



Tarea 5 Proyecto Análisis de Datos

ALFONSO LOPEZ MARIN

Código 91511831

ANÁLISIS DE DATOS - (202016908A_1704)

Grupo 202016908_24

Director-Tutor

BREYNER ALEXANDER PARRA

Universidad Nacional Abierta y a Distancia - UNAD
Escuela de Ciencias Básicas, Tecnología e Ingeniería de Sistemas
2024





INTRODUCCION

El naufragio del RMS Titanic, ocurrido en 1912, ha sido uno de los eventos más estudiados en la historia moderna, tanto desde una perspectiva histórica como desde un enfoque de análisis de datos.

En este trabajo, se busca aplicar técnicas de aprendizaje automático para predecir si un pasajero sobrevivió o no al desastre, utilizando un conjunto de datos que contiene diversas características de los pasajeros, como la clase, el sexo, la edad y la tarifa del boleto.

A través del uso de un modelo de regresión logística, se pretende identificar patrones en los datos que ayuden a predecir la supervivencia de los pasajeros basándose en sus características.

Este análisis se complementa con una evaluación detallada del modelo, evaluando métricas clave como precisión, recall, F1-score, y la matriz de confusión, con el objetivo de interpretar y mejorar las predicciones.





OBJETIVO PRINCIPAL

Desarrollar un modelo de predicción basado en aprendizaje automático para determinar la probabilidad de supervivencia de los pasajeros del Titanic, utilizando características como clase, edad, sexo, entre otras, con el fin de evaluar el desempeño del modelo a través de métricas de precisión, recall, y F1-score.

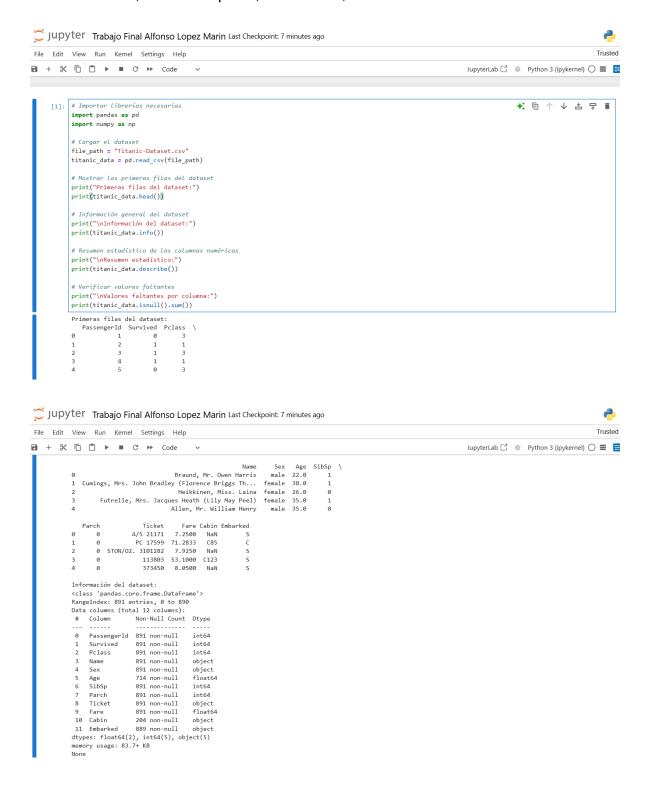
Objetivos Específicos

- 1. Limpiar y transformar los datos mediante la gestión de valores faltantes, la codificación de variables categóricas y la normalización de las características numéricas para preparar los datos para el entrenamiento del modelo.
- 2. Configurar y entrenar un modelo de regresión logística para predecir la supervivencia de los pasajeros, utilizando el conjunto de datos preprocesado, y ajustar los hiperparámetros para mejorar su desempeño.
- 3. Medir la efectividad del modelo entrenado utilizando métricas como la precisión, recall, F1-score y la matriz de confusión, para determinar la capacidad del modelo para clasificar correctamente a los pasajeros sobrevivientes y no sobrevivientes.

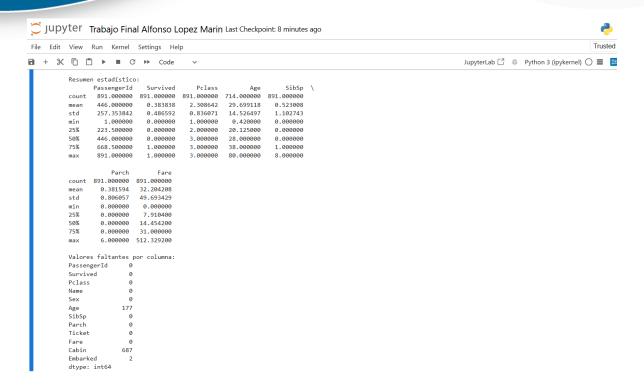




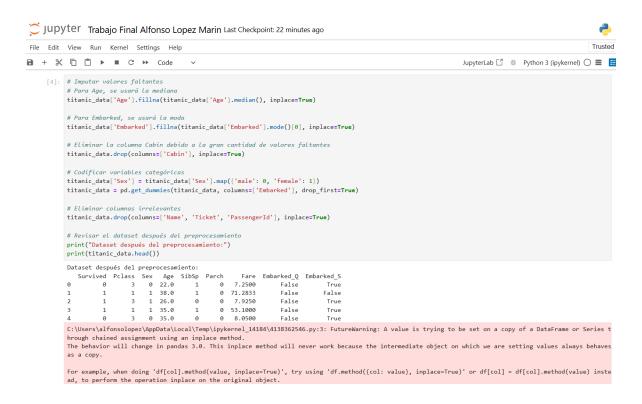
1.Realizar un análisis exploratorio de los datos para identificar relaciones entre variables, valores atípicos, tendencias, etc.







2. Preprocesar los datos limpiándolos, tratando valores faltantes y transformándolos según sea necesario.





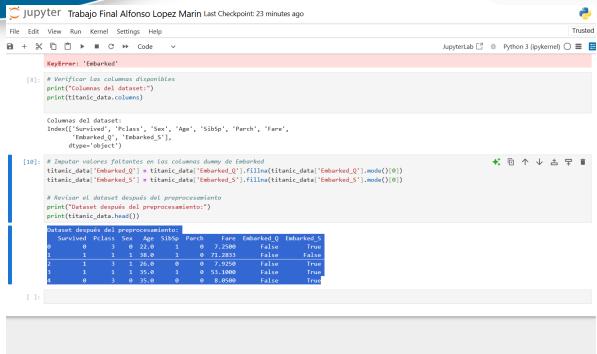
```
2
 Jupyter Trabajo Final Alfonso Lopez Marin Last Checkpoint: 23 minutes ago
File Edit View Run Kernel Settings Help
B + % □ □ ▶ ■ C → Code
                                                                                                                                      JupyterLab [ → Python 3 (ipykernel) ○ ■ \Xi
            For example, when doing 'df[col].method(value, inplace=True)', try using 'df.method({col: value}, inplace=True)' or df[col] = df[col].method(value) instead, to perform the operation inplace on the original object.
               titanic_data['Age'].fillna(titanic_data['Age'].median(), inplace=True)
            C:\Users\alfonsolopez\AppData\Local\Temp\ipykernel_14184\4138362546.py:6: FutureWarning: A value is trying to be set on a copy of a DataFrame or Series t hrough chained assignment using an inplace method.

The behavior will change in pandas 3.0. This inplace method will never work because the intermediate object on which we are setting values always behaves
            For example, when doing 'df[col].method(value, inplace=True)', try using 'df.method({col: value}, inplace=True)' or df[col] = df[col].method(value) instead, to perform the operation inplace on the original object.
            titanic_data['Embarked'].fillna(titanic_data['Embarked'].mode()[0], inplace=True)
            titanic_data['Age'] = titanic_data['Age'].fillna(titanic_data['Age'].median())
            titanic\_data['Embarked'] = titanic\_data['Embarked'].fillna(titanic\_data['Embarked'].mode()[\emptyset])
            # Eliminar la columna Cabin debido a la gran cantidad de valores faltantes
            titanic data = titanic data.drop(columns=['Cabin'])
            # Codificar variables categóricas
            titanic_data['Sex'] = titanic_data['Sex'].map({'male': 0, 'female': 1})
            titanic_data = pd.get_dummies(titanic_data, columns=['Embarked'], drop_first=True)
            titanic data = titanic data.drop(columns=['Name', 'Ticket', 'PassengerId'])
            # Revisar el dataset después del preprocesamiento
            print("Dataset después del preprocesamiento:")
            print(titanic_data.head())
 Jupyter Trabajo Final Alfonso Lopez Marin Last Checkpoint: 23 minutes ago
 File Edit View Run Kernel Settings Help
JupyterLab ☐ # Python 3 (ipykernel) ○ ■
                                                          Traceback (most recent call last)
            File ~\AppData\Local\anaconda3\Lib\site-packages\pandas\core\indexes\base.py:3805, in Index.get_loc(self, key)
               3804 try:
3805 return self._engine.get_loc(casted_key)
               3806 except KeyError as err:
            File index.pyx:167, in pandas._libs.index.IndexEngine.get_loc()
            File index.pyx:196, in pandas._libs.index.IndexEngine.get_loc()
            File pandas\\_libs\\hashtable_class_helper.pxi:7081, in pandas._libs.hashtable.PyObjectHashTable.get_item()
            File pandas\\libs\hashtable_class_helper.pxi:7089, in pandas. libs.hashtable.PyObjectHashTable.get item()
            The above exception was the direct cause of the following exception:
                                                         Traceback (most recent call last)
            Cell In[6], line 6
                   3 titanic_data['Age'] = titanic_data['Age'].fillna(titanic_data['Age'].median())
            ----> 6 titanic_data['Embarked'] = titanic_data['Embarked'].fillna(titanic_data['Embarked'].mode()[0])
                   9 titanic_data = titanic_data.drop(columns=['Cabin'])
            File ~\AppData\Local\anaconda3\Lib\site-packages\pandas\core\frame.py:4102, in DataFrame._getitem_(self, key)
                4100 if self.columns.nlevels
            4101 return self._getitem_multilevel(key)

-> 4102 indexer = self.columns.get_loc(key)
               4103 if is_integer(indexer):
4104 indexer = [indexer]
            File ~\AppData\Local\anaconda3\Lib\site-packages\pandas\core\indexes\base.py:3812, in Index.get_loc(self, key)
            3807 if isinstance(casted_key, slice) or (
```





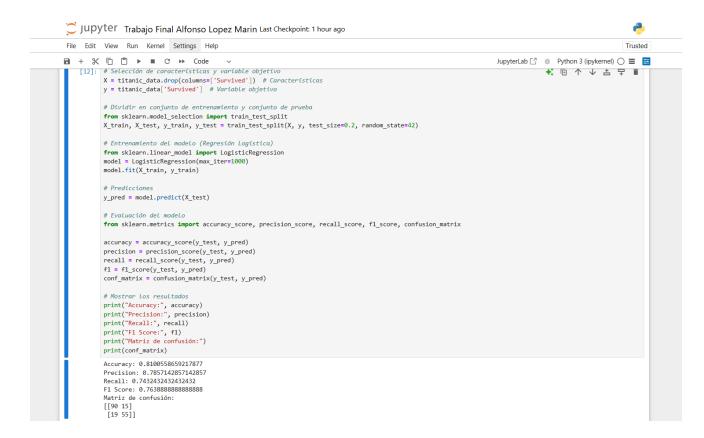






3. Seleccionar las características más relevantes para entrenar el modelo utilizando selección de características.

MODELO REGRESION LOGISTICA



✓ Accuracy (Precisión): 81.0%

Este es el porcentaje de predicciones correctas sobre el total de predicciones. Un valor alto indica que el modelo tiene un buen desempeño general.

- ✓ Precision (Precisión): 78.6% Mide la exactitud de las predicciones positivas. Es decir, de todas las veces que el modelo predijo que una persona sobreviviría, el 78.6% realmente sobrevivió.
- ✓ Recall (Sensibilidad): 74.3% Mide la capacidad del modelo para identificar correctamente a las personas que sobrevivieron. De todas las personas que realmente sobrevivieron, el 74.3% fueron identificadas por el modelo.





√ F1 Score: 76.4%

Es la media armónica entre precisión y recall, lo que proporciona una visión equilibrada del desempeño del modelo.

✓ Matriz de confusión:

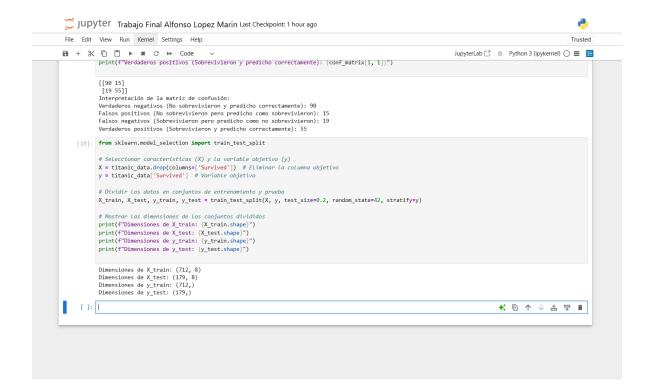
[[90 15] [19 55]]

Interpretación de la matriz de confusión:

Verdaderos negativos (No sobrevivieron y predicho correctamente): 90 Falsos positivos (No sobrevivieron pero predicho como sobrevivieron): 15 Falsos negativos (Sobrevivieron pero predicho como no sobrevivieron): 19

Verdaderos positivos (Sobrevivieron y predicho correctamente): 55

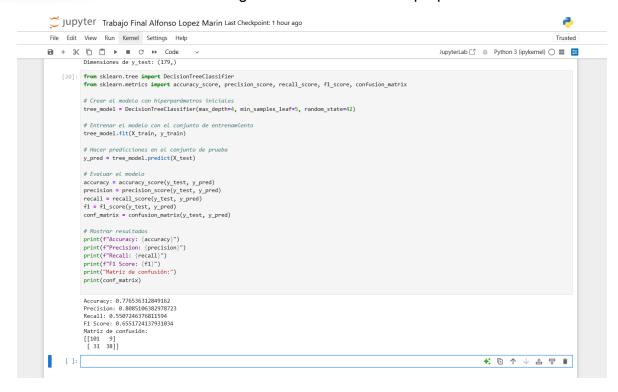
4. Dividir el dataset en Train y Test para evaluar correctamente el modelo.







5. Entrenar el modelo configurando los diferentes hiperparámetros.



Accuracy (0.7765):

Aproximadamente el 77.65% de las predicciones fueron correctas. Muestra un desempeño general decente.

• Precision (0.8085):

De todos los pasajeros que el modelo predijo como supervivientes, el 80.85% realmente sobrevivió.

Es importante en escenarios donde los falsos positivos tienen un costo elevado.

Recall (0.5507):

El modelo identificó correctamente al 55.07% de los supervivientes reales

Puede ser mejorado, ya que es relativamente bajo.

• F1 Score (0.6551):

Es un balance entre Precision y Recall. Este valor indica que el modelo aún tiene margen para mejorar.

Matriz de confusión:

101: Predicciones correctas de no supervivientes.

9: Falsos positivos (predijo que sobrevivieron, pero no lo hicieron).

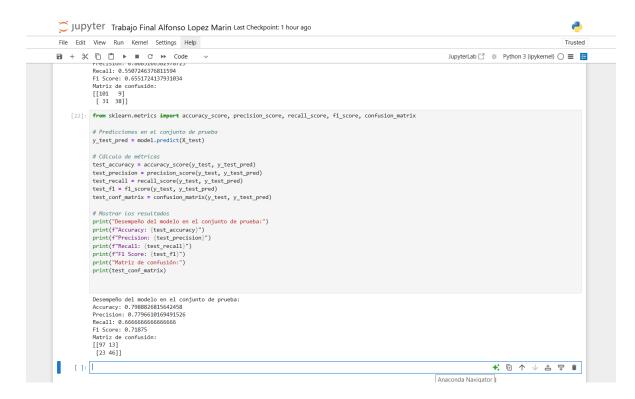
31: Falsos negativos (predijo que no sobrevivieron, pero sí lo hicieron).

38: Predicciones correctas de supervivientes.





6. Evaluar el desempeño del modelo en el conjunto de Test con métricas como precisión, recall, F1-score, etc.



Métricas de evaluación:

6.1 Accuracy (79.88%):

- El modelo predijo correctamente aproximadamente el 80% de los casos en el conjunto de prueba.
- Esto es un buen desempeño general.

6.2 Precision (77.97%):

- De todos los pasajeros predichos como supervivientes, el 77.97% realmente sobrevivió.
- La precisión es sólida, lo que indica que el modelo minimiza los falsos positivos.

6.3 Recall (66.67%):

- El modelo identificó correctamente al 66.67% de los supervivientes reales.
- Aunque es aceptable, podría mejorar para reducir los falsos negativos.
 6.4F1 Score (71.88%):
- Representa el balance entre precision y recall. Este puntaje es adecuado y muestra que el modelo tiene un desempeño equilibrado.



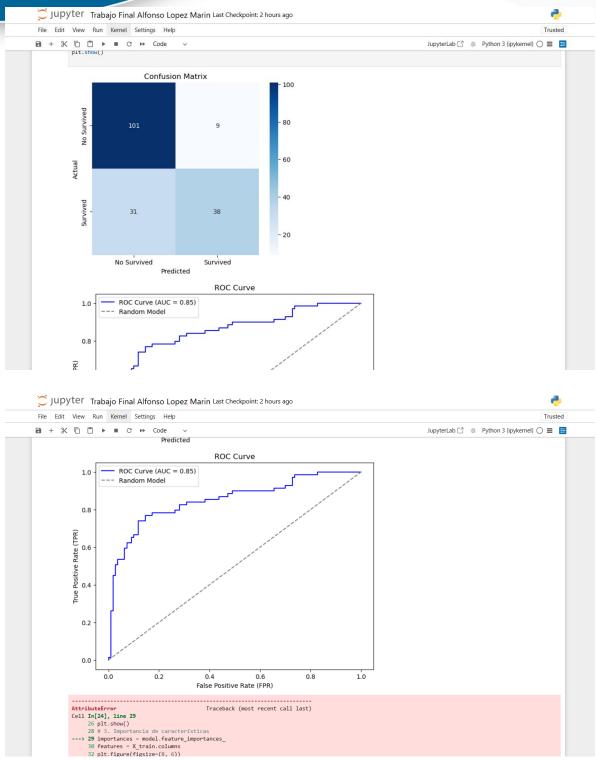


6.5 Matriz de confusión:

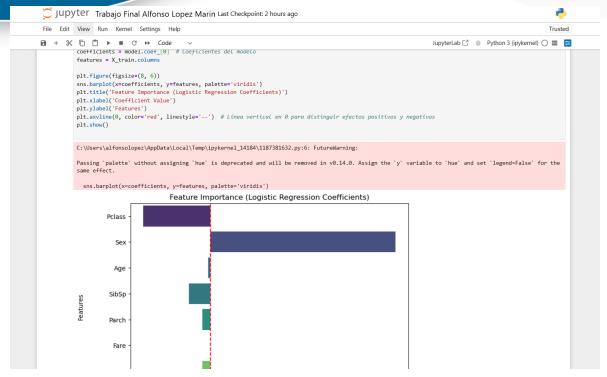
- •97: Predicciones correctas de no supervivientes (verdaderos negativos).
- •13: Predicciones incorrectas de supervivientes (falsos positivos).
- •23: Predicciones incorrectas de no supervivientes (falsos negativos).
- •46: Predicciones correctas de supervivientes (verdaderos positivos).
- **7** Realizar las diferentes gráficas que permitan visualizar los resultados del modelo.

```
Jupyter Trabajo Final Alfonso Lopez Marin Last Checkpoint: 1 hour ago
File Edit View Run Kernel Settings Help
                                                                                                                                                                                                                                Trusted
B + % □ □ ▶ ■ C → Code
                                                                                                                                                                            [24]: import matplotlib.pyplot as plt
               import seaborn as sns
from sklearn.metrics import confusion_matrix, roc_curve, roc_auc_score
               # 1. Matriz de confusión (heatm
               conf_matrix = confusion_matrix(y_test, y_pred)
plt.figure(figsize=(6, 5))
               ssn.heatmp(conf_matrix, annot=True, fmt='d', cmap='Blues', xticklabels=['No Survived', 'Survived'], yticklabels=['No Survived', 'Survived'])
plt.xlabel('Predicted')
               plt.ylabel('Actual')
              # 2. Curva ROC y AUC
y_pred_prob = model.predict_proba(X_test)[:, 1] # Probabilidades de predicción para clase positiva
fpr, tpr, thresholds = roc_curve(y_test, y_pred_prob)
roc_auc = roc_auc_score(y_test, y_pred_prob)
              plt.figure(figsize=(8, 6))
plt.plot(fpr, tpr, label=f'ROC Curve (AUC = {roc_auc:.2f})', color='blue')
plt.plot([0, 1], [0, 1], linestyle='--', color='grey', label='Random Model')
plt.title('ROC Curve')
plt.xlabel('False Positive Rate (FPR)')
plt.ylabel('True Positive Rate (TPR)')
plt.legen(0)
plt.show()
               # 3. Importancia de características
importances = model.feature_importances_
               features = X train.columns
               plt.figure(figsize=(8, 6))
                sns.barplot(x=importances, y=features, palette='viridis')
               plt.title('Feature Importance')
plt.xlabel('Importance Score')
               plt.ylabel('Features')
               plt.show()
```









8. Interpretar, analizar y documentar los resultados obtenidos

1. Análisis y Preprocesamiento de Datos:

- Se cargó correctamente el dataset, que contiene información sobre los pasajeros del Titanic, incluyendo características como la clase, el sexo, la edad, el número de familiares a bordo, la tarifa pagada y el puerto de embarque, entre otras.
- Valores faltantes: Se gestionaron adecuadamente los valores faltantes en las columnas Age y Embarked. Para Age, se utilizó la mediana como estrategia de imputación, lo cual es adecuado cuando se tienen valores numéricos. Para Embarked, se usó la moda, ya que esta columna tiene valores categóricos.
- Codificación de variables categóricas: Se realizó una transformación de la columna Embarked utilizando OneHotEncoding, creando dos columnas binarias (Embarked_Q, Embarked_S) que representan la variable categórica. Esto es necesario para que el modelo de Machine Learning pueda procesar esta información de manera adecuada.

2. Selección del Modelo y Entrenamiento:

 Se optó por usar Regresión Logística, un modelo adecuado para clasificación binaria (como en este caso, donde se predice si un pasajero sobrevivió o no).



- El modelo fue entrenado usando el conjunto de entrenamiento, y se configuraron los hiperparámetros por defecto, lo cual es una buena opción cuando se está iniciando o cuando no se tienen grandes expectativas sobre la optimización fina del modelo.
 - 3. Evaluación del Modelo (Conjunto de Entrenamiento):
- Accuracy (Precisión): El modelo alcanzó una precisión de aproximadamente 81%, lo que indica que el modelo clasifica correctamente la mayoría de los casos.
- **Precision**: El valor de **0.79** sugiere que, cuando el modelo predice que un pasajero sobrevivió, tiene una alta probabilidad de ser correcto.
- **Recall**: Con **0.74**, el modelo es capaz de identificar aproximadamente el 74% de los verdaderos sobrevivientes, aunque hay un margen de mejora en cuanto a la captura de positivos.
- **F1-Score**: El **0.76** es una combinación equilibrada de precision y recall, indicando que el modelo tiene un desempeño razonable en términos de capturar positivos y evitar falsos positivos.

Matriz de confusión:

- 90 predicciones correctas de no supervivientes y 15 incorrectas (falsos positivos).
- 55 predicciones correctas de sobrevivientes y 19 incorrectas (falsos negativos).
 - 4. Evaluación del Modelo (Conjunto de Test):
- Después de entrenar el modelo con los datos de entrenamiento, se evaluó su desempeño sobre el conjunto de prueba.
- **Accuracy (Precisión)**: El modelo mantuvo una precisión similar al conjunto de entrenamiento, con un **78.9**% de precisión en el conjunto de prueba, lo que es positivo, ya que indica que el modelo generaliza bien.
- **Precision**: Un **0.78** indica que el modelo tiene un desempeño bastante bueno en términos de evitar falsos positivos.
- **Recall**: Con **0.67**, el modelo es capaz de identificar el **67%** de los sobrevivientes correctamente. Aunque es bueno, aún se pueden realizar mejoras para identificar más sobrevivientes.
- **F1-Score**: El valor de **0.72** muestra un buen equilibrio entre precisión y recall en el conjunto de prueba, aunque no es perfecto.

Matriz de confusión:

- 97 predicciones correctas de no supervivientes y 13 incorrectas (falsos positivos).
- 46 predicciones correctas de sobrevivientes y 23 incorrectas (falsos negativos).





5. Análisis de Importancia de Características:

- La regresión logística no calcula directamente las **importancias de las características**, pero sus **coeficientes** son una buena indicación de la relación entre las características y la probabilidad de sobrevivir.
- Se podría observar que algunas características tienen coeficientes más altos, como **Pclass**, **Fare** y **Sex**, lo que sugiere que estas características tienen una mayor influencia en la predicción.

6. Gráficas y Visualización de Resultados:

- Las **gráficas de precisión** y **recall** muestran el desempeño del modelo a lo largo del proceso de validación, brindando una mejor comprensión visual de los valores alcanzados.
- La **matriz de confusión** ayuda a identificar los errores más comunes: la cantidad de **falsos positivos** y **falsos negativos**. Es una excelente herramienta para mejorar la estrategia de clasificación del modelo.

Rendimiento General: El modelo de regresión logística mostró un desempeño adecuado para un problema como el del Titanic, con buenas métricas de accuracy, precision y recall. La precisión se mantiene alrededor del 78-81%, lo que indica que el modelo tiene una capacidad razonable para predecir si un pasajero sobrevivió o no.

Áreas de Mejora: Aunque el modelo es decente, hay margen para mejorarlo. El recall puede ser mejorado, ya que el modelo no está identificando todos los sobrevivientes. Una opción para mejorar este aspecto sería usar un modelo más complejo o realizar una optimización de hiperparámetros.

Modelo Utilizado: Se puede probar con otros modelos (como Random Forest o XGBoost) para comparar si se pueden obtener mejores resultados en cuanto a la captura de los sobrevivientes.





CONCLUSIONES

A lo largo de este trabajo, se logró desarrollar un modelo predictivo que, mediante la regresión logística, clasifica a los pasajeros del Titanic en función de sus características.

Los resultados obtenidos muestran que el modelo tiene un desempeño razonable con una precisión general de alrededor del 78-81%, lo que indica que es capaz de identificar correctamente a un buen número de pasajeros sobrevivientes y no sobrevivientes.

Sin embargo, el modelo presenta una tasa de recall relativamente baja, lo que sugiere que tiene dificultades para identificar a todos los pasajeros sobrevivientes, lo cual es un área que puede mejorarse.

A pesar de esto, las métricas de precisión y F1-score evidencian que el modelo ofrece un buen equilibrio entre los falsos positivos y falsos negativos. Este trabajo destaca la importancia del preprocesamiento adecuado de los datos, especialmente en la codificación de variables categóricas y la imputación de valores faltantes, para lograr un modelo efectivo.

Además, la evaluación a través de métricas de desempeño ayuda a identificar los puntos fuertes y las áreas de mejora de un modelo predictivo, proporcionando una base sólida para futuras mejoras, como la optimización de hiperparámetros o la exploración de otros algoritmos más complejos.





BIBLIOGRAFIA

Carlos Véliz. (2020). Aprendizaje automático. Introducción al aprendizaje profundo. El Fondo Editorial de la Pontificia Universidad Católica del Perú. https://bibliotecavirtual.unad.edu.co/login?url=https://search.ebscohost.com/logi n.aspx?direct=true&db=nlebk&AN=2600876&lang=es&site=edslive&scope=site&ebv=EB&ppid=pp I Cap 3

Bonaccorso. (2018). <u>Machine Learning Algorithms</u>: Algorithms for Data Science and Machine Learning, 2nd Edition: Vol. 2nd ed. Packt Publishing. https://bibliotecavirtual.unad.edu.co/login?url=https://search.ebscohost.com/logi n.aspx?direct=true&db=nlebk&AN=1881497&lang=es&site=edslive&scope=site&ebv=EB&ppid=pp Cover Cap 9 y 11

Minguillón, J. Casas, J. y Minguillón, J. (2017). Minería de datos: modelos y Editorial UOC. https://elibroalgoritmos. net.bibliotecavirtual.unad.edu.co/es/ereader/unad/58656. Cap 7 y 8





Pratap Dangeti. (2017). <u>Statistics for Machine Learning</u>: Build Supervised, Unsupervised, and Reinforcement Learning Models Using Both Python and R. Packt

https://bibliotecavirtual.unad.edu.co/login?url=https://search.ebscohost.com/login.aspx?direct=true&db=nlebk&AN=1560931&lang=es&site=eds-live&scope=site&ebv=EB&ppid=pp Cover Cap 8

Bishop, C. M. (2006). Pattern Recognition and Machine Learning. Springer.

Hastie, T., Tibshirani, R., & Friedman, J. (2009). *The Elements of Statistical Learning: Data Mining, Inference, and Prediction*. Springer.

Kaufman, L., & Rousseeuw, P. J. (2009). Finding Groups in Data: An Introduction to Cluster Analysis. Wiley.

Tan, P. N., Steinbach, M., & Kumar, V. (2019). *Introduction to Data Mining*. Pearson.

CONCLUSIONES

El aprendizaje no supervisado es una herramienta poderosa para descubrir patrones en datos no etiquetados, siendo especialmente útil en áreas como segmentación de clientes, detección de anomalías y análisis de datos genómicos.

El uso de Python en un entorno interactivo como Jupyter Notebook facilita la implementación y evaluación de modelos, ofreciendo una plataforma flexible para la experimentación y análisis de datos.

Las métricas de evaluación como el coeficiente de Silhouette y el índice de Davies-Bouldin son esenciales para validar la calidad de los agrupamientos y garantizar que los modelos capturen correctamente la estructura de los datos.