



## Module 1: environnement Unix

introduction et méthodes

DU-Bii 2021

Hélène Chiapello & Pierre Poulain

# L'équipe



Hélène Chiapello



Julien Seiler



**Benoist Laurent** 



Thomas Denecker



Pierre Poulain



Paulette Lieby

# Le planning

Jour	Horaire	Description
lundi 01/03	après-midi	Premiers pas Manipuler des fichiers et des répertoires Manipuler les données d'un fichier. Éditeur de texte. Bonnes pratiques en bioinfo.
mardi 02/03	après-midi	Gestion de flux et extraction de données Enchainement de commandes, compression et archivage
jeudi 04/03	matin	Automatisation Notion de variable, programmation Bash
mardi 09/03	matin	Utilisation des ressources de calcul IFB Présentation du cluster IFB. Utilisation de SLURM.

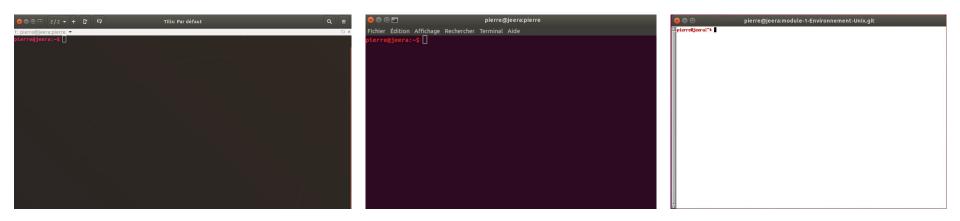
# Unix!

## Le shell

Une interface de commandes



### Une interface?

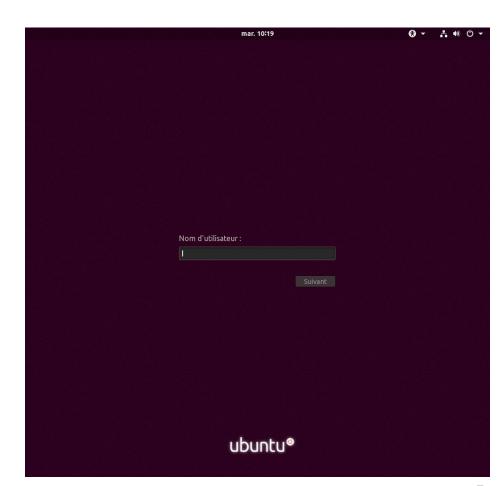


Interface graphique : le terminal

Interface de commandes (avec l'utilisateur) : le shell

# À vous!

- Obtenez vos identifiants sur les machines locales
- 2. Ouvrez votre session
- 3. Lancez un terminal
- 4. Lancez un navigateur web (Firefox ou Chrome)



### Une interface de commandes

Activités préparatoires sur Katacoda





https://www.wooclap.com/DUBII

# 183 réponses plus tard...



# Un dernière question 😉

Vous êtes dans le répertoire

/shared/bank/homo\_sapiens/hg19

Dans quel répertoire vous trouvez-vous après avoir exécuté la commande :

cd ../..?

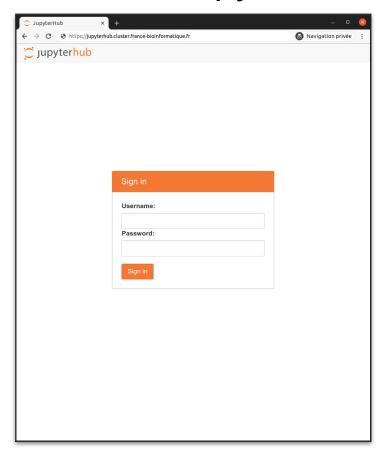
### Matériel de cours

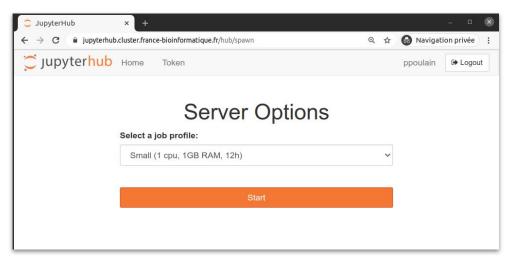
https://du-bii.github.io/module-1-Environnement-Unix/

ou plus court : <a href="https://huit.re/dubii-m1">https://huit.re/dubii-m1</a>

Tous les cours sont accessibles depuis <a href="https://du-bii.github.io/accueil/">https://du-bii.github.io/accueil/</a>

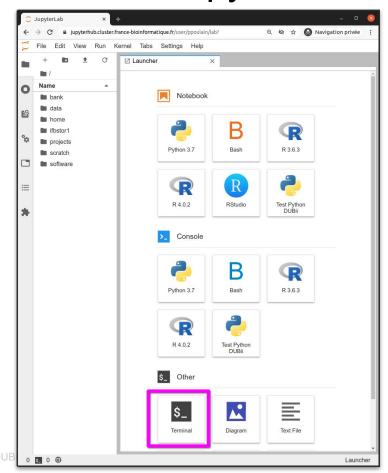
## Serveur Jupyter Hub de l'IFB

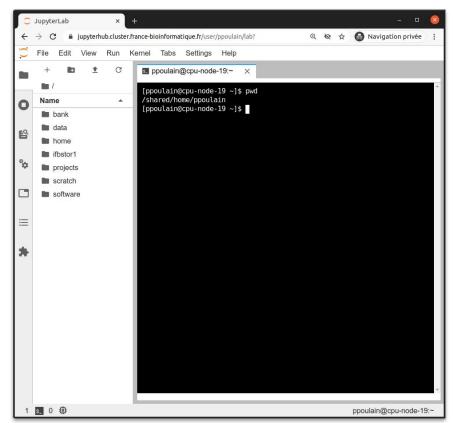




https://jupyterhub.cluster.france-bioinformatique.fr/

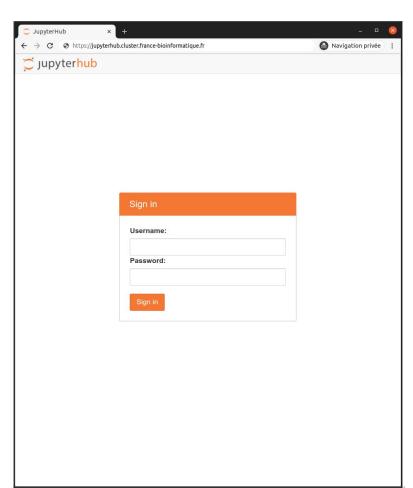
# Serveur Jupyter Hub de l'IFB





## À vous!

- Ouvrez la page du cours : https://huit.re/dubii-m1
- 2. Ouvrez une page vers le serveur Jupyter Hub de l'IFB <a href="https://jupyterhub.cluster.france-bioinformatique.fr/">https://jupyterhub.cluster.france-bioinformatique.fr/</a>
- 3. Identifiez-vous.
- Ouvrez un terminal.
- Démarrez le tutoriel de la séance 1



### **Tutoriel**

#### module-1-Environnement-Unix



View the Project on GitHub

DU-Bii/module-1-Environnement-Unix

#### Objectifs

- Répertoires : Afficher le chemin du répertoire courant. Afficher le contenu d'un répertoire. Changer de répertoire.
   Créer un répertoire.
- Aborescence Linux: Distinguer la notion de chemin absolu et relatif. Utiliser les raccourcis de l'arborescence Linux (., ., ., ~). Afficher l'arborescence Linux.
- Espace disque : Déterminer l'espace disque occupé par un fichier ou un répertoire.
- Fichier texte : Afficher le contenu d'un fichier texte, le modifier.
- Aide: Obtenir de l'aide et de la documentation sur une commande.
- Historique : Afficher l'historique des commandes. Rappeler une commande de l'historique.
- Redirection : Sauver le résultat d'une commande dans un fichier.

#### Partie 1 : Exploration de fichiers et de répertoires

Depuis le Jupyter Hub de l'IFB, lancez un terminal pour obtenir un shell.

#### Ensuite:

- Déplacez-vous dans votre répertoire personnel.
- Créez le répertoire dubii
- Déplacez-vous dans ce nouveau répertoire.
- Affichez le chemin du répertoire courant.
- Vérifiez que vous obtenez un chemin du type /shared/home/ppoulain/dubii où ppoulain est remplacé par votre nom d'utilisateur.

#### https://du-bii.github.io/module-1-Environnement-Unix/seance1/tutorial/