

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky

Relazione di: Pellegrini Damiano 886261

Sanvito Marco 886493

Sommario

Il presente progetto si propone di confrontare soluzioni proprietarie e open-source per la risoluzione di sistemi lineari sparsi mediante la fattorizzazione di Cholesky. Verrà analizzato come, attraverso un'implementazione personalizzata, siano stati ottenuti risultati più accurati e veloci rispetto alle soluzioni proprietarie prese in esame, approfondendo le sfide incontrate durante il processo di sviluppo.

Indice

| Introduzione | |
|--|----|
| 1. Matlab | 2 |
| 1.1. Introduzione a MATLAB | 2 |
| 1.2. Fattorizzazione di Cholesky in MATLAB | 2 |
| 1.2.1. Funzione chol in MATLAB | 3 |
| 1.2.2. Analisi di CHOLMOD | 4 |
| 1.3. Implementazione in MATLAB | 4 |
| 1.3.1. Parametri analizzati | 4 |
| 1.3.2. Metodologia | 5 |
| 1.4. Documentazione di MATLAB | 5 |
| 1.5. Commenti | 5 |
| 2. C++ | 6 |
| 2.1. Introduzione a C++ | 6 |
| 2.2. Tool Chain C++ | 6 |
| 2.2.1. Ambiente Windows | 6 |
| 2.2.2. Ambiente Linux | 6 |
| 2.2.3. Ambiente MacOS | 7 |
| 2.3. Librerie C++ per la fattorizzazione di Cholesky | 7 |
| 2.3.1. SuiteSparse | 7 |
| 2.3.2. Eigen | 7 |
| 2.3.3. Fast Matrix Market | 8 |
| 2.4. Librerie BLAS e LAPACK | 8 |
| 2.4.1. Intel MKL | 8 |
| 2.4.2. OpenBLAS | 9 |
| 2.4.3. Apple Accelerate | 9 |
| 2.5. Implementazione in C++ | 9 |
| 2.5.1. Considerazioni generali | 9 |
| 2.5.2. Parametri analizzati | 9 |
| 2.5.3. Implementazione della fattorizzazione di Cholesky | 10 |
| 2.6. Documentazione e Integrazione Librerie C++ | 11 |
| 2.6.1. Eigen | 11 |
| 2.6.2. SuiteSparse | 11 |
| 2.6.3. Fast Matrix Market | 11 |
| 2.6.4. Librerie BLAS e LAPACK | 11 |
| 2.6.5. Conclusioni | 12 |
| 2.7. Commenti | 12 |
| 3. Risultati | 13 |
| 3.1. Specifiche del sistema | 13 |
| 3.2. Matrici analizzate | 13 |
| 3.3. Considerazioni Iniziali | 14 |
| 3.4. Risultati MATLAB | 14 |
| 3.4.1. Memoria | 15 |
| 3.4.2. Tempi | 16 |

| 3.4.3. Errore Relativo | |
|--|----|
| 3.5. Risultati C++ | |
| 3.5.1. Threads | |
| 3.5.2. Memoria | |
| 3.5.3. Tempi | |
| 3.5.4. Errore Relativo | |
| 3.6. Confronto MATLAB e C++ | |
| 3.6.1. Memoria | |
| 3.6.2. Tempi | 27 |
| 3.6.3. Errore Relativo | |
| 3.7. Considerazioni Finali sul Confronto | |
| 4. Conclusioni | |
| 5. Appendice Codici | |
| 5.1. C++ e CMake | |
| 5.2. MATLAB | |
| Bibliografia | 56 |

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 1 Sanvito Marco 886493

Introduzione

La fattorizzazione di Cholesky rappresenta un metodo efficiente per risolvere sistemi lineari quando la matrice dei coefficienti è simmetrica e definita positiva. Data una matrice A, la fattorizzazione di Cholesky produce una matrice triangolare inferiore L tale che:

$$A = L \cdot L^T \tag{1}$$

Dove:

- A è una matrice simmetrica definita positiva (il che implica che tutti i suoi autovalori sono strettamente positivi)
- L è una matrice triangolare inferiore
- L^T è la trasposta di L

Questa decomposizione risulta particolarmente utile nella risoluzione di sistemi lineari, nell'ottimizzazione numerica e nelle applicazioni statistiche.

Esiste anche una variante della fattorizzazione di Cholesky che introduce una matrice diagonale D, portando alla seguente espressione:

$$A = L \cdot D \cdot L^T \tag{2}$$

Dove:

- A è una matrice simmetrica definita positiva
- L è una matrice triangolare inferiore con diagonale unitaria (tutti gli elementi diagonali sono 1)
- Dè una matrice diagonale contenente i pivot della fattorizzazione
- L^T è la trasposta di L

Questa variante è particolarmente utile quando si desidera evitare di estrarre la radice quadrata degli elementi diagonali di L, semplificando così i calcoli e migliorando la stabilità numerica.

Nelle applicazioni pratiche, molti problemi ingegneristici e scientifici generano matrici di grandi dimensioni in cui la maggior parte degli elementi sono zero (matrici sparse). Questo porta a un problema durante la fattorizzazione di Cholesky, cioè la gestione del fill-in. Il fill-in è un fenomeno che si verifica durante la fattorizzazione di Cholesky, in cui gli zeri nella matrice originale diventano non zero nella matrice triangolare inferiore L. Questo può portare a un significativo aumento del numero di elementi non-zero e, di conseguenza, a maggiori requisiti di memoria e tempo di calcolo per la fattorizzazione. Il fill-in è fortemente influenzato dall'ordinamento delle righe e delle colonne della matrice originale e quindi un ordinamento appropriato può ridurre drasticamente il numero di elementi non-zero che appaiono durante la fattorizzazione. Sono stati quindi sviluppati diversi algoritmi e tecniche per ridurre il fill-in. Tra questi, uno dei più utilizzati è l'AMD (Approximate Minimum Degree), che opera riordinando le righe e colonne in base al grado dei nodi nel grafo associato alla matrice. Altri approcci includono l'ordinamento Nested Dissection e le tecniche di Minimum Fill.

In questa relazione, analizzeremo in dettaglio l'implementazione della fattorizzazione di Cholesky in MATLAB, esplorando le sue caratteristiche, i punti di forza e le eventuali limitazioni. Successivamente, applicheremo questi concetti per sviluppare un'implementazione open source in C++ (e se possibile un'implementazione comparabile a quella di MATLAB), confrontando approfonditamente le due soluzioni in termini di efficienza computazionale, gestione della

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 2 Pellegrini Damiano 886261

memoria e scalabilità su diverse tipologie di matrici sparse. Questo confronto ci permetterà di verificare se ha senso avventurarsi in librerie open source per la fattorizzazione di Cholesky, oppure se è più opportuno pagare per una libreria commerciale come MATLAB.

1. Matlab

1.1. Introduzione a MATLAB

MATLAB (acronimo di «MATrix LABoratory») è un ambiente di calcolo numerico avanzato e un linguaggio di programmazione di alto livello sviluppato da MathWorks. Concepito originariamente negli anni "70 dal matematico Cleve Moler come interfaccia user-friendly per le librerie numeriche LINPACK ed EISPACK, MATLAB si è evoluto in un ecosistema completo per il calcolo scientifico e l'analisi numerica, diventando uno strumento fondamentale in svariati campi scientifici e ingegneristici.

Le caratteristiche distintive che hanno contribuito al suo successo includono:

- Gestione nativa ed efficiente delle operazioni matriciali
- Vasta collezione di funzioni matematiche ottimizzate per diverse applicazioni computazionali
- Strumenti avanzati di visualizzazione scientifica e generazione di grafici interattivi
- Ambiente di sviluppo integrato (IDE) con funzionalità complete di debug e profiling
- Architettura estensibile attraverso toolbox specializzati per domini specifici (elaborazione segnali, ottimizzazione, machine learning, statistica, ecc.)
- Interfacce per l'integrazione con altri linguaggi di programmazione come C, C++ e Python

La sintassi di MATLAB è intuitiva e orientata alla risoluzione di problemi matematici, rendendo relativamente semplice l'implementazione di algoritmi complessi con poche righe di codice.

1.2. Fattorizzazione di Cholesky in MATLAB

MATLAB implementa la fattorizzazione di Cholesky attraverso la funzione built-in chol, specificamente progettata per determinare la decomposizione di Cholesky di una matrice simmetrica definita positiva. La funzione chol offre diverse varianti sintattiche per adattarsi a esigenze computazionali specifiche, di cui la principale è:

$$R = \operatorname{chol}(A) \tag{3}$$

Dove:

- A è una matrice simmetrica definita positiva (ovvero una matrice per cui tutti gli autovalori sono positivi)
- R è una matrice triangolare superiore tale che $A = R^T R$

Questa funzione realizza la fattorizzazione di Cholesky di una matrice simmetrica definita positiva A. Nel caso in cui A non sia simmetrica, MATLAB la tratta come se fosse simmetrica utilizzando solo la parte triangolare superiore. Se A non è definita positiva, MATLAB restituisce un errore.

Poiché il nostro caso si concentra su matrici sparse di dimensioni variabili, utilizzeremo la seguente sintassi:

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 3 Sanvito Marco 886493

$$[R, flag, p] = chol(A, 'vector')$$
(4)

Dove:

- A è una matrice simmetrica definita positiva
- \bullet R è una matrice triangolare superiore risultante dalla fattorizzazione
- flag è un indicatore che assume valore 0 se la matrice è definita positiva, 1 altrimenti
- p è un vettore di permutazione che ottimizza l'ordinamento delle righe e colonne di A

Per le matrici sparse di grandi dimensioni, un aspetto cruciale è la gestione del *fill-in* — fenomeno per cui elementi inizialmente nulli diventano non-zero durante la fattorizzazione, aumentando significativamente la complessità computazionale e l'utilizzo di memoria.

MATLAB affronta questo problema utilizzando l'algoritmo AMD (Approximate Minimum Degree), una strategia di riordinamento che analizza la struttura di sparsità della matrice e approssima una permutazione ottimale delle righe e colonne. Questa permutazione minimizza il fill-in atteso durante la fattorizzazione, riducendo notevolmente sia i requisiti di memoria che il tempo di calcolo.

La relazione matematica che esprime questa permutazione è:

$$R^T R = A(p, p) \tag{5}$$

dove p rappresenta il vettore di permutazione e A(p,p) indica la matrice A con righe e colonne riordinate secondo p. Questo approccio produce una fattorizzazione matematicamente equivalente ma computazionalmente molto più efficiente, con un fattore sparso R che preserva maggiormente la struttura di sparsità originale.

Questa implementazione consente di ridurre la complessità algoritmica da $O(n^3)$ nel caso denso a $O(nc \cdot \text{nnz}(A))$ nel caso sparso ben ordinato, dove nnz(A) rappresenta il numero di elementi non-zero. Questa complessità ottimizzata è ottenibile in casi favorevoli e dipende fortemente dall'efficacia del riordinamento e dalla struttura specifica della matrice.

1.2.1. Funzione chol in MATLAB

Per rendere più completo il confronto ed avere una base di partenza, abbiamo deciso di analizzare la struttura interna dell'implementazione di chol in MATLAB. Dall'analisi è emerso che questa funzione utilizza internamente il pacchetto CHOLMOD (CHOLesky MODification), un componente della libreria SuiteSparse T. Davis [1]. SuiteSparse rappresenta una raccolta completa e altamente ottimizzata di algoritmi per l'algebra lineare sparsa, sviluppata principalmente sotto la guida di Timothy A. Davis e disponibile come software open source su GitHub T. Davis [1].

Per verificare empiricamente l'utilizzo di SuiteSparse in MATLAB, abbiamo applicato, con piccole modifiche, uno script diagnostico che identifica le librerie matematiche sottostanti e le relative versioni tramite funzioni di debug non documentate. Lo script di partenza è disponibile presso undocumentedmatlab.com.

I risultati dello script confermano che MATLAB si affida effettivamente a molteplici componenti della libreria SuiteSparse per le operazioni su matrici sparse.

L'output generato dallo script ha evidenziato le seguenti librerie:

- Found: AMD version 2.2.0, May 31, 2007: approximate minimum degree ordering
- Found: colamd version 2.5, May 5, 2006: OK.

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 4 Pellegrini Damiano 886261

- Found: CHOLMOD version 1.7.0, Sept 20, 2008: : status: OK
- UMFPACK V5.4.0 (May 20, 2009), Control:
- SuiteSparseQR, version 1.1.0 (Sept 20, 2008)

1.2.2. Analisi di CHOLMOD

Approfondendo l'architettura del pacchetto CHOLMOD, abbiamo scoperto che questo si basa essenzialmente sulle librerie BLAS (Basic Linear Algebra Subprograms) e LAPACK (Linear Algebra PACKage) per eseguire operazioni di algebra lineare ad alte prestazioni. Ulteriori dettagli sul funzionamento di queste librerie sono consultabili presso netlib.org/blas [2] e netlib.org/lapack [3].

Queste librerie esistono in diverse implementazioni, ciascuna ottimizzata per architetture hardware specifiche. Le implementazioni più diffuse includono OpenBLAS (ottimizzata per molteplici architetture), Apple Accelerate (Implementazione per sistemi operativi MacOS) e Intel MKL (oneAPI Math Kernel Library), quest'ultima particolarmente performante su processori Intel.

Nel caso specifico di MATLAB su Windows e Linux, l'implementazione utilizzata è Intel MKL, che garantisce prestazioni ottimali su architetture x86 e x86-64.

È possibile verificare questa configurazione attraverso i seguenti comandi MATLAB: version("-blas") version("-lapack")

I risultati ottenuti sono i seguenti (la versione potrebbe variare a seconda della release di MATLAB):

ans = "Intel(R) oneAPI Math Kernel Library Version 2024.1-Product Build 20240215 for Intel(R) 64 architecture applications (CNR branch AVX2)" ans = "Intel(R) oneAPI Math Kernel Library Version 2024.1-Product Build 20240215

for Intel(R) 64 architecture applications (CNR branch AVX2) supporting Linear Algebra PACKage (LAPACK 3.11.0)"

Dato che Intel MKL e Apple Accelerate sono librerie commerciali, abbiamo deciso di fare non solo un confronto tra MATLAB e Open Source, ma anche di analizzare le differenze tra le varie implementazioni di BLAS e LAPACK.

1.3. Implementazione in MATLAB

1.3.1. Parametri analizzati

Tempo di esecuzione:

- loadTime: tempo necessario per caricare la matrice dal file in formato MATLAB (MAT) (ms)
- **decompTime:** tempo per eseguire la fattorizzazione di Cholesky (ms)
- solveTime: tempo per risolvere un sistema lineare usando i fattori (ms)

Per il calcolo del tempo, abbiamo utilizzato il profiler di MATLAB attraverso profile, che misurano il tempo di esecuzione assieme ad altre informazioni di un blocco di codice.

Utilizzo di memoria:

- loadMem: memoria utilizzata per caricare la matrice (Bytes)
- **decompMem:** memoria utilizzata per la fattorizzazione (Bytes)

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 5 Sanvito Marco 886493

• solveMem: memoria utilizzata per trovare la soluzione (Bytes)

Per il calcolo della memoria, abbiamo utilizzato una funzionalità del profiler di MATLAB non documentata, che permette di calcolare la memoria utilizzata in una porzione di codice. Ovviamente, essendo non documentata, non è garantita la sua stabilità e correttezza, ma l'abbiamo ritenuto il metodo migliore per il calcolo la memoria utilizzata.

Per utilizzare questa funzionalità, abbiamo usato il comando profile -memory on che avvisa il profiler di tenere traccia della memoria utilizzata.

Accuratezza:

• Errore Relativo: errore relativo della soluzione calcolata rispetto alla soluzione attesa

1.3.2. Metodologia

Per ogni matrice, abbiamo eseguito i seguenti passaggi:

- Caricamento della matrice in memoria da file in formato MATLAB
- Esecuzione della fattorizzazione di Cholesky sulla matrice
- Risoluzione del sistema lineare Ax = b
- Calcolo dell'errore relativo tra la soluzione calcolata e quella attesa

Per risolvere il sistema lineare $Ac \cdot x = b$ dove il termine b è noto ed è scelto in modo che la soluzione esatta sia il vettore $x_e = [1, 1, 1, 1, 1, 1, \dots]$, cioè $b = Ac \cdot x_e$.

I risultati vengono poi esportati in un file CSV per successiva analisi e confronto con altre implementazioni.

1.4. Documentazione di MATLAB

MATLAB, in quanto software commerciale, presenta una documentazione eccellente: ben strutturata, dettagliata e arricchita da numerosi esempi applicativi. L'ecosistema integrato di funzioni predefinite e toolbox specializzati consente agli utenti di implementare rapidamente soluzioni a problemi complessi con un minimo di codice, riducendo significativamente i tempi di sviluppo rispetto a soluzioni che richiederebbero l'integrazione manuale di diverse librerie.

Questo rappresenta un vantaggio sostanziale rispetto a molte alternative open source, dove la documentazione può risultare frammentaria, incompleta o non aggiornata. In ambito scientifico e ingegneristico, la rapidità di prototipazione e sviluppo offerta da MATLAB giustifica spesso l'investimento economico, soprattutto considerando i costi indiretti legati al tempo di sviluppo.

Tuttavia, è importante evidenziare alcune limitazioni. La documentazione ufficiale, pur essendo esaustiva nell'illustrare l'utilizzo delle funzioni, raramente rivela i dettagli implementativi sottostanti. Nel caso della fattorizzazione di Cholesky, ad esempio, la documentazione specifica parametri e comportamenti attesi, ma non approfondisce gli algoritmi utilizzati o le ottimizzazioni applicate. Questa opacità può risultare problematica durante il debugging di casi particolari o quando si necessita di comprendere le ragioni di determinati comportamenti computazionali.

1.5. Commenti

Un aspetto particolarmente interessante emerso dalla nostra analisi riguarda l'architettura interna di MATLAB: alcune funzionalità core, inclusa la fattorizzazione di Cholesky, si basano su librerie open source come SuiteSparse, ottimizzate tramite implementazioni non open-source,

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 6 Pellegrini Damiano 886261

ma con licenza libera previa citazione, utilizzabili di BLAS/LAPACK come Intel MKL. Questo solleva interrogativi legittimi sul valore aggiunto del software commerciale rispetto all'utilizzo diretto delle librerie open source sottostanti.

Il valore di MATLAB risiede quindi non tanto nell'esclusività degli algoritmi implementati, quanto nell'integrazione di questi in un ambiente coerente, ben documentato e ottimizzato per la produttività scientifica. La questione se questo valore aggiunto giustifichi il costo di licenza dipende fortemente dal contesto applicativo, dalle esigenze specifiche dell'utente e dai vincoli di tempo e risorse del progetto. Nell'ambito della ricerca, non a scopo di lucro, sviluppare uno strumento che faccia utilizzo di librerie commerciali/proprietarie e open-source potrebbe rivelarsi ragionevole.

2. C++

2.1. Introduzione a C++

C++ rappresenta una scelta ottimale per l'implementazione di algoritmi di algebra lineare grazie alle sue caratteristiche di efficienza, controllo di basso livello e supporto per la programmazione orientata agli oggetti.

Nel contesto della fattorizzazione di Cholesky, C++ ci permette di:

- Ottimizzare le operazioni su matrici sparse di grandi dimensioni
- Integrare librerie specializzate per l'algebra lineare
- Controllare precisamente l'allocazione della memoria
- Sfruttare costrutti template per implementazioni generiche

2.2. Tool Chain C++

Per lo sviluppo del nostro progetto abbiamo utilizzato diversi strumenti in base all'ambiente operativo:

2.2.1. Ambiente Windows

In ambiente Windows, la nostra implementazione si è basata su:

- Microsoft Visual C++ (MSVC): Il compilatore ufficiale di Microsoft che offre ottimizzazioni specifiche per architetture Intel/AMD.
- Intel Fortran Compiler (IFX): Compilatore Intel per Fortran che abbiamo utilizzato per compilare alcune componenti di SuiteSparse.
- CMake: Sistema cross-platform per la gestione del processo di build, permettendo di generare progetti Visual Studio nativi mantenendo la portabilità del codice. La configurazione CMake ha facilitato l'integrazione delle diverse librerie utilizzate nel progetto.

2.2.2. Ambiente Linux

Per garantire la portabilità del codice e per effettuare test comparativi, abbiamo anche utilizzato:

• **GNU Compiler Collection (GCC)**: Compilatore C++ standard in ambienti Linux, utilizzato nella versione 11.3 con pieno supporto per C++17.

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 7 Sanvito Marco 886493

- GNU Fortran (GFortran): Necessario per compilare alcune componenti delle librerie BLAS e LAPACK utilizzate dal progetto.
- CMake: Sistema cross-platform per la gestione del processo di build, permettendo di generare progetti Visual Studio nativi mantenendo la portabilità del codice. La configurazione CMake ha facilitato l'integrazione delle diverse librerie utilizzate nel progetto.

2.2.3. Ambiente MacOS

Per testare un ambiente più professionale ed utilizzare una libreria proprietaria differente, ci siamo forniti di:

- Apple clang (clang): Compilatore C++ standard in ambienti Apple MacOS, utilizzato nella versione 17.0.0 con pieno supporto per C++17.
- GNU Fortran (GFortran): Necessario per compilare alcune componenti delle librerie BLAS e LAPACK utilizzate dal progetto.
- CMake: Sistema cross-platform per la gestione del processo di build, permettendo di generare progetti Visual Studio nativi mantenendo la portabilità del codice. La configurazione CMake ha facilitato l'integrazione delle diverse librerie utilizzate nel progetto.

2.3. Librerie C++ per la fattorizzazione di Cholesky

2.3.1. SuiteSparse

SuiteSparse fornisce algoritmi altamente ottimizzati per matrici sparse. In particolare, abbiamo integrato CHOLMOD (con le sue dipendenze), la componente specializzata per la fattorizzazione di Cholesky di matrici sparse simmetriche definite positive, con licenza GNU LGPL.

CHOLMOD offre prestazioni superiori rispetto altre implementazioni per matrici di grandi dimensioni grazie a:

- Algoritmi di ordinamento avanzati (AMD, COLAMD, METIS) che riducono il fill-in durante la fattorizzazione
- Decomposizione supernodale che sfrutta operazioni BLAS di livello 3
- Supporto per calcoli multithreaded che sfruttano processori multi-core
- Gestione ottimizzata della memoria che riduce il sovraccarico per matrici molto sparse

2.3.2. Eigen

Eigen è una libreria C++ header-only di algebra lineare ad alte prestazioni, completamente sviluppata in template per massimizzare l'ottimizzazione in fase di compilazione, con licenza MPL2.

Una caratteristica distintiva di Eigen è la sua architettura estensibile che permette l'integrazione con diverse librerie esterne specializzate. Nel nostro progetto, abbiamo scelto di utilizzare l'interfaccia con CHOLMOD di SuiteSparse:

• Interfaccia CHOLMOD: Abbiamo sfruttato principalmente il modulo CholmodSupport di Eigen che permette di utilizzare gli algoritmi avanzati di CHOLMOD mantenendo la sintassi familiare di Eigen.

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 8 Pellegrini Damiano 886261

- Alternative considerate: Sarebbe stato possibile utilizzare l'implementazione nativa di Eigen (SimplicialLLT) con o senza supporto BLAS/LAPACK, che risulta adeguata per matrici di dimensioni moderate, ma dato che volevamo basarci sull'implementazione di MATLAB abbiamo optato per l'altra strada.
- Alternative proprietarie: Eigen supporta anche interfacce verso librerie proprietarie come Pardiso di Intel one API e Accelerate di Apple, che offrono implementazioni altamente ottimizzate ma non open-source.

Per la fattorizzazione di Cholesky, il nostro approccio primario è stato:

CholmodSupport::CholmodDecomposition che delega il calcolo effettivo a CHOLMOD, beneficiando degli algoritmi di ordinamento avanzati e dell'ottimizzazione per sistemi multi-core e scegliendo in automatico che algoritmo di ordinamento usare e che tipo di fattorizzazione (supermodal vs simplicial).

La flessibilità di Eigen ci ha permesso di integrare efficacemente la potenza di CHOLMOD mantenendo un'interfaccia coerente e familiare nel codice principale, senza compromettere l'approccio open-source del progetto.

2.3.3. Fast Matrix Market

Per la lettura delle matrici sparse dal formato Matrix Market (MTX), abbiamo integrato la libreria Fast Matrix Market, con licenza BSD-2. Questa libreria ha consentito di importare efficientemente dataset di test di grandi dimensioni.

Fast Matrix Market si distingue per:

- Lettura parallelizzata che sfrutta tutti i core disponibili
- Parsing efficiente che riduce significativamente i tempi di caricamento
- Integrazione diretta con Eigen senza necessità di conversioni intermedie
- Supporto per diverse precisioni numeriche (float, double, complex)

2.4. Librerie BLAS e LAPACK

Le librerie BLAS (Basic Linear Algebra Subprograms) e LAPACK (Linear Algebra PACKage) rappresentano fondamenti essenziali per l'algebra lineare computazionale. Queste librerie standardizzate forniscono implementazioni ottimizzate di operazioni matriciali e vettoriali di base che costituiscono i blocchi fondamentali per algoritmi più complessi, inclusa la fattorizzazione di Cholesky.

2.4.1. Intel MKL

Intel Math Kernel Library (MKL) rappresenta l'implementazione commerciale di riferimento per BLAS e LAPACK, sviluppata e ottimizzata specificamente per processori Intel. Questa libreria offre prestazioni eccezionali su architetture x86 e x86-64 grazie a:

- Ottimizzazioni a livello di microarchitettura che sfruttano set di istruzioni specifici (AVX, AVX2, AVX-512)
- Parallelizzazione automatica che utilizza efficacemente processori multi-core
- Gestione intelligente della cache e della memoria per massimizzare il throughput
- Routine specializzate per matrici sparse che riducono significativamente il tempo di calcolo

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 9 Sanvito Marco 886493

2.4.2. OpenBLAS

OpenBLAS rappresenta l'alternativa open source più matura a Intel MKL, offrendo prestazioni competitive su diverse architetture hardware. Questa libreria deriva dal progetto GotoBLAS2 e si distingue per:

- Ottimizzazioni specifiche per diverse architetture (Intel, AMD, ARM, POWER)
- Supporto per parallelismo multi-thread attraverso implementazione OpenMP
- Compatibilità con l'interfaccia CBLAS standard
- Prestazioni scalabili fino a 256 core

2.4.3. Apple Accelerate

Accelerate è il framework di calcolo numerico sviluppato da Apple e integrato nativamente nei sistemi operativi macOS e iOS. Include implementazioni ottimizzate di BLAS e LAPACK specificamente progettate per l'hardware Apple, inclusi i processori M-Series basati su architettura Apple Silicon (ARM).

Caratteristiche distintive di Accelerate includono:

- Ottimizzazioni specifiche per chip Apple Silicon
- Integrazione profonda con l'ecosistema di librerie Apple e supporto per tecnologie come Grand Central Dispatch
- Supporto per calcoli vettoriali SIMD attraverso il framework vDSP
- Bilanciamento automatico tra prestazioni ed efficienza energetica

2.5. Implementazione in C++

2.5.1. Considerazioni generali

Avendo accesso al codice sorgente volendo è possibile adattare il codice alla risoluzione di un problema specifico, nel nostro caso abbiamo mantenuto un implementazione piuttosto generica, date le diverse matrici da trattare.

2.5.2. Parametri analizzati

A differenza di MATLAB, andiamo a ottenere anche il tipo di BLAS e il numero di thread utilizzati per l'esecuzione, nello specifico abbiamo misurato:

Tempo di esecuzione:

- loadTime: tempo necessario per caricare la matrice dal file in formato Matrix Market (MTX) (ms)
- decompTime: tempo per eseguire la fattorizzazione di Cholesky (ms)
- solveTime: tempo per risolvere un sistema lineare usando i fattori (ms)

Per misurare il tempo con precisione, abbiamo utilizzato le funzionalità della libreria standard C++:

```
auto start = std::chrono::high_resolution_clock::now();
// Operazione da misurare
auto end = std::chrono::high_resolution_clock::now();
auto duration =
    std::chrono::duration_cast<std::chrono::milliseconds>(
        end - start
    ).count();
```

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 10 Pellegrini Damiano 886261

Utilizzo di memoria:

- loadMem: memoria utilizzata per caricare la matrice (Bytes)
- decompMem: memoria utilizzata per la fattorizzazione (Bytes)
- solveMem: memoria utilizzata per trovare la soluzione (Bytes)

Il calcolo della memoria per le operazioni di caricamento della matrice è stato implementato manualmente, considerando:

```
size_t valuesSize = A.nonZeros() * sizeof(double);
size_t innerIndicesSize = A.nonZeros() * sizeof(int64_t);
size_t outerIndicesSize = (A.outerSize() + 1) * sizeof(int64_t);
auto loadMem = valuesSize + innerIndicesSize + outerIndicesSize;
```

Invece per il calcolo della memoria per le operazioni di fattorizzazione e risoluzione, abbiamo modificato parte del codice di CHOLMOD, aggiungendo un contatore per la memoria allocata. Questo contatore viene resettato prima di ogni operazione e aggiornato durante l'allocazione della memoria.

```
solver.cholmod().memory_allocated = 0; // Reset contatore
// Operazione da misurare
auto operationMem = solver.cholmod().memory_allocated;
Accuratezza:
```

• Errore Relativo: errore relativo della soluzione calcolata rispetto alla soluzione attesa Per ridurre l'errore nel calcolo dell'errore evitando il calcolo una delle due radici, abbiamo ricavato la seguente formula:

$$\sqrt{\frac{\|x - x_e\|^2}{\|x\|^2}} = \frac{\|x - x_e\|_2}{\|x\|_2} \tag{6}$$

Dove dato

$$\frac{\|x - x_e\|_2}{\|x\|_2} = \frac{\sqrt{(x - x_e) \cdot (x - x_e)}}{\sqrt{x \cdot x}}$$
 (7)

con · prodotto scalare tra vettori, ho che

$$\frac{\|x - x_e\|^2}{\|x\|^2} = \frac{(x - x_e) \cdot (x - x_e)}{x \cdot x} \tag{8}$$

ovvero le somme delle componenti del vettore al quadrato.

2.5.3. Implementazione della fattorizzazione di Cholesky

In linea con l'approccio MATLAB, abbiamo implementato la fattorizzazione di Cholesky utilizzando la libreria CHOLMOD attraverso l'interfaccia fornita da Eigen:

```
Eigen::CholmodDecomposition<SparseMatrix> solver;
solver.compute(A); // Fattorizzazione della matrice A
xe = solver.solve(b); // Risoluzione del sistema Ax = b
```

Questa interfaccia consente di sfruttare le ottimizzazioni avanzate di CHOLMOD, inclusi gli algoritmi di ordinamento e la decomposizione supernodale, mantenendo al contempo la sintassi familiare di Eigen. La libreria CHOLMOD gestisce automaticamente la scelta dell'algoritmo di

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 11 Sanvito Marco 886493

ordinamento e del tipo di composizione più adatto in base alla struttura della matrice, ottimizzando così le prestazioni della fattorizzazione.

2.6. Documentazione e Integrazione Librerie C++

Per integrare efficacemente le librerie C++ nel nostro progetto, abbiamo dovuto affrontare diverse sfide legate alla documentazione e alla configurazione.

2.6.1. Eigen

La documentazione di Eigen rappresenta un eccellente esempio di riferimento tecnico per progetti open-source:

Completezza: Tutorial dettagliati, guida per le classi e documentazione delle API generata con Doxygen. Esempi: Numerosi esempi di codice che coprono tutti i moduli principali. Integrazione: Essendo header-only, l'integrazione richiede solo l'inclusione dei file header senza necessità di linking. Moduli esterni: La documentazione sul modulo CholmodSupport è più limitata rispetto ai moduli principali, richiedendo talvolta la consultazione del codice sorgente. L'integrazione di Eigen nel progetto è stata generalmente agevole grazie alla semplicità del modello header-only e ai chiari esempi disponibili nella documentazione ufficiale.

2.6.2. SuiteSparse

La documentazione di SuiteSparse, e in particolare di CHOLMOD, presenta caratteristiche distintive:

Documentazione scientifica: Articoli accademici dettagliati che descrivono gli algoritmi implementati. Documentazione tecnica: File README e documentazione interna al codice che descrivono l'API C. Limitazioni: Minore enfasi sugli esempi di integrazione in progetti C++ moderni. Build system: Documentazione limitata sull'integrazione con sistemi di build. Nonostante l'eccellente documentazione degli algoritmi sottostanti, l'integrazione di SuiteSparse ha richiesto maggiore impegno, specialmente per configurare correttamente le dipendenze tra i vari componenti. T. Davis [1]

2.6.3. Fast Matrix Market

La libreria Fast Matrix Market offre una documentazione concisa ma efficace:

GitHub README: Documenta chiaramente l'API principale e i casi d'uso comuni. Esempi: Include esempi di integrazione con Eigen che hanno facilitato significativamente l'adozione. Integrazione CMake: Fornisce configurazioni CMake moderne con supporto per find_package. L'integrazione di Fast Matrix Market è stata notevolmente semplice grazie alla documentazione mirata e agli esempi pratici, permettendo una rapida implementazione della lettura di matrici sparse in formato MTX.

2.6.4. Librerie BLAS e LAPACK

Le sfide più significative nel progetto sono emerse dall'integrazione delle implementazioni BLAS e LAPACK:

Documentazione frammentata: Ogni implementazione (Intel MKL, OpenBLAS, Accelerate) presenta una propria documentazione con convenzioni e approcci di configurazione diversi, ma questo non ha rappresentato il problema principale.

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 12 Pellegrini Damiano 886261

Difficoltà CMake: Abbiamo riscontrato notevoli difficoltà nell'integrazione attraverso CMake: Mancanza di moduli CMake standardizzati per il rilevamento delle diverse implementazioni, rendendo inefficaci i moduli standard come FindBLAS e FindLAPACK. Necessità di linkare manualmente le librerie specificando esattamente i percorsi e i componenti richiesti, invece di poter utilizzare i meccanismi automatizzati di CMake. Configurazioni diverse richieste per Windows (MKL/MSVC) e Linux (OpenBLAS/GCC). Conflitti di simboli: In alcuni casi, quali l'utilizzo dell'interfaccia standard ILP64 LAPACK 3.11.0 dell'implementazione di Apple Accelerate ha causato conflitti di simboli difficili da risolvere.

2.6.5. Conclusioni

Dall'esperienza di integrazione delle diverse librerie, abbiamo tratto importanti conclusioni: Le librerie con documentazione orientata agli esempi (Eigen, Fast Matrix Market) hanno richiesto tempi di integrazione significativamente minori.

Le dipendenze transitive non documentate tra librerie C/C++ rappresentano una sfida significativa per l'integrazione tramite CMake.

L'approccio più efficace è risultato essere lo sviluppo di configurazioni CMake modulari che isolano le complessità di ogni libreria.

La documentazione delle librerie di algebra lineare spesso privilegia la descrizione matematica degli algoritmi a scapito dei dettagli di integrazione tecnica.

Queste sfide di integrazione, sebbene impegnative, hanno permesso di sviluppare un sistema robusto e flessibile che può adattarsi a diverse implementazioni BLAS/LAPACK mantenendo un'interfaccia coerente attraverso Eigen.

2.7. Commenti

Il nostro progetto ha dimostrato con successo l'integrazione di librerie specializzate per l'algebra lineare in un ecosistema C++ moderno. Utilizzando Eigen come interfaccia ad alto livello e SuiteSparse (in particolare CHOLMOD) come motore di calcolo per la fattorizzazione di Cholesky, siamo riusciti a costruire un sistema flessibile e performante, capace di gestire matrici sparse di grandi dimensioni.

Un aspetto distintivo della nostra implementazione è stata la capacità di sfruttare diverse implementazioni di BLAS e LAPACK (Intel MKL, OpenBLAS, Accelerate), permettendoci di confrontare direttamente le prestazioni di soluzioni commerciali e open-source. Questa flessibilità ci ha consentito di simulare efficacemente il comportamento di MATLAB, che utilizza internamente CHOLMOD con implementazioni BLAS ottimizzate.

L'obiettivo principale dell'esperimento era verificare se un'alternativa completamente opensource potesse offrire prestazioni paragonabili alla soluzione commerciale di MATLAB.

Per quanto l'ideazione di una soluzione artigianale possa sembrare complicato, lo sviluppo del codice in se è stata forse la parte meno impegnativa. Maggiori difficoltà invece, le abbiamo incontrate nell'integrazione delle diverse librerie, specialmente quelle legate a BLAS e LAPACK, hanno rivelato la necessità di migliorare gli strumenti di build e la documentazione per questi componenti fondamentali dell'ecosistema di calcolo scientifico.

Nonostante queste sfide, il nostro progetto dimostra che è possibile costruire una piattaforma di calcolo numerico avanzata basata interamente su tecnologie open-source, offrendo un'alternativa

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 13 Sanvito Marco 886493

valida a soluzioni commerciali come MATLAB per applicazioni che richiedono la fattorizzazione di Cholesky su matrici sparse di grandi dimensioni.

3. Risultati

3.1. Specifiche del sistema

Specifiche del sistema per Windows:

- Processore: Intel(R) Core(TM) i7-7700HQ CPU @ 2.80GHz 2.81 GHz
- Architettura: Sistema operativo a 64 bit, processore basato su x64
- RAM installata: 16 GB
- Archiviazione: 238 GB SSD e 1 TB SSD Esterno
- Scheda grafica: NVIDIA GeForce GTX 1060 with Max-Q Design (6 GB)
- Memoria Virtuale: 7680 MB su SSD e 32768 MB su HDD Esterno
- Sistema operativo Windows: Windows 10 Home

Specifiche del sistema per Linux:

Processore, Architettura, RAM, Archiviazione e Scheda Grafica sono gli stessi del sistema Windows.

- Memoria Virtuale: 40448 MB su HDD Esterno
- Sistema operativo Linux: WSL 2 con Ubuntu 25.04

La memoria virtuale era possibile averla solo su un solo disco, quindi è stata scelta (per mancanza di spazio) quella dell'HDD esterno.

Specifiche del sistema per MacOS:

- **Processore**: Apple M1 Pro
- Architettura: ARM64 (10 core)
- RAM installata: 16 GB
 Archiviazione: 1 TB SSD
- Scheda grafica: Apple M1 Pro GPU (16 core)
- Memoria Virtuale: 56 GB su SSD
- Sistema operativo: MacOS Sonoma 15.4

3.2. Matrici analizzate

Ordinate in base al numero di elementi non zero, le matrici analizzate sono:

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 14 Pellegrini Damiano 886261

| Nome Matrice | Righe & Colonne | Valori non zero |
|----------------|-----------------|-----------------|
| ex15 | 6867 | 98671 |
| shallow_water1 | 81920 | 327680 |
| cfd1 | 70656 | 1828364 |
| cfd2 | 123440 | 3087898 |
| parabolic_fem | 525825 | 3674625 |
| apache2 | 715176 | 4817870 |
| G3_circuit | 1585478 | 7660826 |
| StocF-1465 | 1465137 | 21005389 |
| Flan_1565 | 1564794 | 117406044 |

Tabella 1: Matrici analizzate

Tutte queste matrici sono sparse, simmetriche e positive definite. Sono state scaricate dal repository https://sparse.tamu.edu/.

3.3. Considerazioni Iniziali

Dato che sia MATLAB che C++ utilizzano la stessa libreria CHOLMOD, ci si aspetta che i risultati siano simili. Tuttavia, potrebbero emergere delle differenze, soprattutto a causa della versione obsoleta di MATLAB, meno aggiornata rispetto a quella di C++. Inoltre, l'uso differente delle librerie BLAS potrebbe influenzare ulteriormente i risultati.

Prima di andare a fare il confronto tra MATLAB e C++, è necessario analizzare i risultati di MATLAB e di C++, in modo da avere un'idea di cosa aspettarsi.

3.4. Risultati MATLAB

Durante l'esecuzione, due matrici hanno causato un errore interno della libreria CHOLMOD in Windows, mentre in Linux hanno provocato la terminazione forzata del processo. Di conseguenza, non sono state incluse nei risultati. Le matrici problematiche sono:

- Flan 1565
- StocF-1465

3.4.1. Memoria

| Matrice | Uso Memoria Windows (MB) | | | Uso Memoria Linux (MB) | | |
|----------------|--------------------------|---------|-------|------------------------|---------|-------|
| Matrice | load | decomp | solve | load | decomp | solve |
| ex15 | 0 | 3.48 | 0 | 2.15 | 3.86 | 0.34 |
| shallow_water1 | 5.02 | 36.05 | 0 | 6.16 | 37.5 | 0.91 |
| cfd1 | 27.91 | 560.29 | 0 | 27.34 | 548.81 | 0.83 |
| cfd2 | 55.51 | 1114.18 | 0 | 51.04 | 1124.59 | 1.23 |
| parabolic_fem | 64.23 | 560.49 | 4.02 | 64.64 | 558.96 | 4.3 |
| apache2 | 79.13 | 2722.27 | 5.46 | 80.28 | 1.76e13 | 5.74 |
| G3_circuit | 129.25 | 2915.38 | 12.13 | 143.25 | 1.76e13 | 12.39 |

Tabella 2: Memoria utilizzata dai sistemi operativi su MATLAB

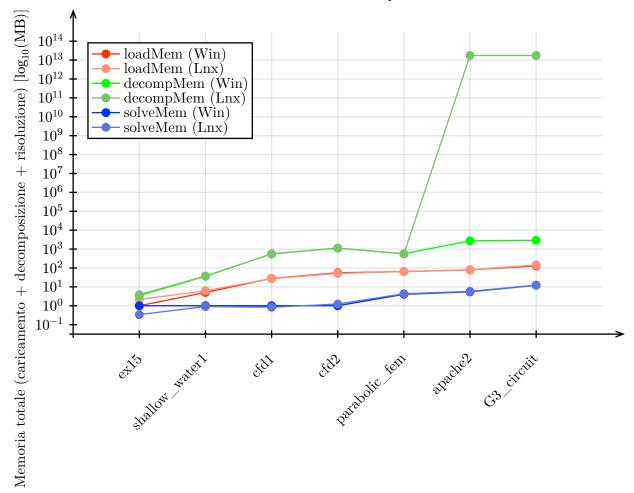


Figura 1: Confronto utilizzo memoria tra sistemi operativi su MATLAB Dalla tabella emerge chiaramente che il profiler di memoria di MATLAB potrebbe non essere completamente affidabile, poiché riporta valori pari a zero per il caricamento di alcune matrici e

valori anomali per la decomposizione delle matrici Apache e G3_Circuit su Linux. Questo fenomeno dei valori anomali è probabilmente dovuto alla presenza di WSL2 e all'utilizzo della libreria esterna CHOLMOD, ma dipende anche dal metodo con cui MATLAB registra l'uso della memoria. Se il profiler utilizza un approccio basato sul campionamento, allora i valori pari a zero sarebbero comprensibili.

In generale, l'uso della memoria sembra aumentare con la dimensione della matrice e risulta maggiore per la decomposizione rispetto al caricamento e alla risoluzione.

3.4.2. Tempi

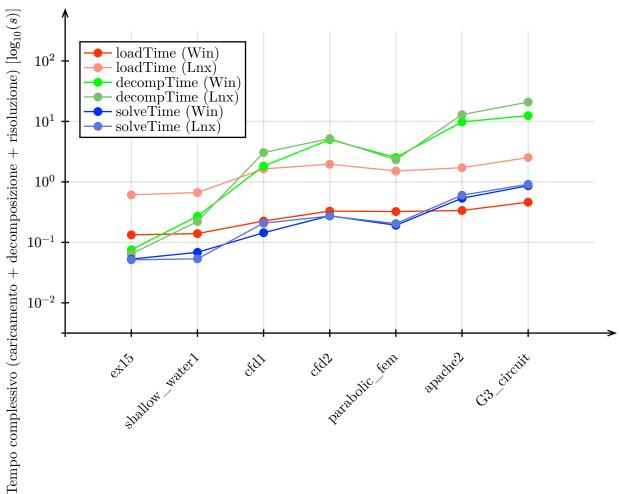


Figura 2: Confronto tempi tra sistemi operativi su MATLAB

Analizzando i tempi separatamente, notiamo che l'unica grande differenza tra i due sistemi operativi riguarda il tempo di caricamento, significativamente più elevato in Linux. Questo è probabilmente dovuto al fatto che, su Linux, utilizziamo WSL2, il quale non ha accesso diretto all'hardware e deve operare attraverso un layer di virtualizzazione.

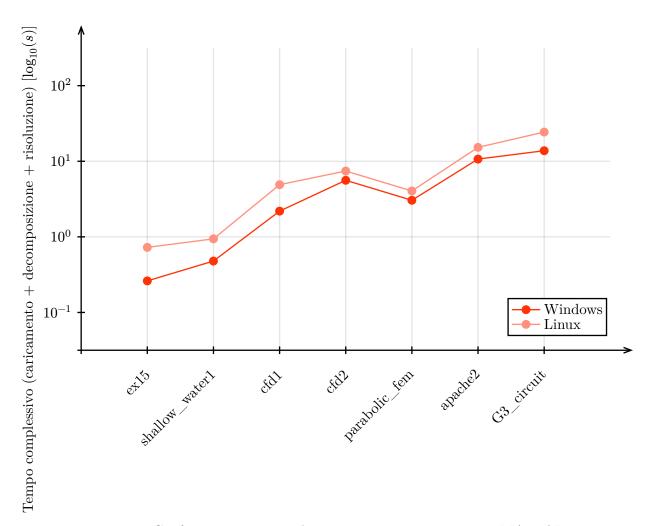


Figura 3: Confronto tempo complessivo tra sistemi operativi su MATLAB Se osserviamo i tempi complessivi, non si nota una grande differenza tra i due sistemi operativi. Windows sembra più veloce, ma è importante considerare che il tempo di caricamento è significativamente più alto in Linux, il che contribuisce a un tempo complessivo maggiore.

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 18 Pellegrini Damiano 886261

3.4.3. Errore Relativo

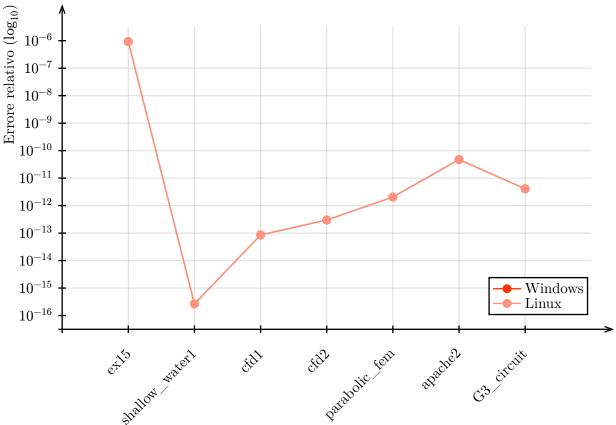


Figura 4: Confronto errore relativo tra sistemi operativi su MATLAB

Osservando l'errore, notiamo che è identico su entrambe le piattaforme, quindi in MATLAB non si riscontra alcuna differenza tra i due sistemi operativi. Questo è comprensibile, dato che vengono utilizzate la stessa libreria CHOLMOD e la stessa libreria BLAS.

3.5. Risultati C++

A differenza di MATLAB, C++ è riuscito a completare tutte le matrici, inoltre avendo accesso a più informazioni, siamo andati a vedere quanti thread venissero utilizzati da BLAS.

3.5.1. Threads

- Windows/Linux MKL 4 threads
- Windows/Linux OpenBLAS 8 threads
- macOS Accelerate (-1) threads (numero di thread scelti dinamicamente)
- macOS OpenBLAS 10 threads

Da questi dati, si nota che è l'architettura del sistema a determinare il numero di thread utilizzati, e non il sistema operativo. Inoltre, ci aspettiamo che macOS ottenga risultati leggermente migliori grazie alla possibilità di utilizzare più thread, con un impatto più evidente sulle matrici di dimensioni maggiori.

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 19 Sanvito Marco 886493

3.5.2. Memoria

La memoria è identica nei tre sistemi operativi, quindi non è necessario ripeterla per ciascuno. Questo dipende dal metodo di allocazione interna di CHOLMOD e ha senso, dato che la memoria è determinata principalmente dall'architettura del sistema piuttosto che dal sistema operativo.

| Nome Matrice | Mem Load (MB) | Mem Decomp (MB) | Picco Mem Decomp (MB) | Mem Risoluzione (MB) | Picco Mem Risoluzione (MB) |
|-----------------|------------------|-----------------------|-----------------------------|----------------------------|----------------------------------|
| ex15 | 1.56 | 9.6 | 4.21 | 0.11 | 0.11 |
| shallow_water1 | 5.63 | 68.41 | 46.23 | 1.25 | 1.25 |
| cfd1 | 28.44 | 331.16 | 221.42 | 1.09 | 1.09 |
| cfd2 | 48.06 | 581.7 | 396.06 | 1.89 | 1.89 |
| parabolic_fem | 60.08 | 691.59 | 471.25 | 8.03 | 8.03 |
| apache2 | 78.97 | 1734.88 | 1407.36 | 10.93 | 10.93 |
| G3_circuit | 128.99 | 1777.83 | 1224.56 | 24.2 | 24.2 |
| StocF-1465 | 331.69 | 11411.76 | 10103.63 | 22.41 | 22.41 |
| Flan_1565 | 1803.41 | 21283.12 | 14451.67 | 23.92 | 23.92 |

Tabella 3: Confronto utilizzo memoria tra sistemi operativi su C++

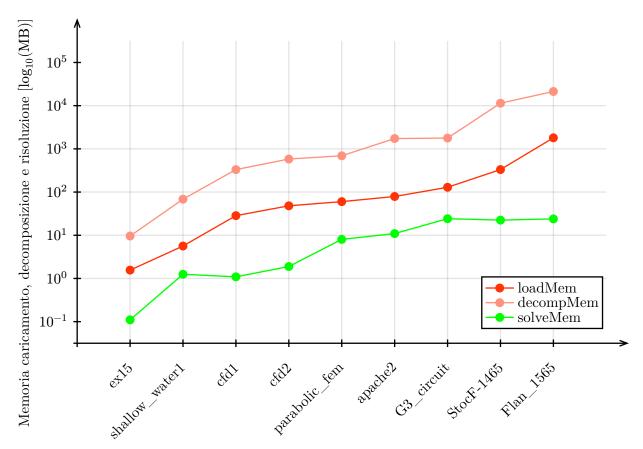


Figura 5: Confronto utilizzo memoria tra sistemi operativi su C++

Analizzando la memoria, notiamo che l'uso maggiore avviene durante la decomposizione e il caricamento della matrice. Questo è comprensibile, poiché nel processo di risoluzione si utilizza il risultato della decomposizione. Inoltre, l'utilizzo della memoria sembra aumentare con l'incremento della dimensione della matrice.

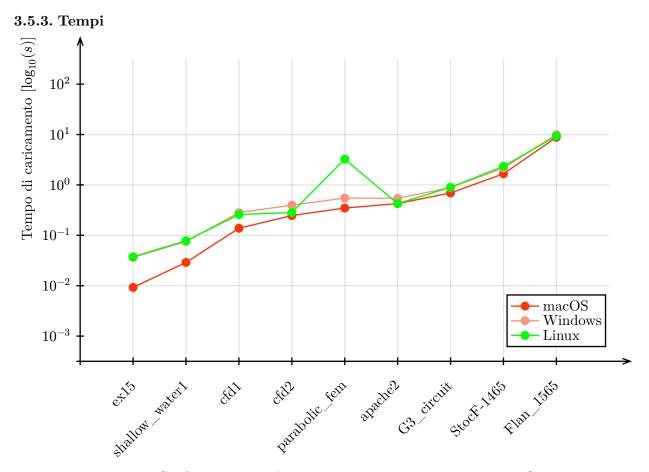


Figura 6: Confronto tempo di caricamento tra sistemi operativi su C++

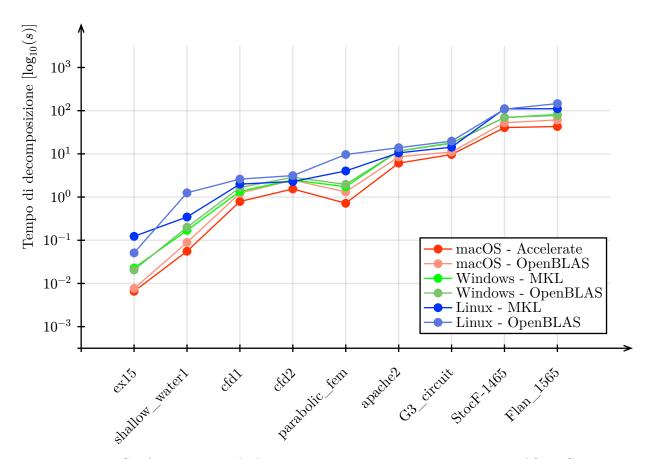


Figura 7: Confronto tempo di decomposizione tra sistemi operativi e BLAS su C++

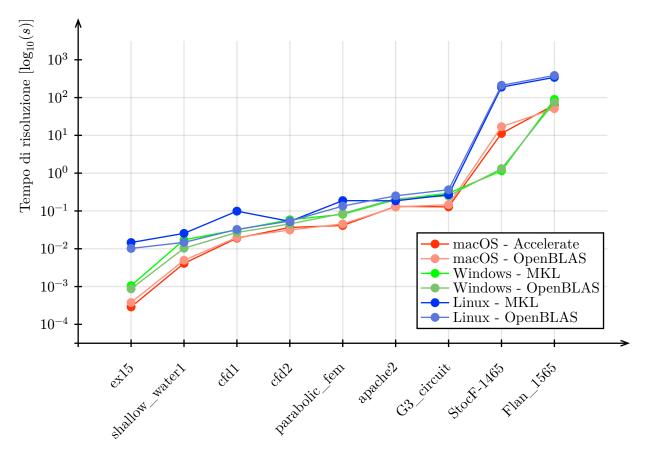


Figura 8: Confronto tempo di risoluzione tra sistemi operativi e BLAS su C++ Analizzando i tempi, notiamo che, in generale, Linux risulta più lento rispetto agli altri sistemi operativi, principalmente a causa dell'uso di WSL2. MacOS, invece, sembra essere il più veloce, anche se la differenza rispetto a Windows non è particolarmente marcata. Questo è probabilmente dovuto a un hardware superiore rispetto a quello disponibile per Windows e Linux. Inoltre, si osserva un piccolo outlier nel tempo di caricamento della matrice parabolic fem su Linux.

Riepilogo dei Tempi Compessivi.

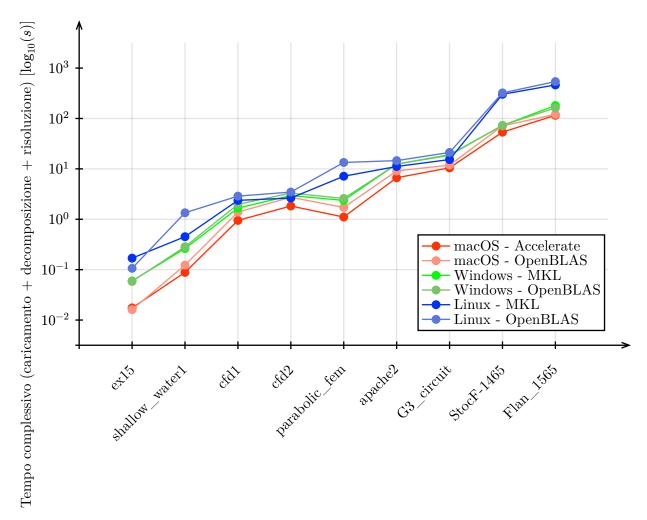


Figura 9: Confronto tempo complessivo tra sistemi operativi e BLAS su C++ Analizzando i tempi complessivi, come previsto, Linux risulta il più lento, mentre macOS è il più veloce. Tuttavia, nel complesso, la differenza tra i tre sistemi operativi non sembra essere significativa, il che rappresenta un buon risultato, poiché indica che la libreria CHOLMOD opera in modo simile su tutte le piattaforme e con diversi BLAS.

3.5.4. Errore Relativo

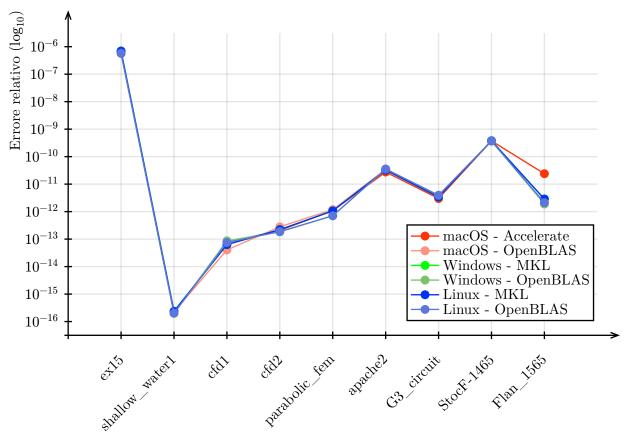


Figura 10: Confronto errore relativo tra sistemi operativi e BLAS su C++ Osservando l'errore, notiamo alcune piccole differenze tra i sistemi operativi e i BLAS, ma queste non sono significative. Questo è un buon risultato, poiché indica che la libreria CHOLMOD opera in modo simile su tutte le piattaforme e con diversi BLAS. È probabile che queste differenze siano dovute ai diversi compilatori e alle loro ottimizzazioni, tranne per un outlier nella matrice Flan_1565 su macOS Accelerate in cui l'errore è più alto rispetto agli altri sistemi operativi e BLAS.

3.6. Confronto MATLAB e C++

Innanzitutto, è importante notare che, in MATLAB, le due matrici più grandi non sono state completate. Questo è probabilmente dovuto alla versione obsoleta di CHOLMOD presente in MATLAB, che non include miglioramenti negli algoritmi di riordinamento né correzioni degli errori nel codice.

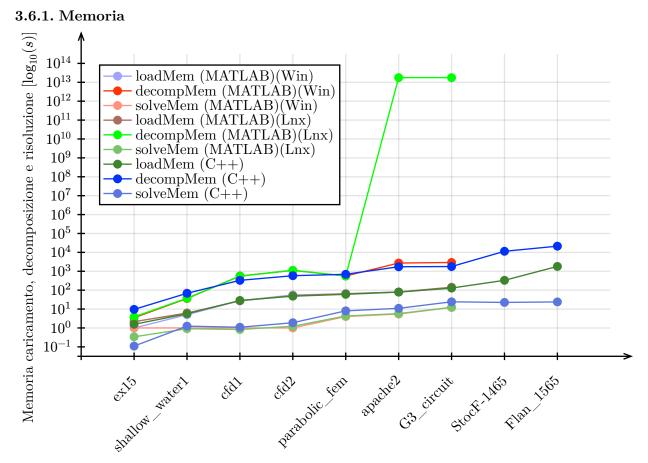


Figura 11: Confronto utilizzo memoria tra MATLAB e C++

Inanziutto dato che sono presenti due anomalie nelle matrici apache2 e G3_circuit in MATLAB Linux, e quindi quindi non sono state considerate nell'analisi essendo sicuri che siano anomalie evidenti.

L'analisi dell'uso della memoria basandoci sulla Figura 11 mostra i seguenti punti salienti:

- 1. Carico di memoria iniziale: Osserviamo che le matrici più piccole, come ex15 e shallow_water1, hanno un consumo ridotto di memoria, inferiore ai 10 MB. Questo è prevedibile, poiché la loro complessità computazionale è limitata. Tuttavia, quando esaminiamo matrici molto più grandi, come Flan_1565, notiamo un incremento drastico del carico di memoria, che supera i 1.8 GB. Questo indica che l'allocazione della memoria iniziale cresce proporzionalmente alla dimensione e alla complessità della matrice.
- 2. Memoria richiesta per la decomposizione: Il processo di decomposizione delle matrici rappresenta il momento più intensivo in termini di memoria. Ad esempio, la decomposizione della matrice Flan_1565 richiede oltre 21 GB di memoria. Questo suggerisce che, per strutture di grande dimensione, l'algoritmo utilizzato deve gestire un enorme quantitativo di dati e operazioni, generando un picco di utilizzo. Matrici di media grandezza come apache2 e G3_circuit richiedono invece circa 1.7-1.8 GB, evidenziando una crescita meno drastica ma comunque consistente. Questo è dovuto al fenomeno del

- fill-in che anche se ridotto dato l'utilizzo di algoritmi di riordinamento, è comunque presente e richiede una certa quantità di memoria.
- 3. Picco di memoria di decomposizione: In diversi casi, il picco di memoria durante la fase di decomposizione è inferiore al valore totale della memoria richiesta. Questo può significare che l'allocazione della memoria varia nel tempo e viene gestita dinamicamente, evitando sprechi di risorse. In pratica, la memoria viene allocata progressivamente secondo necessità, ottimizzando l'uso delle risorse disponibili.
- 4. Memoria richiesta per la risoluzione: Un aspetto interessante è che, rispetto alla decomposizione, la fase di risoluzione della matrice ha un impatto molto più contenuto sull'utilizzo della memoria. Questo accade perché la risoluzione si basa sui risultati ottenuti in fase di decomposizione e non richiede un'elaborazione intensiva sugli stessi dati. Di conseguenza, il consumo di memoria rimane relativamente basso.
- 5. Confronto memoria MATLAB e C++: In generale, l'uso della memoria in MATLAB e C++ è simile, con piccole variazioni. Tuttavia, MATLAB tende a utilizzare una quantità leggermente maggiore di memoria per la decomposizione rispetto a C++, probabilmente a causa della gestione interna delle strutture dati e dell'overhead associato all'ambiente di esecuzione.

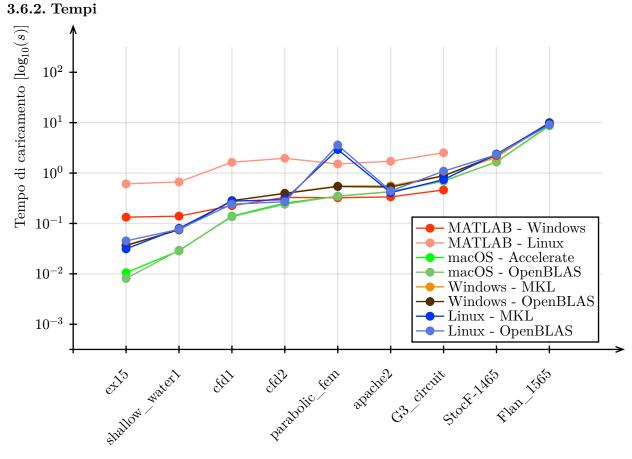


Figura 12: Confronto tempo caricamento tra MATLAB e C++

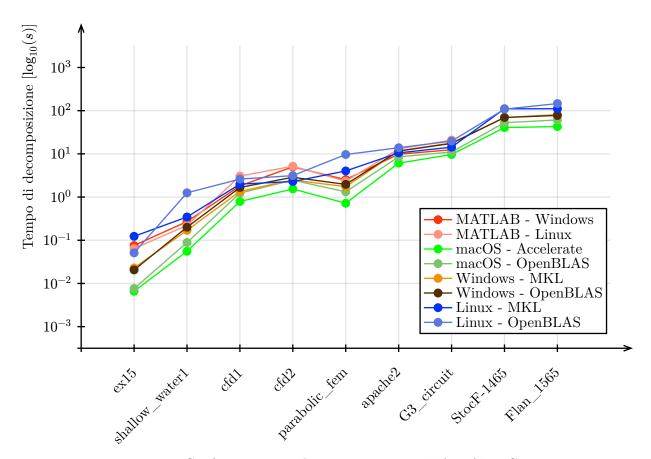


Figura 13: Confronto tempo decomposizione tra MATLAB e C++

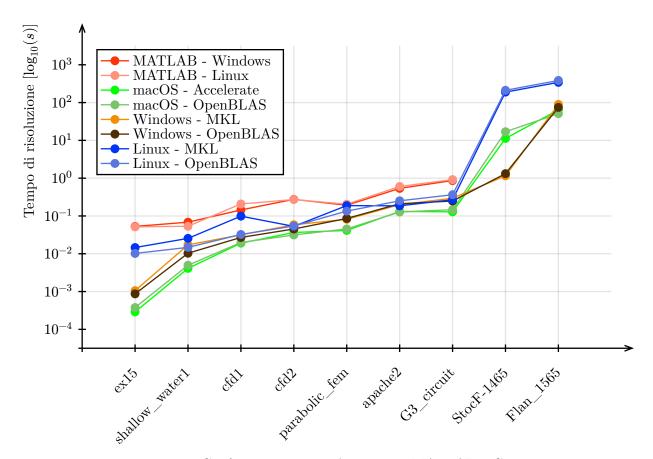


Figura 14: Confronto tempo risoluzione tra MATLAB e C++

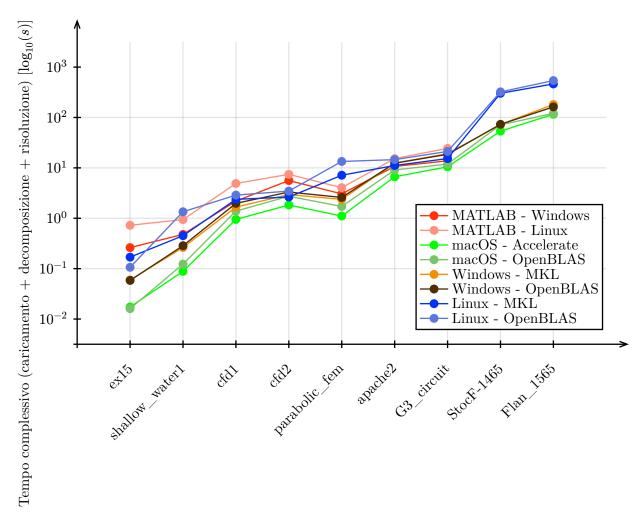


Figura 15: Confronto tempo complessivo tra MATLAB e C++ L'analisi del tempo di esecuzione basandoci su Figura 12, Figura 13, Figura 14 e Figura 15 evidenzia alcuni aspetti chiave:

- 1. **Tempo di caricamento:** Le matrici più piccole, come *ex15* e *shallow_water1*, hanno tempi di caricamento molto ridotti, inferiori al millisecondo. Man mano che la dimensione cresce, il tempo aumenta significativamente. Per le matrici più grandi, come *Flan_1565*, il caricamento può richiedere diversi secondi. Non è presente una differenza significativa tra C++ e MATLAB tranner per MATLAB Linux, dove il caricamento è più lento.
- 2. **Tempo di decomposizione:** Questa fase è la più dispendiosa in termini di tempo. Per matrici grandi come *Flan_1565*, la decomposizione richiede oltre 100 secondi, evidenziando la complessità del processo. Però si può notare che in generale tra i diversi sistemi operativi e le librerie BLAS non ci sono differenze significative.
- 3. **Tempo di risoluzione:** Diversamente dalla decomposizione, la fase di risoluzione è generalmente molto più veloce. Questo avviene perché la risoluzione sfrutta la struttura fattorizzata della matrice, riducendo il numero di operazioni necessarie. Per la maggior parte delle matrici, il tempo di risoluzione è inferiore a 1 secondo, a riprova dell'efficacia

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 31 Sanvito Marco 886493

- dei metodi numerici impiegati, e anche qua non si nota una grossa differenza tra MATLAB e C++.
- 4. **Tempo complessivo:** Sommando le tre fasi, emerge chiaramente che la decomposizione è il passaggio dominante in termini di costo computazionale. Ottimizzare questo processo tramite migliori algoritmi o librerie specializzate potrebbe portare a una riduzione significativa dei tempi di esecuzione, specialmente per matrici di grandi dimensioni.
- 5. Confronto MATLAB e C++: In generale, i tempi di esecuzione tra MATLAB e C++ sono comparabili, con piccole variazioni. Tuttavia, MATLAB tende a essere leggermente più lento, soprattutto nella fase di caricamento e decomposizione. Questo potrebbe essere dovuto all'overhead dell'ambiente MATLAB e alla sua gestione delle strutture dati.

3.6.3. Errore Relativo

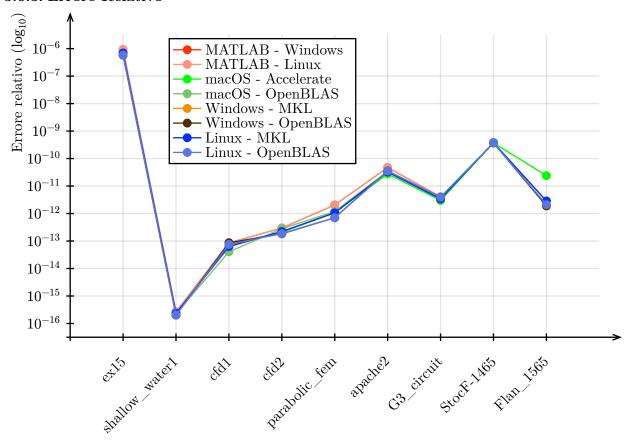


Figura 16: Confronto errore relativo tra MATLAB e C++

L'analisi dell'errore relativo riportata in Figura 16 mostra come la precisione numerica vari a seconda delle librerie e dell'ambiente di esecuzione:

1. Ordine di grandezza dell'errore: In generale, l'errore relativo oscilla tra $10^{\{-6\}}$ e $10^{\{-16\}}$ ma apparte per macOS - Accelerate nella matrice «Flan_1565» che ha un errore un pò piu altro rispetto alle altre implementazioni non sembrano esserci differenze significative tra i vari sistemi operativi e le librerie BLAS.

2. Variazione tra le matrici: Notiamo come non è la dimensione della matrice a influenzare l'errore, ma piuttosto la struttura e le proprietà intrinseche della matrice stessa. Ad esempio, matrici con una maggiore densità di zeri o con una struttura particolare possono portare a errori più elevati. E nel nostro caso notiamo come è la matriche «ex15» che è la piu piccola a generare un errore piu alto rispetto alle altre.

3.7. Considerazioni Finali sul Confronto

In conclusione, notiamo come ci aspettavamo dato l'utilizzo della stessa libreria CHOLMOD, che le prestazioni di MATLAB e C++ sono comparabili, con piccole variazioni dovute all'overhead di MATLAB. Tuttavia, C++ mostra una maggiore flessibilità e potenziale per ottimizzazioni future, grazie alla possibilità di utilizzare diverse librerie BLAS e di personalizzare l'implementazione. Però bisogna anche considera che MATLAB non è riuscito a completare le due matrici più grandi, il che potrebbe indicare limitazioni nella versione di CHOLMOD utilizzata o nella gestione della memoria. Questo rappresenta un punto a favore di C++, che ha gestito con successo tutte le matrici testate.

Però è anche interessante notare che non ci siano grandi differenze rispetto all'utilizzo della libreria Intel MKL o OpenBLAS, il che suggerisce che CHOLMOD è ben ottimizzata per lavorare con entrambe le librerie BLAS. E che le librerie BLAS siano ben ottimizzate e che la scelta con full open source di OpenBLAS non abbia impatti significativi sulle prestazioni rispetto a Intel MKL, che è una libreria proprietaria.

Inoltre l'analisi dell'uso della memoria fa capire quanto sia importante avere abbastanza memoria disponibile per gestire matrici di grandi dimensioni, specialmente durante la fase di decomposizione. Questo è un aspetto cruciale da considerare quando si lavora con applicazioni che richiedono l'elaborazione di grandi dataset o matrici sparse. Possibile grazie all'uso della memoria virtuale e della gestione dinamica della memoria, che permette di allocare risorse in modo efficiente e ridurre il rischio di esaurimento della memoria fisica.

4. Conclusioni

L'analisi comparativa tra MATLAB e una soluzione open-source basata su C++ ha fornito risultati significativi riguardo alla fattorizzazione di Cholesky applicata a matrici sparse simmetriche definite positive. MATLAB, nonostante l'ampia documentazione e l'integrazione con CHOLMOD, mostra alcune limitazioni dovute all'uso di versioni obsolete delle librerie e alla chiusura del proprio ecosistema. Questo ha portato a difficoltà nel trattamento di matrici di grandi dimensioni, dimostrando che aggiornamenti più frequenti delle librerie interne potrebbero migliorare le prestazioni e la stabilità del software.

D'altra parte, la nostra implementazione in C++ ha evidenziato vantaggi concreti grazie all'uso diretto di Eigen e SuiteSparse, consentendo un maggiore controllo sull'ottimizzazione e sull'integrazione con diverse librerie BLAS e LAPACK. L'adozione di Intel MKL, OpenBLAS e Apple Accelerate ha dimostrato come la scelta delle librerie di algebra lineare influenzi direttamente il tempo di decomposizione e la gestione della memoria, senza grosse differenze di prestazioni tra l'utilizzo di BLAS diversi su sistemi operativi differenti.

Un aspetto critico emerso è che MATLAB non è stato in grado di completare la fattorizzazione sulle due matrici più grandi, mentre la soluzione C++ ha gestito l'intero set di dati. Questo

evidenzia l'importanza di mantenere le librerie costantemente aggiornate per garantire la robustezza dell'algoritmo. Inoltre, la flessibilità offerta dall'approccio in C++ ha permesso di verificare l'impatto del numero di thread sulla fattorizzazione, rivelando che l'allocazione dinamica dei thread su macOS ha prodotto tempi di decomposizione leggermente migliori rispetto a Windows e Linux.

Dal punto di vista computazionale, la nostra analisi conferma che le soluzioni completamente open-source possono competere con MATLAB, offrendo prestazioni comparabili e, in alcuni casi, superiori. Tuttavia, MATLAB rimane una scelta vantaggiosa per la prototipazione rapida e la semplicità d'uso, risultando più accessibile per utenti meno esperti in programmazione. Inoltre, abbiamo osservato che, nonostante MATLAB sia un software proprietario, utilizza librerie open-source come CHOLMOD, parte di SuiteSparse. Questo solleva interrogativi sull'effettiva necessità di un software proprietario, quando si possono adottare direttamente librerie open-source che offrono la stessa funzionalità con maggiore flessibilità e senza i vincoli di un ecosistema chiuso.

Si può quindi concludere che, se l'obiettivo è risolvere sistemi lineari sparsi in modo efficiente, la scelta del sistema operativo non è determinante quanto quella delle librerie BLAS e LAPACK adottate e l'architettura del sistema. Le prestazioni dipendono principalmente dalla quantità di RAM disponibile e dalla capacità del processore di gestire operazioni parallele, più che dal sistema operativo stesso. Inoltre, qualora fosse necessario utilizzare la memoria virtuale, è consigliabile disporre di un SSD veloce per evitare rallentamenti significativi, poiché l'uso di HDD tradizionali può compromettere le prestazioni durante operazioni di calcolo intensive, dato l'uso intensivo della memoria durante la decomposizione.

In definitiva, la scelta tra software proprietario e open-source dipende dalle esigenze specifiche: MATLAB garantisce un ambiente integrato e una facilità d'uso indiscutibile, mentre C++ con Eigen e CHOLMOD offre maggiore flessibilità e scalabilità su hardware moderno. Per applicazioni che richiedono prestazioni elevate su matrici di grandi dimensioni, un'implementazione open-source si dimostra una valida alternativa, consentendo ottimizzazioni avanzate e un controllo diretto sull'allocazione della memoria e sui metodi di decomposizione utilizzati.

5. Appendice Codici

5.1. C++ e CMake

File: main.cpp

```
1
                                                                                     ⊚ C++
    #include <iostream>
2
    #include <fstream>
3
    #include <chrono>
4
    #include <thread>
5
    #include <fast_matrix_market/app/Eigen.hpp>
6
    #include <Eigen/SparseCore>
7
    #include <filesvstem>
8
    #include <format>
```

```
9
    #include <Eigen/CholmodSupport>
10 #ifdef EIGEN_USE_MKL_ALL
11
   #include <mkl.h>
12
   #endif
13 #ifdef OPEN BLAS
14
   #include <cblas.h>
15 #endif
16
   #ifdef USING ACCEL
    #include <Accelerate/Accelerate.h>
17
18
   #endif
19
    typedef Eigen::SparseMatrix<double, Eigen::ColMajor, int64 t> SparseMatrix;
20
21
22
    #ifdef EIGEN_USE_MKL_ALL
   constexpr auto BLAS = "MKL";
23
   #elif defined(OPEN BLAS)
24
25
    constexpr auto BLAS = "OpenBLAS";
   #elif defined(USING_ACCEL)
26
27
    constexpr auto BLAS = "Accelerate";
28
    #else
    constexpr auto BLAS = "Unknown";
29
30
    #endif
31
    constexpr auto HEADER CSV =
    "os,blas,numThreads,timestamp,matrixName,rows,cols,nonZeros,loadTime,loadMem,
33
    decompTime,decompMem,decompPeakMem,solveTime,solveMem,solvePeakMem,relativeError";
34
    constexpr auto OUT FILE = "bench.csv";
35
    #ifndef NO_SLEEP
36
37
    constexpr std::chrono::seconds SLEEP_TIME{5};
38
    #endif
39
40
    const std::string getOSName();
41
42
    const int getNumThreads();
43
44
    int solveMatrixMarket(const std::filesystem::path& path);
45
46
    int main(int argc, char* argv[], char** envp) {
```

```
47
48
    #ifdef EIGEN_VECTORIZE
49
       std::cerr << "Eigen CPU vectorization is enabled." << std::endl;</pre>
50
       std::cerr << BLAS << " Num of threads: " << getNumThreads() << std::endl;</pre>
51
52
53
       const std::filesystem::path matrices_dir = (argc > 1) ? argv[1] : "matrices";
54
55
       // Check if directory exists before iterating
       if (!std::filesystem::exists(matrices_dir) || !
56
       std::filesystem::is_directory(matrices_dir)) {
           std::cerr << "Error: Directory '" << matrices dir.string() << "' does not</pre>
57
           exist or is not a directory." << std::endl;</pre>
58
           return 1;
59
60
61
       // Loop through all files in the directory
62
       for (const auto& entry : std::filesystem::directory_iterator(matrices_dir)) {
63
         if (entry.is regular file() && entry.path().extension() == ".mtx") {
64
           const auto matrixName { entry.path().stem().string() };
65
66
           // Sleep for 10 seconds before processing the next file
67
           #ifndef NO SLEEP
           std::cerr << std::format("Sleeping for {} seconds...", SLEEP_TIME) <</pre>
68
           std::endl;
69
           std::this_thread::sleep_for(SLEEP_TIME);
70
           #endif
71
72
           int result = solveMatrixMarket(entry.path());
73
           if (result == 0) {
74
             std::cerr << "Processed " << matrixName << std::endl;</pre>
75
           } else {
76
             std::cerr << "Error " << matrixName << std::endl;</pre>
77
           }
78
         }
79
       }
80
81
       return 0;
82
    }
83
    const std::string getOSName() {
84
```

```
85
      #if defined(_WIN32)
86
           return "Windows";
      #elif defined(__APPLE__)
87
           return "macOS";
88
      #elif defined( linux )
89
90
           return "Linux";
91
      #elif defined(__unix__)
92
           return "Unix";
93
      #else
94
          return "Unknown";
      #endif
95
96
    }
97
98
    const int getNumThreads() {
99
      #ifdef EIGEN_USE_MKL_ALL
         return mkl get max threads();
100
101
      #elif defined(OPEN BLAS)
102
     return openblas_get_num_threads();
103
      #elif defined(USING_ACCEL)
         return BLASGetThreading() == BLAS THREADING SINGLE THREADED ? 1 : -1;
104
105
      #else
106
         return -1;
107
      #endif
108 }
109
110 int solveMatrixMarket(const std::filesystem::path& path) {
111
      const auto timestamp = std::chrono::system clock::now();
112
      std::cerr << std::format("{} - Processing {}...", timestamp,</pre>
113
      path.stem().string()) << std::endl;</pre>
114
115
      std::ifstream matrix_file(path, std::ios::in);
116
      std::ofstream csv_file(OUT_FILE, std::ios::ate | std::ios::app);
117
118
      if (std::filesystem::is_empty(OUT_FILE)) {
119
        std::cerr << std::format("Writing headers to {}...", OUT_FILE) << std::endl;</pre>
120
        csv file << HEADER CSV << std::endl;</pre>
121
        csv_file.flush();
122
      }
123
```

```
124
      SparseMatrix A;
125
126
      std::cerr << std::format("Reading matrix...") << std::endl;</pre>
127
128
      auto start{ std::chrono::high resolution clock::now() };
129
      fast_matrix_market::read_matrix_market_eigen(matrix_file, A);
130
      auto end{ std::chrono::high_resolution_clock::now() };
131
      matrix_file.close();
132
      133
      getNumThreads(), timestamp, path.stem().string(), A.rows(), A.cols(),
      A.nonZeros());
134
135
      const size_t valuesSize = A.nonZeros() * sizeof(double);
136
137
      // Size of inner indices array (nonzeros * sizeof(index type))
138
      const size_t innerIndicesSize = A.nonZeros() * sizeof(SuiteSparse_long);
139
140
      // Size of outer indices array ((outerSize+1) * sizeof(index type))
141
      const size_t outerIndicesSize = (A.outerSize() + 1) * sizeof(SuiteSparse_long);
142
      const auto loadTime = std::chrono::duration cast<std::chrono::duration<long</pre>
143
      double, std::milli>>(end - start).count();
      const auto loadMem = valuesSize + innerIndicesSize + outerIndicesSize;
144
145
      std::cerr << std::format("Matrix read took {} ms and {} bytes", loadTime,</pre>
146
      loadMem) << std::endl;</pre>
147
      csv_file << std::format("{},{},", loadTime, loadMem);</pre>
148
149
      Eigen::CholmodDecomposition<SparseMatrix> solver;
150
151
      // Make sure the matrix is in compressed column form
152
      A.makeCompressed();
153
154
      solver.cholmod().memory allocated = 0;
155
      solver.cholmod().memory_inuse = 0;
156
      solver.cholmod().memory usage = 0;
157
      std::cerr << std::format("Decomposing matrix...") << std::endl;</pre>
158
      start = std::chrono::high resolution clock::now();
159
      solver.compute(A);
160
      end = std::chrono::high_resolution_clock::now();
```

```
161
162
       if (solver.info() != Eigen::Success) {
163
         std::cerr << "Decomposition failed." << std::endl;</pre>
         csv file << std::format("{},{},{},", "N/A", "N/A", "N/A", "Decomposition</pre>
164
         failed.") << std::endl;</pre>
165
         csv file.close();
166
         return -1:
167
       }
168
       const auto decompTime = std::chrono::duration cast<std::chrono::duration<long</pre>
169
       double, std::milli>>(end - start).count();
170
       const auto decompMem = solver.cholmod().memory_allocated;
171
       const auto decompPeakMem = solver.cholmod().memory_usage;
172
       std::cerr << std::format("Decomposition succeeded with in {} ms and {} bytes",</pre>
173
       decompTime, decompMem) << std::endl;</pre>
174
       csv_file << std::format("{},{},{},", decompTime, decompMem, decompPeakMem);</pre>
175
176
       Eigen::VectorXd b(A.rows()), x(A.rows()), xe(A.rows());
177
       x.setOnes():
178
       b = A * x;
179
180
       solver.cholmod().memory_allocated = 0;
181
       solver.cholmod().memory inuse = 0;
182
       solver.cholmod().memory usage = 0;
183
       std::cerr << std::format("Solving matrix...") << std::endl;</pre>
184
       start = std::chrono::high_resolution_clock::now();
185
       xe = solver.solve(b);
186
       end = std::chrono::high resolution clock::now();
187
       const auto solveTime = std::chrono::duration cast<std::chrono::duration<long</pre>
188
       double, std::milli>>(end - start).count();
189
       const auto solveMem = solver.cholmod().memory_allocated;
190
       const auto solvePeakMem = solver.cholmod().memory usage;
191
       std::cerr << std::format("Solve took {} ms and {} bytes", solveTime, solveMem)</pre>
192
       << std::endl;</pre>
193
       csv_file << std::format("{},{},{},", solveTime, solveMem, solvePeakMem);</pre>
194
195
       if (solver.info() != Eigen::Success) {
196
         std::cerr << "Solving failed." << std::endl;</pre>
```

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 39 Sanvito Marco 886493

```
197
         csv_file << std::format("{}", "Solving failed.") << std::endl;</pre>
198
         csv_file.close();
199
         return -1;
200
      }
201
202
       // Valutazione dell'errore
203
      auto err = sqrt((x - xe).squaredNorm() / x.squaredNorm());
       csv_file << std::format("{}", err) << std::endl;</pre>
204
205
206
       std::cerr << std::format("Error: {}", err) << std::endl;</pre>
207
      csv_file.close();
208
209
210
       return 0;
211 }
```

Codice 1: main File: CMakeLists.txt

```
▲ CMake
1
    cmake minimum required(VERSION 3.28)
2
3
    # OneAPI environment check
4
    if(NOT APPLE)
5
    if(WIN32)
        set(ONEAPI SETVARS PATH "call \"C:/Program Files (x86)/Intel/oneAPI/
6
        setvars.bat\"")
7
      elseif(UNIX)
8
       set(ONEAPI_SETVARS_PATH "source /opt/intel/oneapi/setvars.sh")
9
     endif()
10
11
     if(WIN32)
12
        find_program(CMAKE_Fortran_COMPILER NAMES ifx.exe PATHS $ENV{CMPLR_R00T}/bin)
13
      endif()
      set(MKL LINK static)
14
15
     find package(MKL REQUIRED PATHS $ENV{MKLR00T})
16
    endif()
17
18
    project(MCS-Project LANGUAGES C CXX Fortran)
19
20
    message(STATUS "CMAKE_SYSTEM_NAME: ${CMAKE_SYSTEM_NAME}")
21
22
    # Define directories
```

```
set(SRC_DIR "${CMAKE_SOURCE_DIR}/src")
24
    set(LIB_DIR "${CMAKE_SOURCE_DIR}/lib")
25
    set(BIN_DIR "${CMAKE_SOURCE_DIR}/target")
26
    # Create output directories (these will be created during the build)
27
28
    file(MAKE_DIRECTORY ${BIN_DIR})
29
    message(STATUS "Source Directory: ${SRC_DIR}")
30
31
    message(STATUS "Library Directory: ${LIB_DIR}")
32
    message(STATUS "Binary Directory: ${BIN_DIR}")
33
34
    # SuiteSparse configuration
    set(SUITESPARSE_DIR "${LIB_DIR}/suitesparse")
35
36
    # Proper clean targets
37
    add custom target(clean-src
39
      COMMAND ${CMAKE_COMMAND} -E remove_directory ${BASE_OBJ_DIR}
     COMMAND ${CMAKE_COMMAND} -E remove_directory ${BIN_DIR}
40
      COMMENT "Cleaning object files and main executable"
41
42
    )
43
44
    add_custom_target(clean-lib
     COMMAND ${CMAKE COMMAND} -E remove directory ${BASE OBJ DIR}/suitesparse main-
45
     COMMAND ${CMAKE COMMAND} -E remove directory ${BASE OBJ DIR}/
46
     suitesparse openblas-prefix
47
     COMMAND ${CMAKE COMMAND} -E remove directory ${BASE OBJ DIR}/suitesparse main
      COMMAND ${CMAKE COMMAND} -E remove directory ${BASE OBJ DIR}/
48
      suitesparse openblas
49
      COMMENT "Cleaning SuiteSparse libraries"
50
    )
51
52
    add_custom_target(clean-all
53
      DEPENDS clean-src clean-lib
54
      COMMENT "Cleaning everything (sources and libraries)"
    )
55
56
    # Configure library paths based on platform
57
    set(SUITESPARSE_LIB_NAMES
     "suitesparseconfig"
59
      "amd"
60
```

```
61
      "camd"
62
     "colamd"
63
     "ccolamd"
64
      "cholmod"
65
66
67
    # Copy override files before building
68
    add_custom_target(copy_override_files ALL
69
     COMMAND ${CMAKE_COMMAND} -E copy_if_different "${LIB_DIR}/override/cholmod.h.in"
70
     "${SUITESPARSE DIR}/CHOLMOD/Config/cholmod.h.in"
     COMMAND ${CMAKE_COMMAND} -E copy_if_different "${LIB_DIR}/override/
71
     t_cholmod_malloc.c"
72
     "${SUITESPARSE DIR}/CHOLMOD/Utility/t cholmod malloc.c"
      COMMAND ${CMAKE COMMAND} -E copy if different "${LIB DIR}/override/
73
      t_cholmod_realloc.c"
      "${SUITESPARSE DIR}/CHOLMOD/Utility/t cholmod realloc.c"
74
75
     COMMENT "Copying override files to SuiteSparse"
76
    )
77
78
    set(SUITESPARSE_MAIN_INSTALL_DIR ${CMAKE_SOURCE_DIR}/cmake/suitesparse_main)
    set(SUITESPARSE_OPENBLAS_INSTALL_DIR ${CMAKE_SOURCE_DIR}/cmake/
79
    suitesparse_openblas)
80
81
    make directory(${SUITESPARSE MAIN INSTALL DIR})
82
    make directory(${SUITESPARSE OPENBLAS INSTALL DIR})
83
84
    set(OPENBLAS_DIR ${CMAKE_SOURCE_DIR}/cmake/openblas)
85
    include(ExternalProject)
86
87
88
    # Set the common CMake options for SuiteSparse
    list(APPEND SUITESPARSE CMAKE OPTIONS
      -DSUITESPARSE_USE_64BIT_BLAS=0N
90
91
      -DSUITESPARSE_LOCAL_INSTALL=1
      -DBUILD_SHARED_LIBS=OFF
      -DBUILD STATIC LIBS=ON
93
94
     -DSUITESPARSE ENABLE PROJECTS=cholmod
95
96
97
    if (WIN32)
```

```
list(APPEND SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS -
98
      DCMAKE Fortran COMPILER=${CMAKE Fortran COMPILER})
99
    endif()
100
101 function(suitesparse_main)
      list(APPEND SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS
102
103
         -DCMAKE INSTALL PREFIX=${SUITESPARSE MAIN INSTALL DIR}
104
     )
105
106
     if(APPLE)
         list(APPEND SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS -DBLA_VENDOR=Apple -
107
        DSUITESPARSE_USE_64BIT_BLAS=0FF)
108
        execute_process(
         COMMAND brew --prefix libomp
109
110
         OUTPUT VARIABLE LIBOMP PREFIX
           OUTPUT STRIP TRAILING WHITESPACE
111
112
       )
        message (STATUS "OpenMP prefix location " ${LIBOMP_PREFIX})
113
114
        list(APPEND SUITESPARSE CMAKE OPTIONS
115
           -DBLA_VENDOR=Apple
116
          -DSUITESPARSE_USE_64BIT_BLAS=0FF
117
          -DOpenMP FOUND=TRUE
118
          -DOpenMP C FOUND=C
119
          -DOpenMP_C_FLAGS="-lomp"
120
          -DOpenMP_C_INCLUDE_DIRS=${LIBOMP_PREFIX}/include
121
          -DOpenMP C LIBRARIES=${LIBOMP PREFIX}/lib
122
           -DOpenMP C LIB NAMES=libomp
123
           -DOpenMP_libomp_LIBRARY=${LIBOMP_PREFIX}/lib/libomp.a
124
        )
125
      else()
       list(APPEND SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS -DBLA_VENDOR=Intel10_64ilp)
126
127
      endif()
128
129
     if(LINUX)
         get_target_property(MKL_INTEL_ILP64_PATH MKL::mkl_intel_ilp64
130
        IMPORTED LOCATION)
        get_target_property(MKL_INTEL_THREAD_PATH MKL::mkl_intel_thread
131
        IMPORTED LOCATION)
        get target property(MKL CORE PATH MKL::mkl core IMPORTED LOCATION)
132
133
```

```
set(MKL LIBS "-m64 -Wl,--start-group ${MKL INTEL ILP64 PATH}
134
         ${MKL INTEL THREAD PATH} ${MKL CORE PATH} -Wl,--end-group -liomp5 -lpthread -
         lm -ldl")
      endif()
135
136
137
     message(STATUS "SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS: ${SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS}")
138
139
     if(LINUX)
140
         ExternalProject_Add(
141
         suitesparse main
142
         SOURCE DIR "${SUITESPARSE DIR}"
           CONFIGURE_COMMAND ${CMAKE_COMMAND} -S "${SUITESPARSE_DIR}" -B
           "${CMAKE BINARY DIR}/suitesparse main" ${SUITESPARSE CMAKE OPTIONS}
143
           ${SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS} -DBLAS_LIBRARIES=${MKL_LIBS} -
           DLAPACK LIBRARIES=${MKL LIBS}
         BUILD COMMAND ${CMAKE COMMAND} --build "${CMAKE BINARY DIR}/suitesparse main"
144
          --config Release
         INSTALL COMMAND ${CMAKE COMMAND} --install ${CMAKE BINARY DIR}/
145
         suitesparse main
146
         )
147
      else()
148
       ExternalProject Add(
149
          suitesparse main
150
         SOURCE DIR "${SUITESPARSE DIR}"
           CONFIGURE COMMAND ${CMAKE COMMAND} -S "${SUITESPARSE DIR}" -B
151
           "${CMAKE_BINARY_DIR}/suitesparse_main" ${SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS}
           BUILD COMMAND ${CMAKE COMMAND} --build "${CMAKE BINARY DIR}/
152
           suitesparse_main" --config Release
          INSTALL COMMAND ${CMAKE COMMAND} --install ${CMAKE BINARY DIR}/
153
         suitesparse main
154
         )
155
      endif()
156 endfunction()
157
158 suitesparse main()
159
160 function(suitesparse_openblas)
161
      list(APPEND SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS
162
         -DCMAKE_INSTALL_PREFIX=${SUITESPARSE_OPENBLAS_INSTALL_DIR}
       -DBLA VENDOR=OpenBLAS
163
164
      )
165
```

```
166
     if(WIN32)
167
        list(APPEND SUITESPARSE_CMAKE_OPTIONS
168
           -DBLAS_LIBRARIES=${OPENBLAS_DIR}/lib/libopenblas.lib
169
          -DLAPACK LIBRARIES=${OPENBLAS DIR}/lib/libopenblas.lib
170
       )
171
      elseif(APPLE)
172
        execute process(
         COMMAND brew --prefix openblas
173
174
         OUTPUT_VARIABLE OPENBLAS_DIR
175
         OUTPUT STRIP TRAILING WHITESPACE
176
       )
        list(APPEND SUITESPARSE CMAKE OPTIONS
177
178
           -DSUITESPARSE_USE_64BIT_BLAS=0FF
179
          -DBLAS_LIBRARIES=${OPENBLAS_DIR}/lib/libopenblas.a
180
          -DLAPACK_LIBRARIES=${OPENBLAS_DIR}/lib/libopenblas.a
181
       )
182
         execute process(
183
         COMMAND brew --prefix libomp
184
         OUTPUT_VARIABLE LIBOMP_PREFIX
185
          OUTPUT STRIP TRAILING WHITESPACE
186
       )
187
        message (STATUS "OpenMP prefix location " ${LIBOMP_PREFIX})
188
        list(APPEND SUITESPARSE CMAKE OPTIONS
189
           -DBLA VENDOR=Apple
190
          -DSUITESPARSE_USE_64BIT_BLAS=0FF
191
          -DOpenMP_FOUND=TRUE
192
          -DOpenMP C FOUND=C
193
          -DOpenMP C FLAGS="-lomp"
194
          -DOpenMP_C_INCLUDE_DIRS=${LIBOMP_PREFIX}/include
195
          -DOpenMP_C_LIBRARIES=${LIBOMP_PREFIX}/lib
196
           -DOpenMP C LIB NAMES=libomp
197
           -DOpenMP libomp LIBRARY=${LIBOMP PREFIX}/lib/libomp.a
198
        )
199
      endif()
200
201
     message(STATUS "SUITESPARSE CMAKE OPTIONS: ${SUITESPARSE CMAKE OPTIONS}")
202
203
     ExternalProject_Add(
204
        suitesparse openblas
205
        SOURCE DIR "${SUITESPARSE DIR}"
```

```
CONFIGURE COMMAND ${CMAKE COMMAND} -S "${SUITESPARSE DIR}" -B
206
        "${CMAKE BINARY DIR}/suitesparse openblas" ${SUITESPARSE CMAKE OPTIONS}
        BUILD_COMMAND ${CMAKE_COMMAND} --build "${CMAKE_BINARY_DIR}/
207
        suitesparse openblas" --config Release
       INSTALL_COMMAND ${CMAKE_COMMAND} --install ${CMAKE_BINARY_DIR}/
208
       suitesparse openblas
209
210 endfunction()
211
212 suitesparse_openblas()
213
214 # Find all source files in the src directory
215 file(GLOB RECURSE SRC FILES "${SRC DIR}/*.cpp")
216
217 if(WIN32)
218 set(EXE_SUFFIX "windows")
      set(EXE BLAS "mkl")
219
220 elseif(LINUX)
221 set(EXE_SUFFIX "linux")
222
     set(EXE BLAS "mkl")
223 elseif(APPLE)
224
      set(EXE_SUFFIX "macos")
225
    set(EXE_BLAS "accelerate")
226 else()
227
      set(EXE SUFFIX "unknown")
228 endif()
229
230 # Create the main executable target that uses MKL
231 add executable(main ${SRC FILES})
232 set_target_properties(main PROPERTIES
233 OUTPUT_NAME "main_${EXE_BLAS}_${EXE_SUFFIX}"
234 OUTPUT_NAME_RELEASE "main_${EXE_BLAS}_${EXE_SUFFIX}"
235
    RUNTIME_OUTPUT_DIRECTORY "${BIN_DIR}"
236
      RUNTIME_OUTPUT_DIRECTORY_RELEASE "${BIN_DIR}"
237 )
238
239 # Create the main executable target that uses OpenBLAS
240 add_executable(main_openblas ${SRC_FILES})
241 set_target_properties(main_openblas PROPERTIES
      OUTPUT NAME "main openblas ${EXE SUFFIX}"
242
243
      OUTPUT NAME RELEASE "main openblas ${EXE SUFFIX}"
```

```
244
      RUNTIME_OUTPUT_DIRECTORY "${BIN_DIR}"
245
      RUNTIME OUTPUT DIRECTORY RELEASE "${BIN DIR}"
246 )
247
248 # Set C++ standard to C++20
249 target_compile_features(main PRIVATE
250
      cxx_std_20
251 )
252 target_compile_features(main_openblas PRIVATE
253 cxx std 20
254 )
255
256 target_link_directories(main PRIVATE ${SUITESPARSE_MAIN_INSTALL_DIR}/lib)
    target_link_directories(main_openblas PRIVATE ${SUITESPARSE_OPENBLAS_INSTALL_DIR}/
257
258
259 if(WIN32)
260
      set(SUITESPARSE LIB SUFFIX " static")
261 endif()
262
263 # Link against SuiteSparse libraries using imported targets
264 target link libraries (main PRIVATE
265 cholmod${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
266 suitesparseconfig${SUITESPARSE LIB SUFFIX}
267
    amd${SUITESPARSE LIB SUFFIX}
268 camd${SUITESPARSE LIB SUFFIX}
269 colamd${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
270
    ccolamd${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
271 )
272 target link libraries (main openblas PRIVATE
273 cholmod${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
274 suitesparseconfig${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
275
     amd${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
276 camd${SUITESPARSE LIB SUFFIX}
      colamd${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
277
278
      ccolamd${SUITESPARSE_LIB_SUFFIX}
279 )
280
281 # Define include directories
282 set(INCLUDES
```

```
283
      ${LIB_DIR}/eigen
284
    ${LIB_DIR}/fast_matrix_market/include
285 )
286 # Add include directories
    target include directories(main PRIVATE ${INCLUDES}
    ${SUITESPARSE MAIN INSTALL DIR}/include/suitesparse)
target_include_directories(main_openblas PRIVATE ${INCLUDES}
    ${SUITESPARSE_OPENBLAS_INSTALL_DIR}/include/suitesparse)
289
290 set(COMPILER FLAGS "")
291
292 # Set up compiler flags for target main
293 if(MSVC)
     list(APPEND COMPILER_FLAGS /external:W0 /W4 /EHsc /02)
294
295
296
      # MKL setup for Windows
297
      target compile definitions (main PRIVATE -DEIGEN USE MKL ALL -DMKL ILP64)
298
299
      target include directories(main PRIVATE $ENV{MKLR00T}/include)
300
301
      target_link_directories(main PRIVATE $ENV{CMPLR_ROOT}/lib)
302
     target link libraries(main PRIVATE
303
       MKL::mkl intel ilp64
304
       MKL::mkl_intel_thread
305
        MKL::mkl_core
306
        libiomp5md.lib
307
    )
308 else()
309
     list(APPEND COMPILER_FLAGS -Wall -march=native -03)
310
311
     if(APPLE)
312
        execute process(
313
         COMMAND brew --prefix libomp
314
         OUTPUT VARIABLE LIBOMP PREFIX
315
          OUTPUT_STRIP_TRAILING_WHITESPACE
316
       )
        message (STATUS "OpenMP prefix location " ${LIBOMP_PREFIX})
317
318
        target compile definitions(main PRIVATE -D OPENMP -DUSING ACCEL)
319
       # find package(OpenMP REQUIRED PATHS ${LIBOMP PREFIX}/lib)
320
       target include directories(main PRIVATE ${LIBOMP PREFIX}/include)
```

```
321
        # target_compile_definitions(main PRIVATE EIGEN_USE_BLAS EIGEN_USE_LAPACK)
322
       target_link_directories(main PRIVATE ${LIBOMP_PREFIX}/lib)
323
       target link libraries(main PRIVATE
324
          "-framework Accelerate"
325
          "-lomp"
326
        )
327
      else() # here i'm linux
        list(APPEND COMPILER FLAGS -m64)
328
329
       target_compile_definitions(main_PRIVATE -DEIGEN_USE_MKL_ALL -DMKL_ILP64)
330
331
        # MKL setup for Linux
332
        target include directories(main PRIVATE $ENV{MKLR00T}/include)
333
334
        target_link_libraries(main PRIVATE
335
         -m64 -Wl,--start-group
336
         MKL::mkl intel ilp64
337
         MKL::mkl_intel_thread
338
          MKL::mkl_core
339
           -Wl,--end-group
           -liomp5 -lpthread -lm -ldl
340
341
       )
342
      endif()
343 endif()
344
    target_compile_definitions(main_openblas PRIVATE -DEIGEN_USE_BLAS -
345
    DEIGEN USE LAPACK -DOPEN BLAS)
346 if(APPLE)
347 execute_process(
348
       COMMAND brew --prefix openblas
349
       OUTPUT VARIABLE OPENBLAS DIR
350
       OUTPUT_STRIP_TRAILING_WHITESPACE
351
352
      target_include_directories(main_openblas PRIVATE ${OPENBLAS_DIR}/include)
      target link directories(main openblas PRIVATE ${OPENBLAS DIR}/lib)
353
354 else()
355
      target include directories(main openblas PRIVATE ${OPENBLAS DIR}/include)
356 endif()
357
358 if(WIN32)
359
    target_link_libraries(main_openblas PRIVATE
```

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 49 Sanvito Marco 886493

```
360
        ${OPENBLAS_DIR}/lib/libopenblas.lib
361
362 elseif(APPLE)
      target link libraries (main openblas PRIVATE
364
         -lopenblas
365
366 else() # here i'm linux
      target_link_libraries(main_openblas PRIVATE
368
        -fopenmp
369
       -lopenblas64
370
    )
371 endif()
372
373 # Finalize the target properties
374 target compile options(main PUBLIC ${COMPILER FLAGS})
375 add dependencies (main copy override files suitesparse main)
376 install(TARGETS main)
377
378 target_compile_options(main_openblas PUBLIC ${COMPILER_FLAGS})
379 add_dependencies(main_openblas copy_override_files suitesparse_openblas)
380 install(TARGETS main openblas)
381
    message(STATUS "CMake configuration complete. Run 'make' or 'cmake --build . --
    config Release' to build the project.")
```

Codice 2

5.2. MATLAB

File: main.m

```
files = dir("matrices/*.mat"); % Get all .mat files in the matrices
                                                                                ◆ MATLAB
1
    folder
2
3
    matricesNum = length(files);
4
    structArray = repmat(struct('os', string(computer('arch')), 'timestamp', "",
5
     'exception', "None", 'matrixName', "", ...
         'matrixSize', 0, 'rows', 0, 'cols', 0, 'nonZeros', 0, ...
6
7
         'loadTime', 0.0, 'loadMem', 0.0, ...
8
         'decompTime', 0.0, 'decompMem', 0.0, ...
9
         'solveTime', 0.0, 'solveMem', 0.0, 'relativeError', 0.0), matricesNum, 1);
10
```

```
fprintf("- Processing %d matrices...\n", matricesNum);
12
13
    for i = 1:matricesNum
        name = files(i).name;
14
        matrixName = erase(name, ".mat");
15
16
        fprintf(" - Processing matrix %d/%d: %s\n", i, matricesNum, matrixName);
17
        structArray(i).timestamp = datetime;
18
        structArray(i).matrixName = matrixName;
19
20
        try
21
             java.lang.System.gc();
22
             pause(10);
23
24
             % Read matrix
             fprintf(" 1. Loading matrix...\n");
25
26
             profile clear:
27
             profile -memory on;
28
             matData = load(fullfile("matrices", name));
29
             profile off;
30
             [loadTime, loadMemAlloc, loadMemFreed] = getProfileResults();
31
32
             profile clear;
33
34
             A = matData.Problem.A;
35
             clear matData;
36
             [rows, cols] = size(A);
37
             nonZeros = nnz(A);
38
             aBytes = whos('A').bytes;
39
             fprintf("
                            ✓ Matrix loaded (%.2f ms), Memory used (%d) \n", loadTime,
40
             loadMemAlloc + loadMemFreed);
41
             fprintf("
                            ✓ Matrix properties:\n");
42
             fprintf("
                              - Matrix type: %s\n", class(A));
                              - Matrix Memory Usage: %d\n", aBytes);
43
             fprintf("
             fprintf("
                              - Matrix size: %d x %d\n", rows, cols);
44
45
             fprintf("
                              - Non-zero entries: %d\n", nonZeros);
46
47
             structArray(i).loadTime = loadTime;
48
             structArray(i).loadMem = loadMemAlloc + loadMemFreed;
49
             structArray(i).matrixSize = aBytes;
```

```
50
             structArray(i).rows = rows;
51
             structArray(i).cols = cols;
52
             structArray(i).nonZeros = nonZeros;
53
54
             % Cholesky decomposition
             fprintf("
                          2. Performing Cholesky decomposition with AMD Ordering ...
55
             \n");
56
57
             profile clear;
             profile -memory on;
58
             [R, flag, perm] = chol(A, 'vector');
59
60
             profile off;
61
62
             [decompTime, decompMemAlloc, decompMemFreed] = getProfileResults();
63
             profile clear;
64
             % Check if the matrix is not symmetric positive definite
65
66
             if flag ~= 0
                 structArray(i).exception = "The matrix is not symmetric positive"
67
                 definite";
                                △ Cholesky decomposition failed (%.2f ms), Memory used
                 fprintf("
68
                 (%d)\n", decompTime, decompMemAlloc + decompMemFreed);
69
70
                 clear A;
71
                 clear perm;
72
                 clear R;
73
                 continue;
74
             end
75
76
             structArray(i).decompTime = decompTime;
77
             structArray(i).decompMem = decompMemAlloc + decompMemFreed;
78
                            ✓ Cholesky decomposition completed (%.2f ms), Memory used
             fprintf("
79
             (%d)\n", decompTime, decompMemAlloc + decompMemFreed);
80
81
             % Define expected solution
82
             xe = ones(cols, 1);
             b = A(perm, perm) * xe;
83
84
85
             clear A;
86
             clear perm;
```

```
87
88
            % Solve system
89
            fprintf("
                        3. Solving system...\n");
90
            profile clear:
91
            profile -memory on;
92
            x = R \setminus (R' \setminus b);
93
            profile off;
94
95
            [solveTime, solveMemAlloc, solveMemFreed] = getProfileResults();
96
            profile clear;
97
98
                          ✓ System solved (%.2f ms)\n", solveTime);
            fprintf("
99
100
            structArray(i).solveTime = solveTime;
101
            structArray(i).solveMem = solveMemAlloc + solveMemFreed;
102
103
            clear R;
104
            clear b;
105
106
            % Relative error
            fprintf(" 4. Calculating relative error...\n");
107
108
            relativeError = norm(x - xe) / norm(xe);
109
                        ✓ Relative error: %.2e\n", relativeError);
            fprintf("
110
111
            clear x;
112
            clear xe;
113
            structArray(i).relativeError = relativeError;
114
115
            structArray(i).exception = "";
116
        catch exception
            structArray(i).exception = replace(exception.message, newline, ' - ');
117
            118
119
120
            clear A;
121
            clear perm;
122
            clear R;
123
            clear b;
124
            clear x;
125
            clear xe;
126
```

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 53 Sanvito Marco 886493

```
127
            continue;
128
        end
129
        fprintf(" - Processed matrix %d/%d: %s\n", i, matricesNum, matrixName);
130 end
131
132 % Write results to CSV
133 resultFile = "bench_" + computer('arch') + ".csv";
134 fprintf("- Writing results to " + resultFile + "...\n");
135
136 results = struct2table(structArray);
137 writetable(results, resultFile);
138
139 fprintf("✓ Results saved.\n");
140 fprintf("✓ All matrices processed!\n");
```

```
1 function [execTime, memAllocated, memFreed] = getProfileResults()
                                                                               ◆ MATLAB
   % GETPROFILERESULTS Get the profiling results for the last profile session.
2
3 %
       [execTime, memAllocated, memFreed] = getProfileResults()
4
5
       Returns:
6
7 %
       execTime
                      - Execution time in milliseconds
        memAllocated - Memory allocated in bytes
8
  %
9 %
         memFreed
                      - Memory freed in bytes
10 %
11 %
       Example:
         [time, memAlloc, memFreed] = getProfileResults();
12 %
13
14
       p = profile('info');
       profileData = p.FunctionTable;
15
16
       % Extract both timing and memory information
17
       execTime = sum([profileData.TotalTime]) * 1000;
18
19
       memAllocated = sum([profileData.TotalMemAllocated]);
20
       memFreed = sum([profileData.TotalMemFreed]);
21 end
```

Codice 4: helper function File: sparse lib versions.m

```
function sparse_lib_versions

◆ MATLAB

2
       spparms('spumoni',2)
3
4
       load west0479
5
       C = west0479;
6
       A = C * C';
7
       n = size(A,1);
8
       b = rand(n,1);
9
10
       filename = fullfile(tempdir, 'sparse_info.txt');
11
       fclose(fopen(filename,'wt')); % erase existing file
12
       diary(filename);
13
14
       chol(A);
15
       p = amd(A);
       p = colamd(A);
16
17
       x = C \setminus b;
18
       x = A \setminus b;
19
20
       S = C (:, 1:n-1);
21
       x = S \setminus b;
22
23
       diary off
24
       spparms('spumoni',0)
25
26
       hyperlink = ['<a href="matlab:edit(''' filename ''')">' filename '</a>'];
27
       fprintf('\n=> sparse matrix library versions (from %s):\n', hyperlink);
28
       fprintf( '===========\n');
29
30
       try
31
           % Open the file for reading
           fileID = fopen(filename, 'r');
32
33
           if fileID == -1
34
               error('File could not be opened.');
35
           end
36
37
           % Read the file line by line
38
           while ~feof(fileID)
39
               line = fgets(fileID); % Get the current line
40
```

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 55 Sanvito Marco 886493

```
% Check for the desired patterns
41
42
               if contains(line, 'version ')
                   disp(['Found: ', line]); % Display the matching line
43
44
               if contains(line, 'UMFPACK V')
45
46
                    disp(['Found: ', line]); % Display the matching line
47
               end
48
           end
49
50
           % Close the file after reading
           fclose(fileID);
51
       catch ME
52
53
           % Handle errors gracefully
54
           disp(['Error: ', ME.message]);
55
       end
56 end
```

Codice 5: sparse lib versions

Metodo del Calcolo Scientifico - Assignment 1 - Decomposizione con metodo di Cholesky - 56 Pellegrini Damiano 886261

Bibliografia

- [1] T. Davis, «DrTimothyAldenDavis/SuiteSparse». Consultato: 9 aprile 2025. [Online]. Disponibile su: https://github.com/DrTimothyAldenDavis/SuiteSparse
- $[2] \quad \text{``BLAS' (Basic Linear Algebra Subprograms')''}. \quad Consultato: \\ 8 \quad \text{maggio 2025.} \quad [Online]. \quad Disponibile su: \\ \text{'`https://netlib.org/blas/plass'} \quad Disponibile su: \\ \text{'`https://netlib.org/blass'} \quad Disponibile su: \\ Disponi$
- [3] «LAPACK Linear Algebra PACKage». Consultato: 8 maggio 2025. [Online]. Disponibile su: https://netlib.org/lapack/