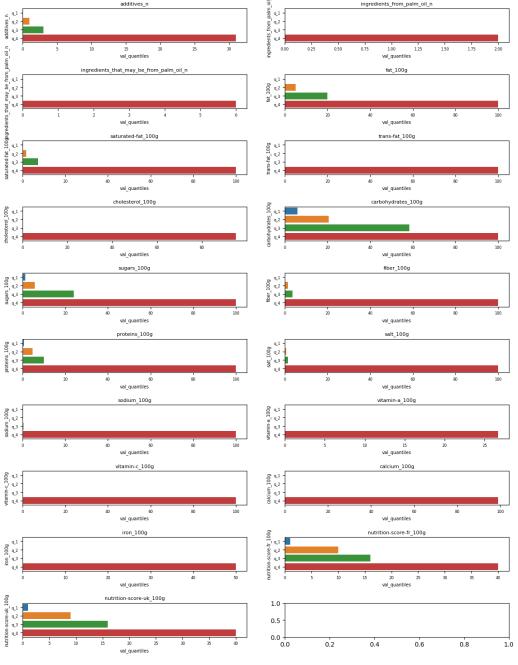
	valeurs
additives_n	0.000000
ingredients_from_palm_oil_n	0.000000
ngredients_that_may_be_from_palm_oil_n	0.000000
energy_100g	0.757803
fat_100g	0.000012
saturated-fat_100g	0.000009
trans-fat_100g	0.000016
cholesterol_100g	0.000000
carbohydrates_100g	0.000059
sugars_100g	0.000037
fiber_100g	0.000012
proteins_100g	0.000003
salt_100g	0.000493
sodium_100g	0.000106
vitamin-a_100g	0.000000
vitamin-c_100g	0.000009
calcium_100g	0.000031
iron_100g	0.000000
nutrition-score-fr_100g	0.000000
nutrition-score-uk_100g	0.000000

valeurs

• Affichage des valeurs aberrantes.



Visualisation des quantiles après correction des erreurs de saisie.

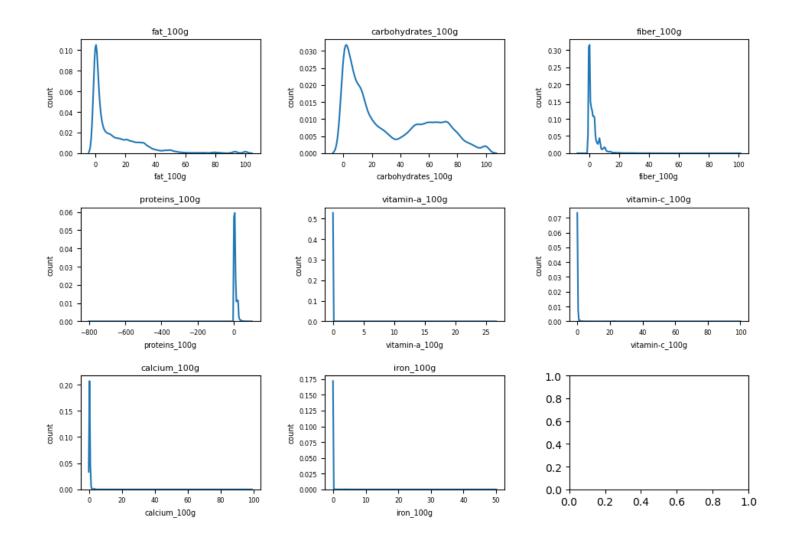


Pour notre analyse, seules certaines variables sont fondamentales.

Variables numériques fondamentales:

- 'fat_100g', 'carbohydrates_100g',
- 'fiber_100g', 'proteins_100g'
- 'vitamin-a_100g'
- 'vitamin-c 100g', 'calcium 100g'
- 'iron_100g'

Visualisation des courbes de fréquence par variable niumérique fondamentale.





Après ces premières étapes, le data set doit être traité pour le remplacement des valeurs manquantes.



Trois méthodes utilisées: KNN, SimpleImputer, IterativeImputer.

X_num.info()

<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
RangeIndex: 10000 entries, 0 to 9999
Data columns (total 8 columns):

#	Column	Non-Null Count	Dtype
0	fat_100g	9714 non-null	float64
1	carbohydrates_100g	9730 non-null	float64
2	fiber_100g	7860 non-null	float64
3	proteins_100g	9719 non-null	float64
4	vitamin—a_100g	7575 non-null	float64
5	vitamin-c_100g	7702 non-null	float64
6	calcium_100g	7720 non-null	float64
7	iron_100g	7732 non-null	float64
	67 164/01		

dtypes: float64(8) memory usage: 625.1 KB

Pour remplacer les valeurs manquantes dans le data-set, Séparer le data-set en on va utiliser la méthode catégoriel et numérique. d'imputation basée KNN. Méthode SimpleImputer() sur Les étapes suivantes sont But: remplacer les « np.nan » nécessaires au préalable: par valeur 'missing' X cat. Ces étapes permettent de remplacer les valeurs « np.nan » (dtype= float) par Méthode OHE() sur X_cat. des valeurs dtype= string reconnues par l'encodeur OHE.

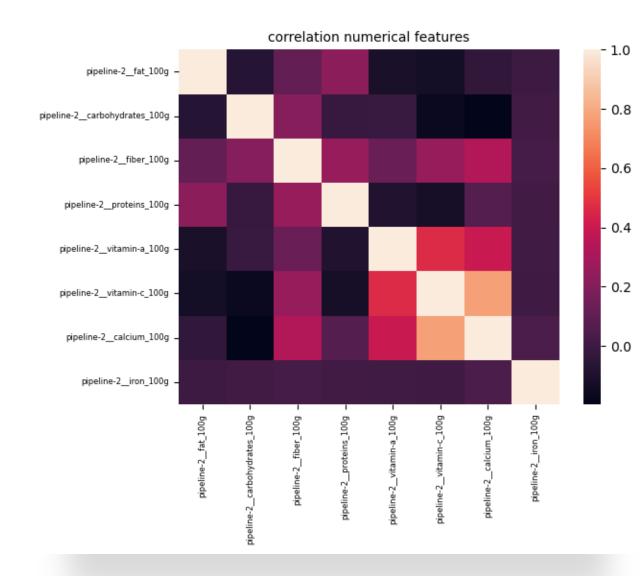
Pre-processing.
Etapes de
transformation
communes aux
trois méthodes.

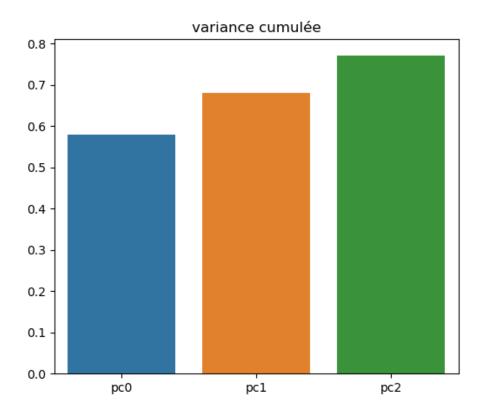
```
ColumnTransformer
ColumnTransformer(transformers=[('pipeline-1',
                                 Pipeline(steps=[('simpleimputer',
                                                  SimpleImputer(fill_value='missing',
                                                                strategy='constant')),
                                                 ('onehotencoder',
                                                  OneHotEncoder(handle_unknown='ignore',
                                                                sparse_output=False))]),
                                 ['product_name', 'brands',
                                  'nutrition_grade_fr']),
                                ('pipeline-2',
                              pipeline-1
                                                                       pipeline-2
    ['product_name', 'brands', 'nutrition_grade_fr']
                                                                   ▼ StandardScaler
                             SimpleImputer
                                                                   StandardScaler()
      SimpleImputer(fill_value='missing', strategy='constant')
                             OneHotEncoder
     OneHotEncoder(handle_unknown='ignore', sparse_output=False)
```

- Méthodes de remplacement des valeurs manquantes s'appliquent sur le data-set transformé (slide précédent).
- Méthode KNN.
 - Utilise le data-set complet.
- Méthode Simple Imputer.
 - Utilise la variable seule.
- Méthode Iterative Imputer.
 - Utilise le data-set complet.

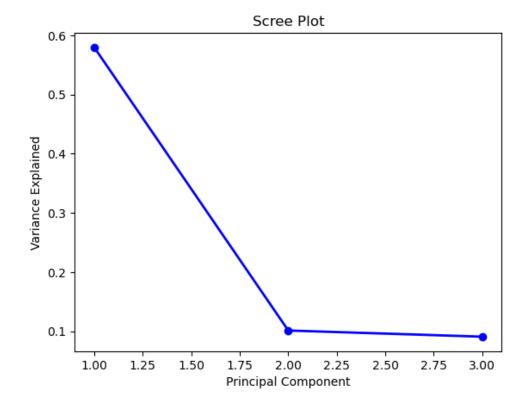
Test d'indépendance des variables.

- Variables probablement corrélées:
 - "vitamin-a"
 - "vitamin-c"

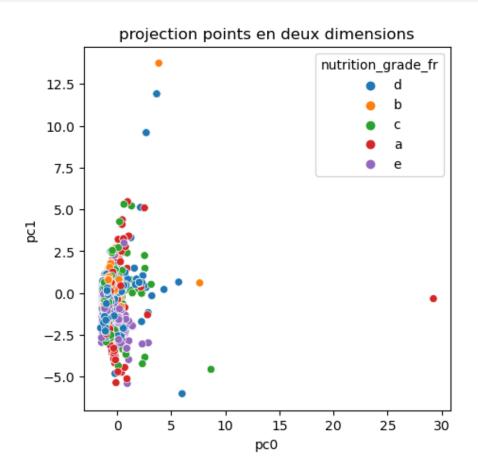


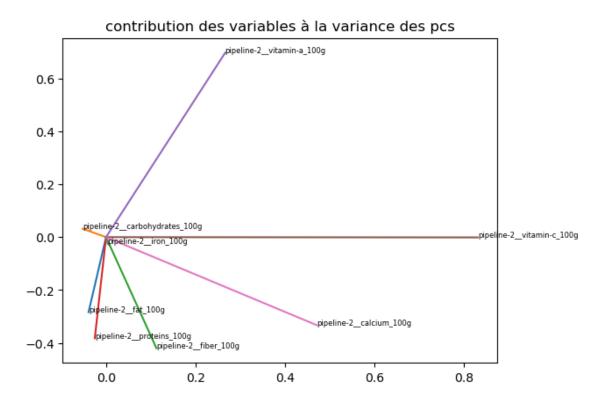


- Utilisation de PCA pour constitution de groupes ayant des caractéristiques similaires.
- Choix de trois composantes principales.
 - Captation de la variance et variance cumulée.



Projection de l'échantillon sur les deux premières composantes principales (pcs) et relation entre pcs et features.





- Le jeu de données est maintenant correct. On a développé les étapes ci-dessous:
 - Identification des variables pour lesquelles le taux de valeurs manquantes est au delà du seuil admissible.
 - Analyse de la distribution des données: centrées ou non ?
 - Outliers: volumétrie par variable, valeurs aberrantes et leur remplacement par médiane.
 - Remplacement valeurs manquantes (selon différentes méthodes)
 - Vérification de l'indépendance des variables
 - Exclusion valeurs corrélées.
- Les données correspondant aux variables fondamentales sont maintenant correctement calibrées pour générer la réponse attendue par l'utilisateur: le code NUTRISPORT (A à E) du produit présenté par l'utilisateur.

