Descrição do Projeto

Projeto realizado pelos alunos

Daniel Thielmann

Gustavo Martins

Hiero Costa

Professor e Orientador

Gabriel Souza

Disciplina

DCC103 - Neurociência Computacional

Resumo

Este projeto implementa o modelo de Hodgkin-Huxley (HH) para descrever a propagação de potenciais de ação em um neurônio modelado como um cabo unidimensional (1D) com bainha de mielina. O modelo é baseado na equação do cabo e nos princípios biofísicos do modelo HH para correntes iônicas. A simulação calcula a evolução do potencial de membrana ao longo de uma fibra axonal em função do tempo e do espaço.

O código é projetado para:

- 1. Simular a dinâmica do potencial de membrana em uma fibra com bainha de mielina.
- 2. Produzir um GIF animado mostrando a evolução da voltagem ao longo do tempo para o caso onde se tem uma região com e sem bainha de mielina.

Requisitos de Execução

Dependências

As bibliotecas necessárias são:

- numpy: Para operações matemáticas e manipulação de arrays.
- matplotlib: Para geração de gráficos e visualização.
- imageio: Para criação de GIFs animados.

Instale essas dependências com:

pip install numpy matplotlib imageio

Execução

A simulação é executada via terminal com a seguinte estrutura de comando:

\$ python main.py config.txt

- main.py: Nome do script Python.
- config.txt: Arquivo contendo informações do projeto.

Entradas

O código aceita os seguintes parâmetros, que podem ser configurados no arquivo parametros.json que pode ser definido no config.txt para a execução do código. Foram criados 2 tipos de exemplos-base do arquivo parametros.json, onde se tem a diferença apenas nos parâmetros referentes a colocação da mielina e maneira em que será aplicada a corrente no axônio:

Parâmetros Biofísicos

- C m: Capacitância da membrana (μF/cm²) padrão: 1.0.
- g Na: Condutância máxima dos canais de sódio (mS/cm²) padrão: 120.0.
- g K: Condutância máxima dos canais de potássio (mS/cm²) padrão: 36.0.
- g L: Condutância de vazamento (mS/cm²) padrão: 0.3.
- **E** Na: Potencial de reversão dos canais de sódio (mV) padrão: 50.0.
- E_K: Potencial de reversão dos canais de potássio (mV) padrão: -77.0.
- E_L: Potencial de reversão da corrente de vazamento (mV) padrão: -54.387.

Parâmetros Geométricos

- a: Raio do axônio (μm) padrão: 15.
- R: Resistência longitudinal do axônio (ohm·cm) padrão: 5000.

Parâmetros de Simulação

- dx: Passo espacial (cm) padrão: 0.01.
- **dt**: Passo temporal (ms) padrão: 0.01.
- L: Comprimento total do axônio (cm) padrão: 3.0.
- T: Tempo total de simulação (ms) padrão: 50.0.

Corrente Externa

- J: Array com dados onde está sendo aplicada uma corrente numa região da fibra do axônio por um determinado tempo.
 - Por ter um formato [tempo, tamanho da fibra] colocamos como base de entrada uma corrente constante no ponto inicial do axônio, ou seja, no ponto [tempo, 1] temos a corrente valendo 20 μA/cm².
 - Para o segundo caso de parâmetros temos que se coloca a onde se inicia a mielina, onde se finaliza e qual o valor em μA/cm² da corrente aplicada dentro dum formato de dicionário como demostrado no arquivo parametros2.json.

Mielina

- Mie: Array com dados onde está sendo colocada a mielina no corpo do axônio.
 - Por ter um formato [tamanho da fibra] colocamos como base de entrada valores 0 onde não tem mielina e 1 onde tem mielina.
 - Para o segundo caso de parâmetros temos que se coloca a onde se inicia a mielina e onde se finaliza ela dentro dum formato de dicionário como demostrado no arquivo parametros2.json.

Saídas

1. Tabela de Dados

O código gera uma matriz contendo os valores do potencial de membrana para cada ponto espacial e cada instante de tempo.

2. GIF Animado

Um GIF chamado propagacao_potencial.gif é criado, mostrando a evolução do potencial ao longo do tempo e do espaço. Já para o caso com mielina um GIF nomeado

propagacao_potencial_mielina.gif é gerado, mostrando também a evolução do potencial ao longo do tempo e do espaço, agora contabilizando a mielina marcada em vermelho.

Descrição das Funções

Funções Auxiliares

Estas funções calculam as taxas de transição para os canais iônicos:

- alpha n(V), beta n(V): Parâmetros do canal de potássio.
- alpha m(V), beta m(V): Parâmetros do canal de sódio (ativação).
- alpha_h(V), beta_h(V): Parâmetros do canal de sódio (inativação).

Função Principal

hodgkin huxley 1D()

- Simula a propagação do potencial de ação ao longo do axônio.
- Utiliza métodos numéricos para resolver a equação diferencial parcial da equação do cabo.
- Retorna uma matriz 2D (V time) com os valores do potencial de membrana.

Função de Visualização

create_hodgkin_huxley_gif(V_time, Mie, output_gif_path, dx, dt, y_amplitude, frame_skip)

- Cria um GIF animado mostrando a propagação do potencial ao longo do tempo.
- Configura a escala dos gráficos para manter a consistência visual.

Fluxo de Execução

1. Inicialização:

- Abre o arquivo config.txt com informações do projeto.
- o Define os parâmetros biofísicos, geométricos e de simulação.
- o Configura as condições iniciais para os gates e o potencial de membrana.

2. Simulação:

• Itera ao longo do tempo, calculando os valores do potencial de membrana e atualizando os estados dos canais iônicos.

3. Armazenamento dos Resultados:

 Armazena os valores calculados em uma matriz 2D para visualização posterior.

4. Visualização:

- o Gera gráficos para momentos específicos da simulação.
- o Cria um GIF para representar a evolução do potencial.

Exemplo de Execução

Parâmetros Utilizados

```
C_m = 1.0
g_N = 120.0
g_K = 36.0
g_L = 0.3
E_N = 50.0
E_K = -77.0
E_L = -54.387
e_L = -54.387
e_L = 5000
e_L = 0.02 ou 0.05, ou para o caso sem mielina 0.01
e_L = 0.0001 ou 0.001, ou para o caso sem mielina 0.01
e_L = 3.0
```

OBS: os valores de dx e dy foram separados em conjuntos para indicar as combinações q podem ser utilizadas. Os 2 primeiros valores foram calculados a partir da fórmula de restrição " $k*dt/dx^2 \le 1/2$ " para garantir a convergência do método já que se trata de uma Equação Diferencial Elíptica.

Resultado Esperado

• Um GIF mostrando a propagação da voltagem ao longo do axônio para cada caso. Um com e outro sem mielina.

Conclusão

Este projeto oferece uma implementação robusta e personalizável para simular e visualizar a propagação do potencial de ação em um neurônio modelado como um cabo 1D. Ele é uma ferramenta poderosa para entender a dinâmica biofísica dos neurônios, permitindo análise visual e ajustabilidade.