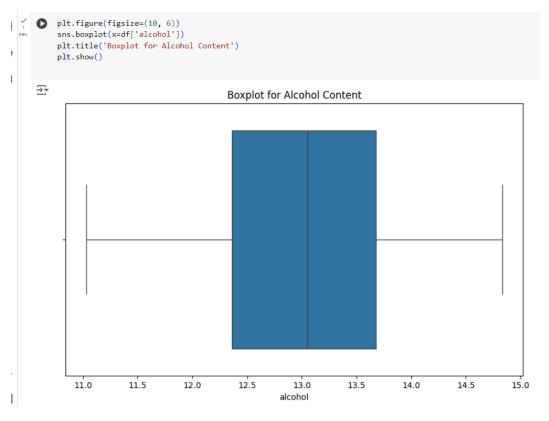
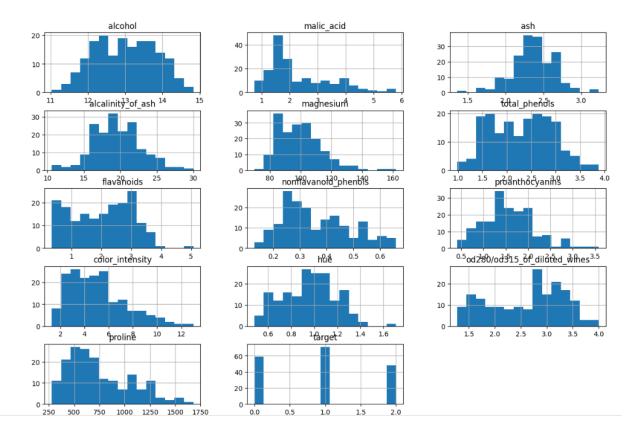
Иниятуллин Р.М. ИУ5Ц-83Б

```
import pandas as pd
    import matplotlib.pyplot as plt
    import seaborn as sns
    from sklearn.datasets import load_wine
    # Загрузка датасета
    wine = load_wine()
    df = pd.DataFrame(wine.data, columns=wine.feature_names)
    df['target'] = wine.target
    # Проверка на наличие пропусков
    print(df.isnull().sum())
    # В данном случае пропусков нет, но если бы они были, можно было бы их удалить:
    # df = df.dropna()
→ alcohol
                                     0
    malic_acid
    ash
    alcalinity_of_ash
    magnesium
    total_phenols
    {\sf flavanoids}
    {\tt nonflavanoid\_phenols}
    proanthocyanins
    color_intensity
    od280/od315_of_diluted_wines
    proline
    target
    dtype: int64
```

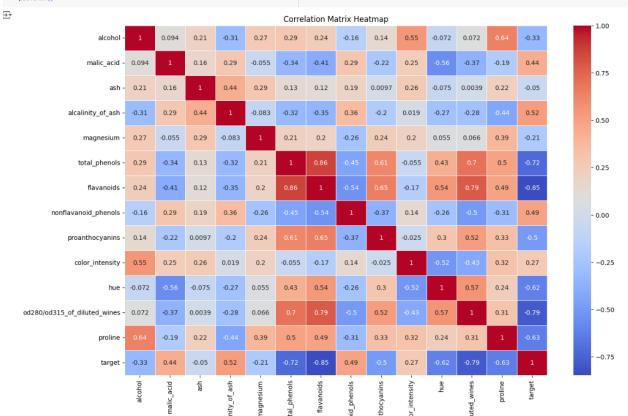


₹

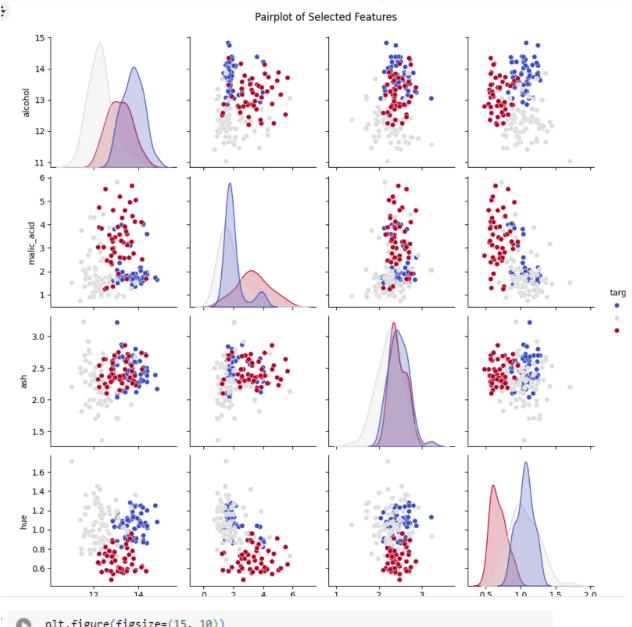
Histograms of All Features



plt.figure(figsize=(15, 10))
correlation_matrix = df.corr()
sns.heatmap(correlation_matrix, annot=True, cmap='coolwarm', linewidths=0.5)
plt.title('Correlation Matrix Heatmap')
nlt.show()



```
sns.pairplot(df, vars=['alcohol', 'malic_acid', 'ash', 'hue'], hue='target', palette='coolwarm')
plt.suptitle('Pairplot of Selected Features', y=1.02)
plt.show()
```



```
plt.figure(figsize=(15, 10))

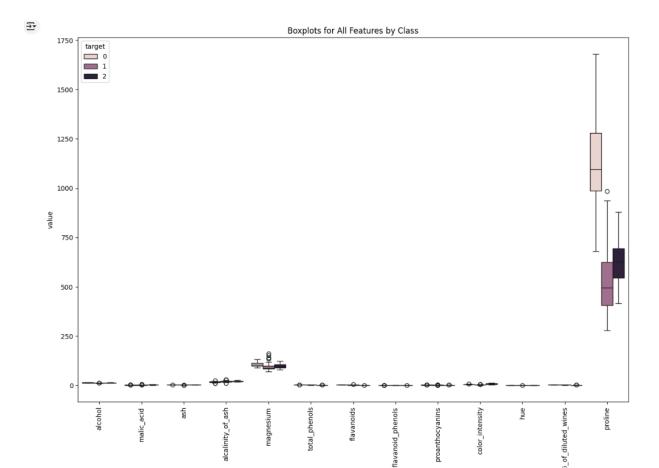
df_melted = df.melt(id_vars='target', var_name='feature', value_name='value')

sns.boxplot(x='feature', y='value', hue='target', data=df_melted)

plt.xticks(rotation=90)

plt.title('Boxplots for All Features by Class')

plt.show()
```



Матрица корреляции: Мы видим, что некоторые признаки имеют высокую корреляцию между собой, что может указывать на сильные связи между ними.

Гистограммы: Распределения некоторых признаков не являются нормальными и могут содержать выбросы.

Pairplot: Мы видим некоторые взаимосвязи между признаками, особенно с учетом разных классов.