

Lista 2 MS21.L02: Modelowanie epidemii

Modelowanie Stochastyczne

Zadanie 1

Parametry modeli do zadań 1-3: $I_0 = 1$, $\beta = 0.5$, $\gamma = 0.1$, $\sigma = 0.1$, $\eta = 0.1$, $N_0 = 1000$

- ➊ Na podstawie teorii, kodów i przykładów dla modelu SIR, zaimplementuj wykorzystując schemat Eulera i przedstaw na wykresach w skali liniowej i logarytmicznej ewolucję czasową modeli (patrz slajdy 17-21):
(a) SI, (b) SIS, (c) SIRS

Posiadając parametry zbudowany został model SIR w trzech wariantach

dwa stany	SI
dwa stany zapętlone	SIS
i trzy stany zapętlone	SIRS

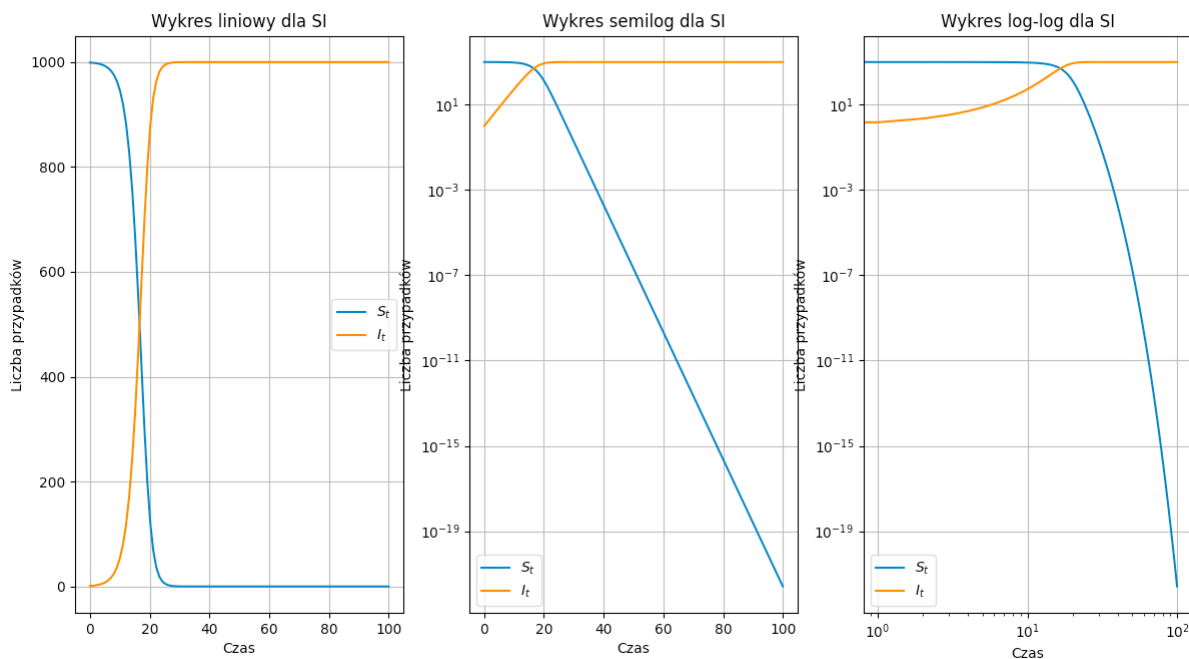
Algorytm wykorzystuje wzór:

$$S_{t+1} = S_t + \Delta t \left(-\frac{\beta}{N} I_t S_t \right)$$

, czyli przybliżenie różniczki do różnicy

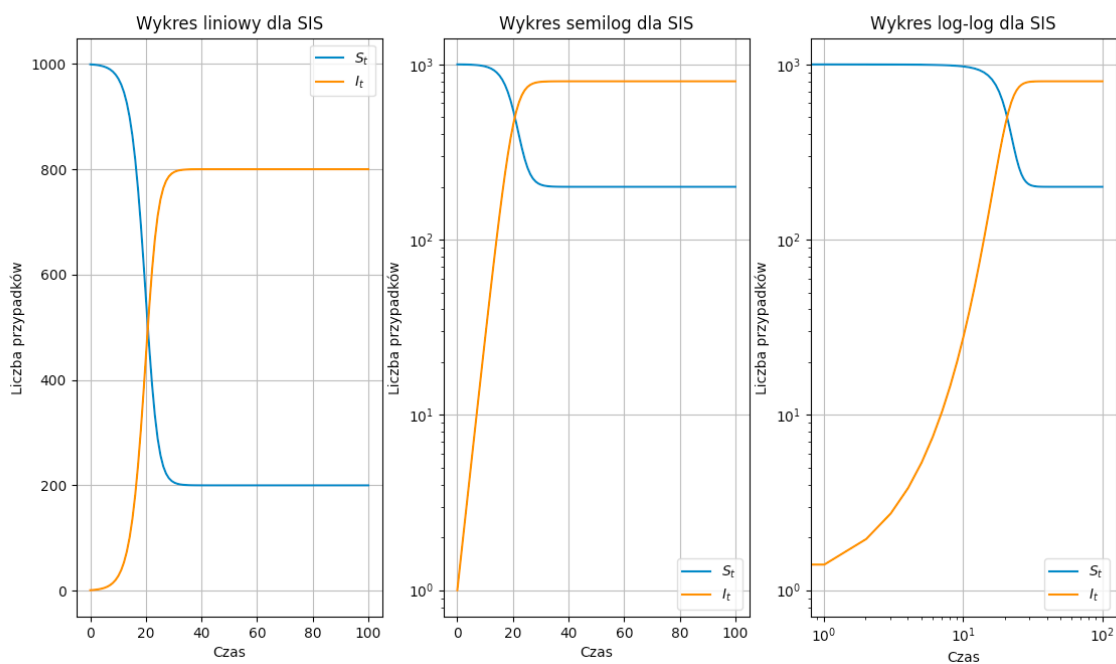
Wynikiem kodu z zadania 1 są reprezentacje modeli w postaci wykresów (liniowy, semilog i loglog):

a) Si



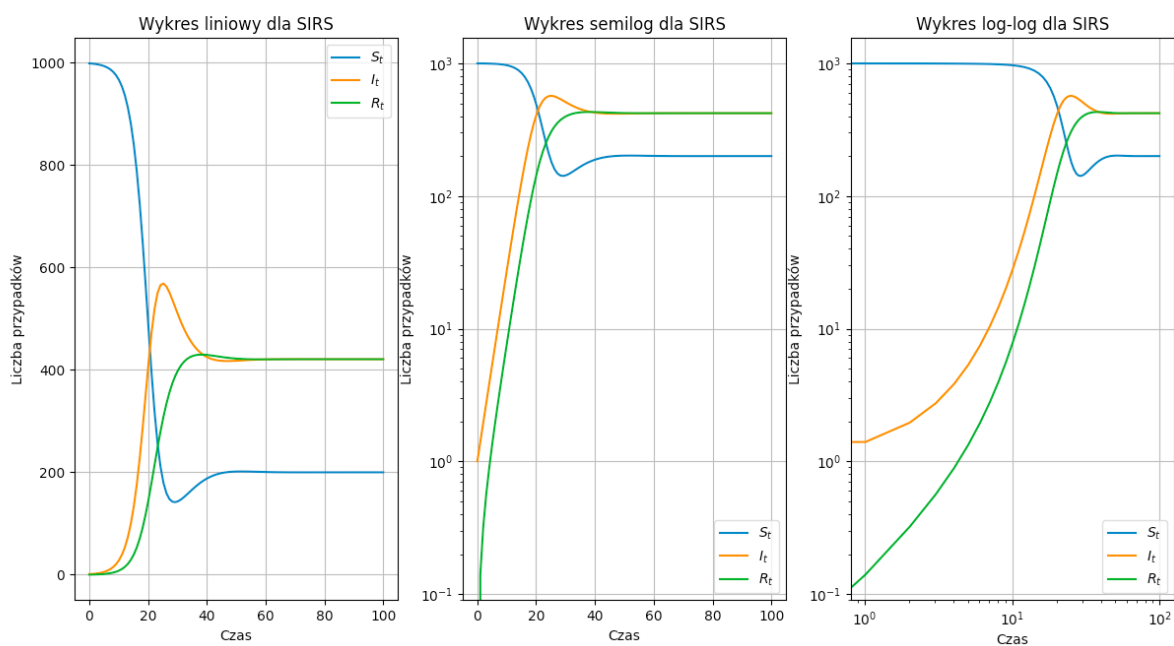
b) SIS

SIS



c) SIRS

SIRS

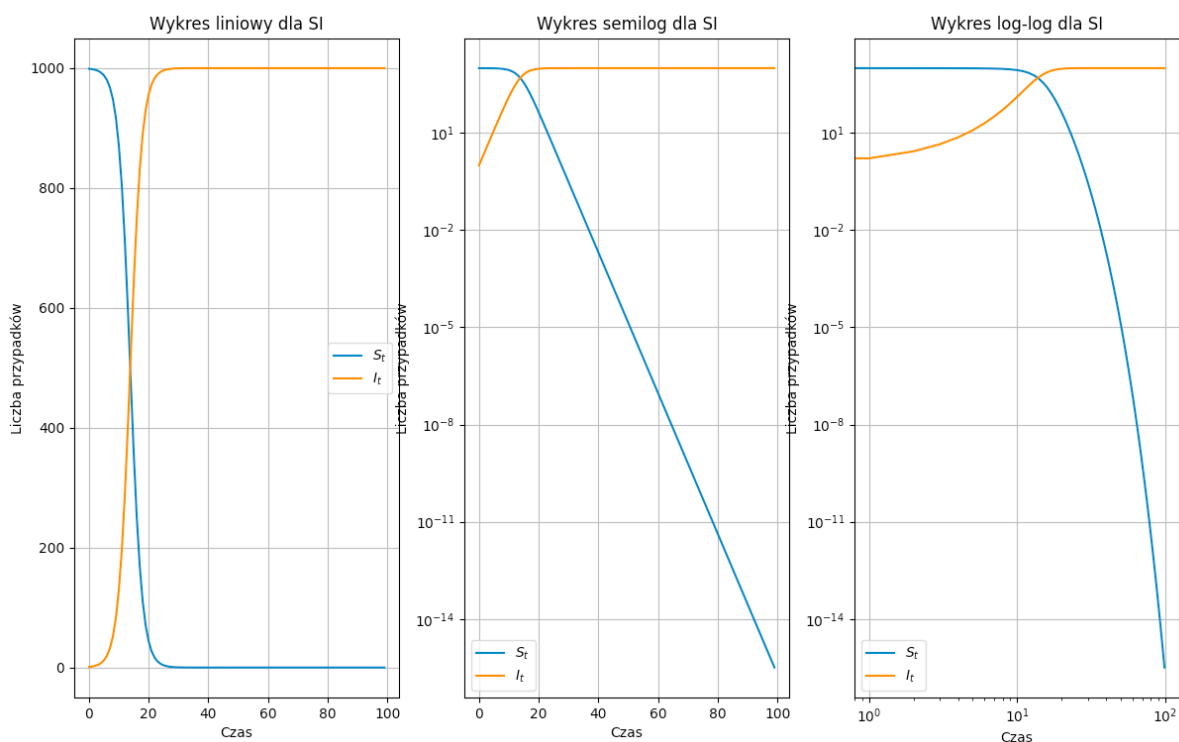


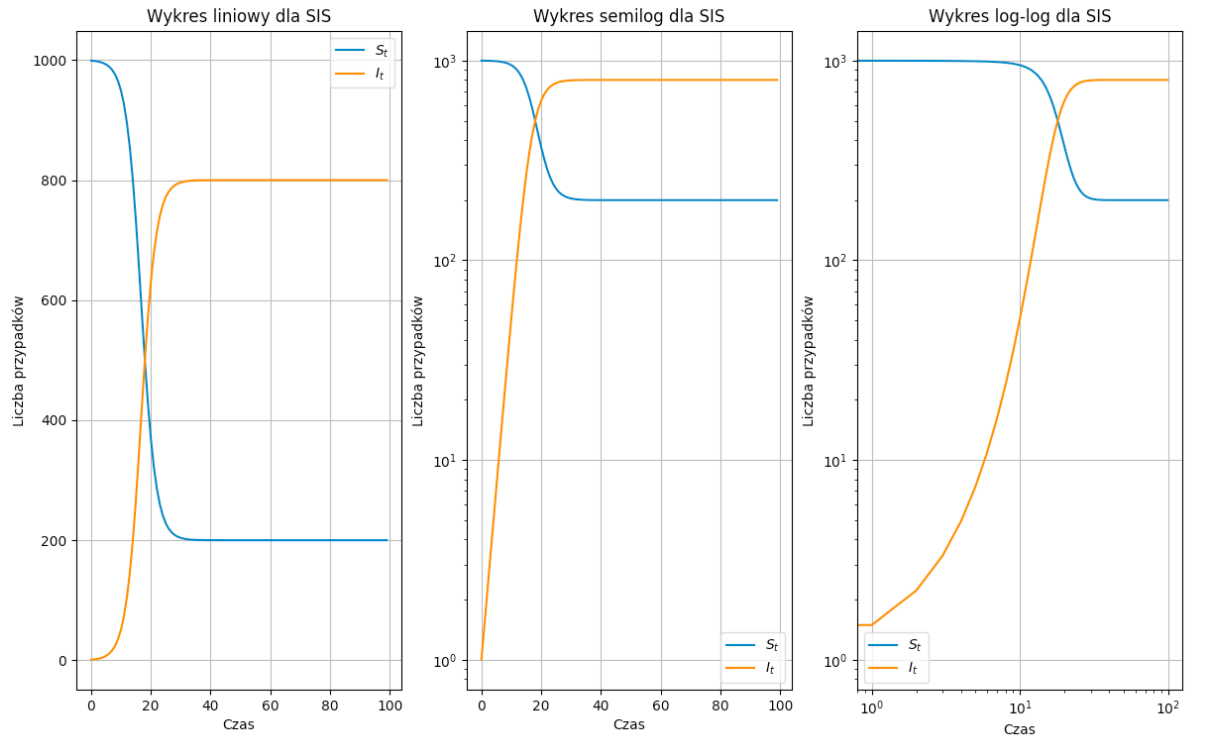
Zadanie 2

- Na podstawie teorii, kodów i przykładów dla modelu SIR, zaimplementuj wykorzystując metodę DOPRI (w Matlabie funkcja ode45.m) i przedstaw na wykresach w skali liniowej i logarytmicznej ewolucję czasową modeli:
(a) SI, (b) SIS, (c) SIRS

Przebieg problemu wygląda tak samo jak w zadaniu pierwszym jedynie zmieniony został sposób implementacji modelu, mianowicie użyta została metoda DOPRI w pythonie metoda RK45 z biblioteki scipy.integrate.

Wykresy:



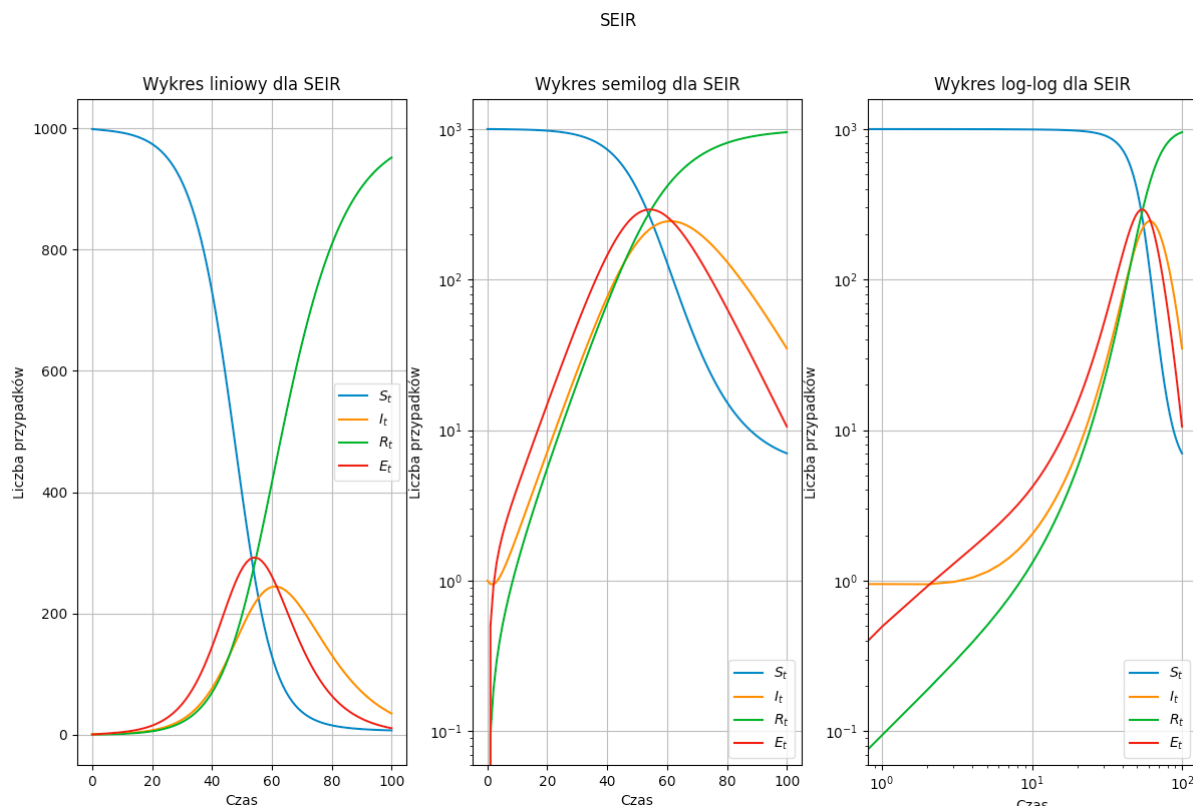


Zadanie 3

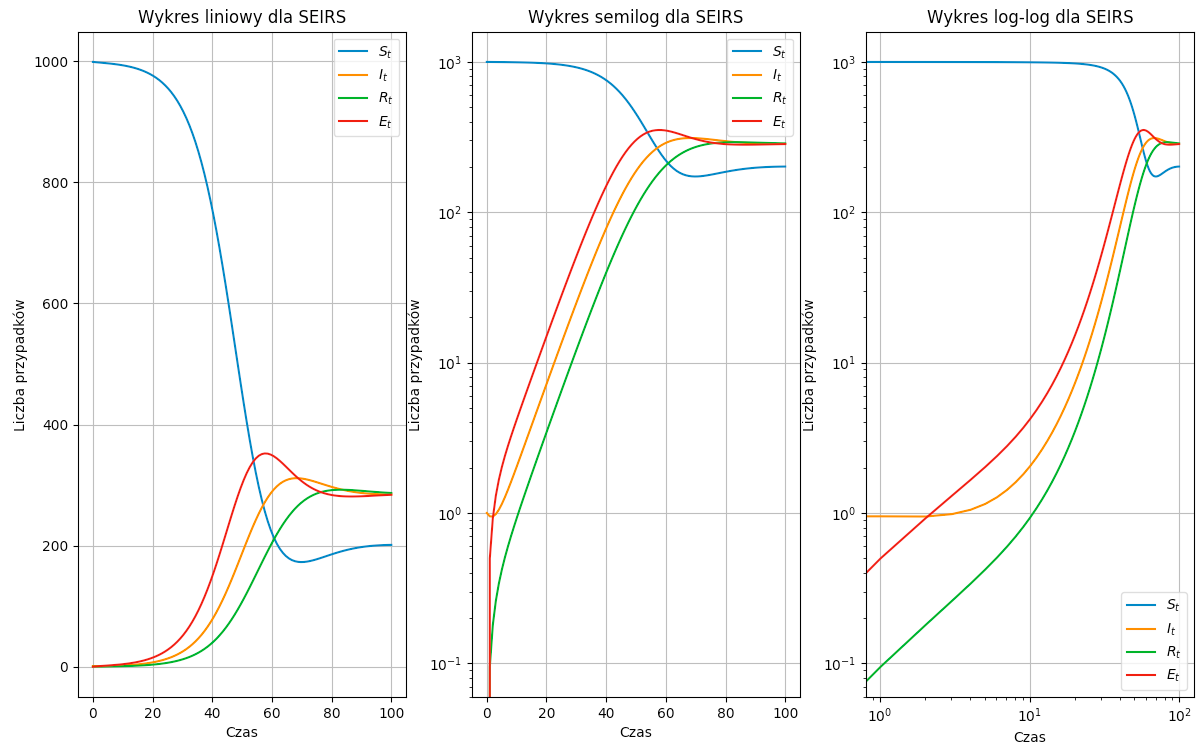
- Powtórz zadania 1 i 2 dla modeli:
(d) SEIR, (e) SEIRS

Wykresy dla modeli SEIR i SEIRS z zadań 1 i 2 (pliki źródłowe zadania 1 i 2 posiadają metody tworzące model SEIR i SEIRS):

Zadanie 1:

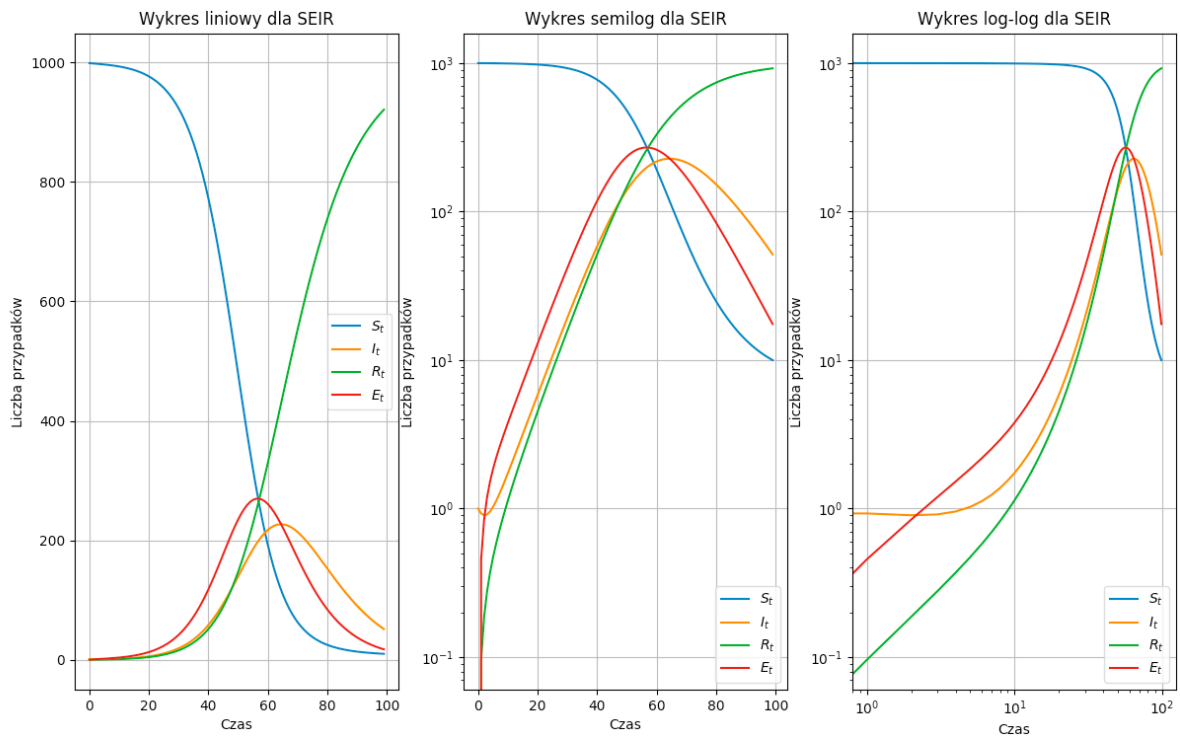


SEIRS

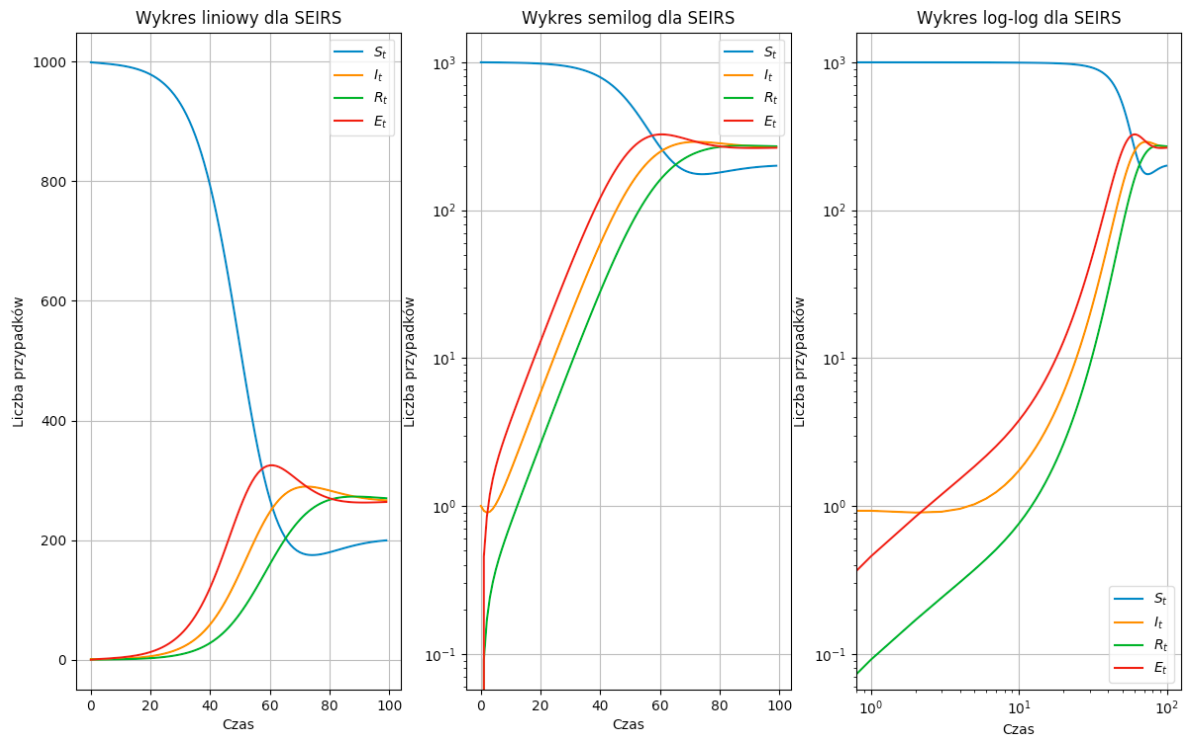


Wykresy z zadania 2 metodą DOPRI:

SEIR



SEIRS



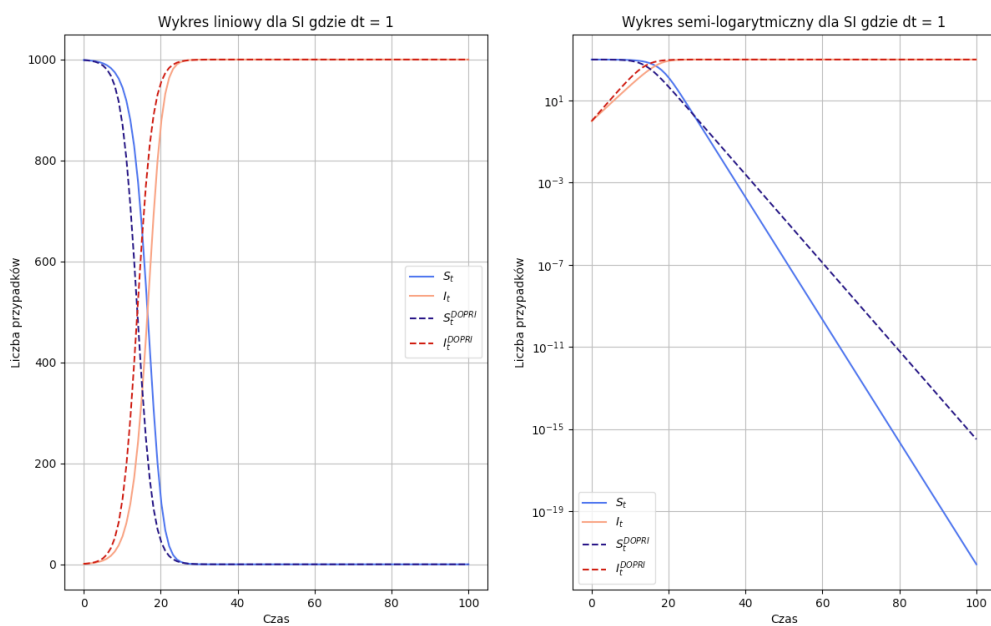
Zadanie 4

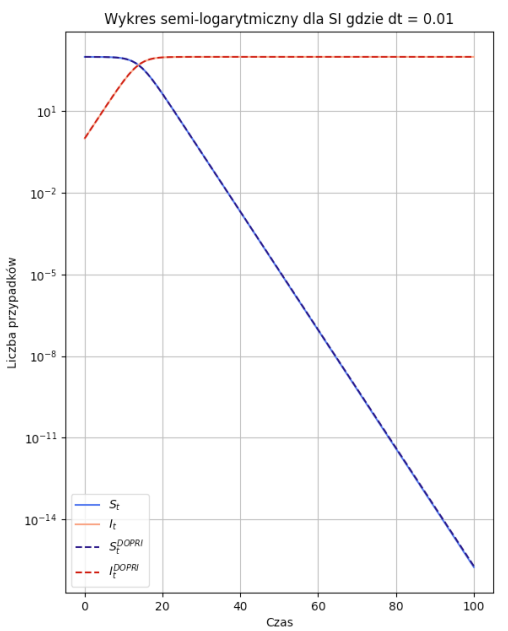
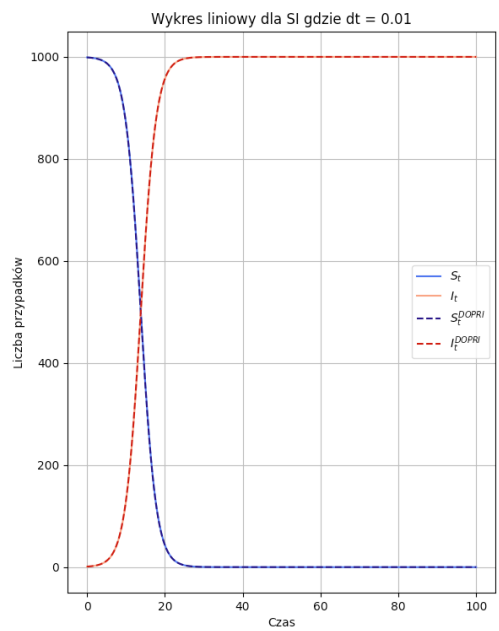
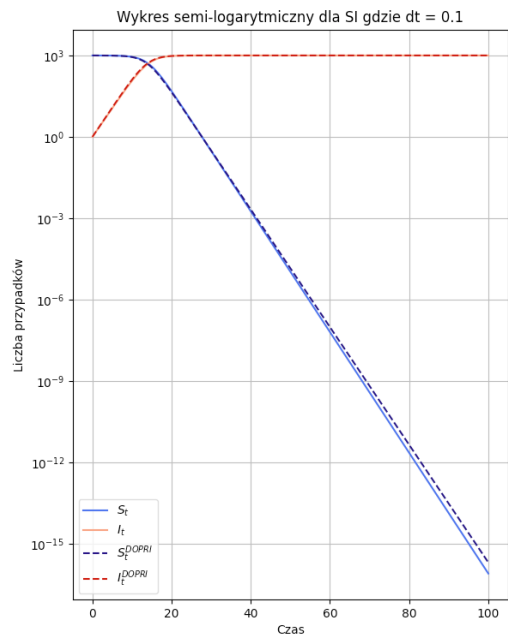
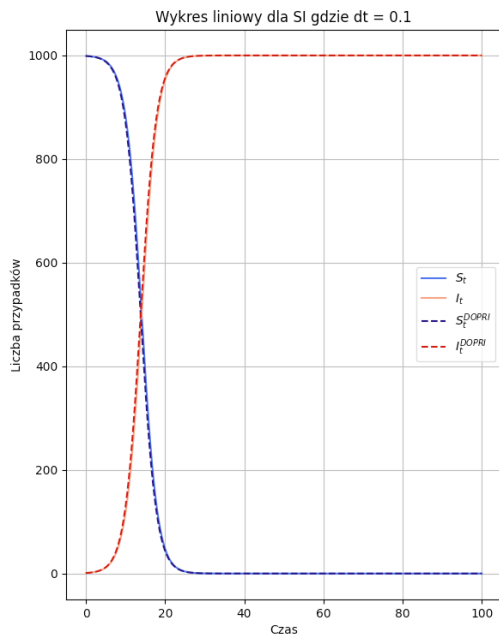
- Porównaj wyniki zadań 1 i 2 dla $\Delta t = 1, 0.1, 0.01, 0.001$ w metodzie Eulera.

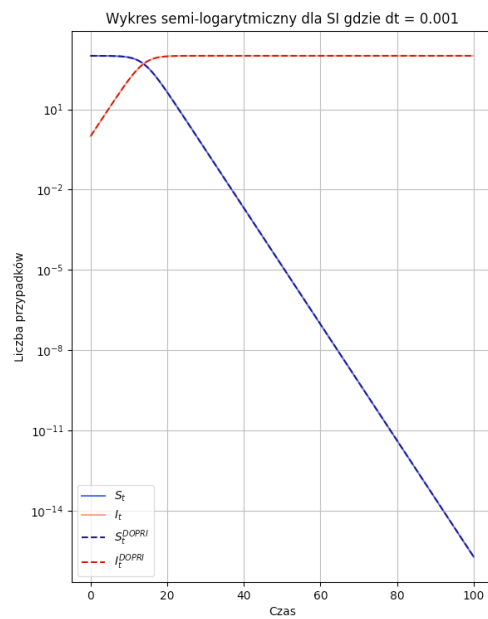
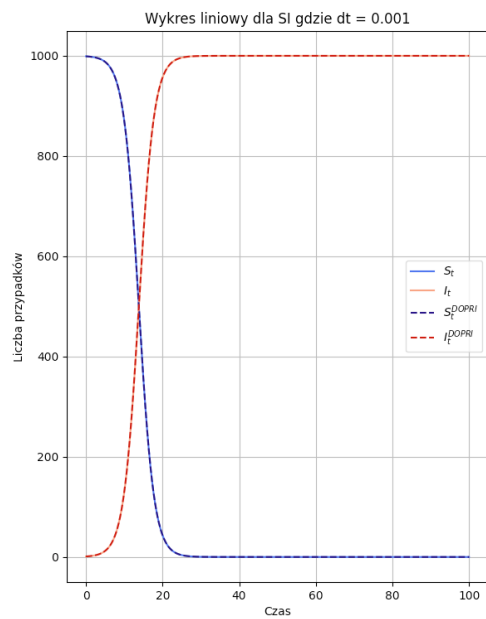
Stworzony został kod źródłowy, który rysuje na jednym wykresie wyniki porównawcze.

Oto wykresy:

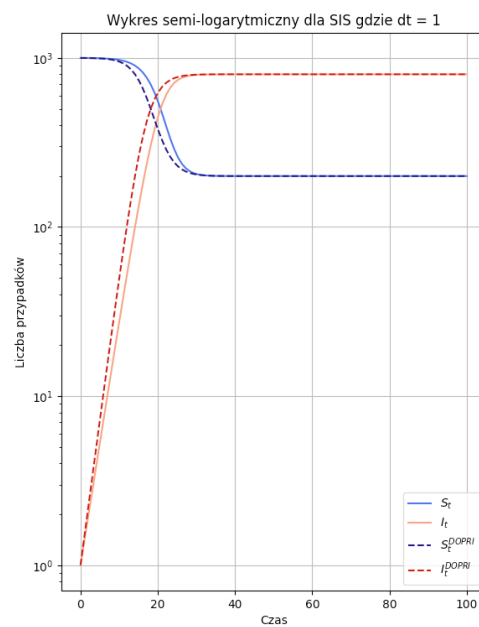
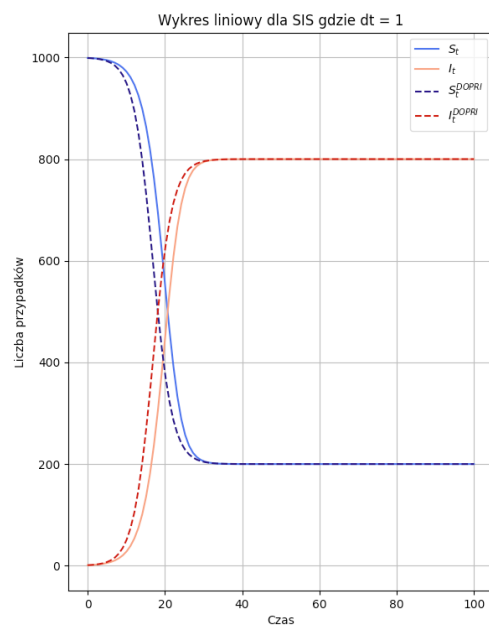
SI:

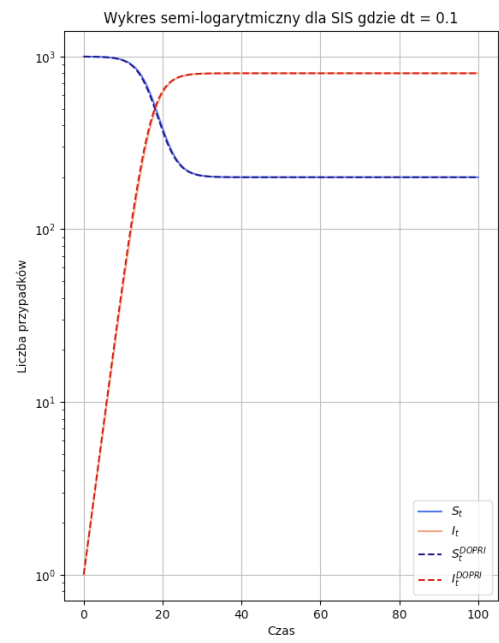
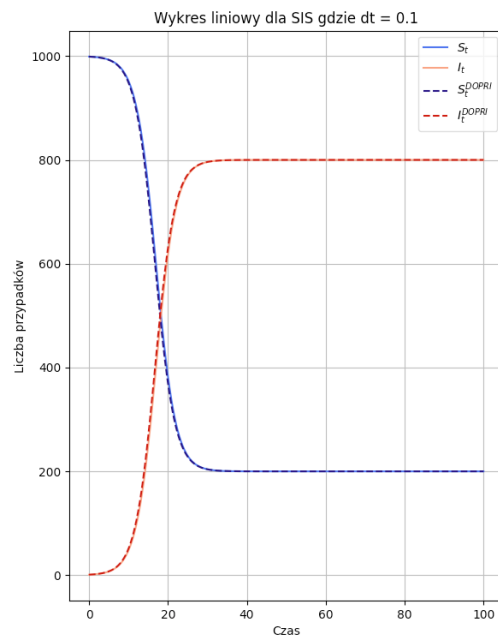


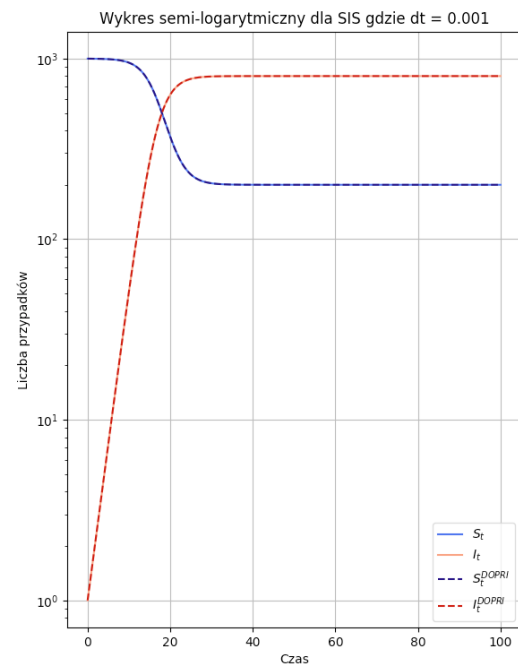
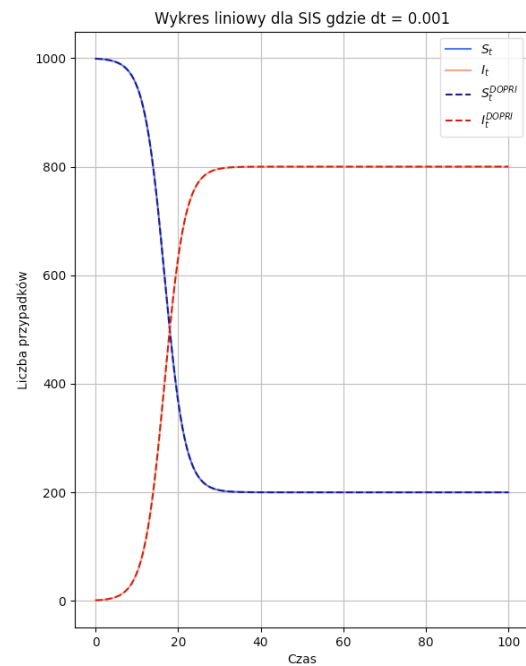
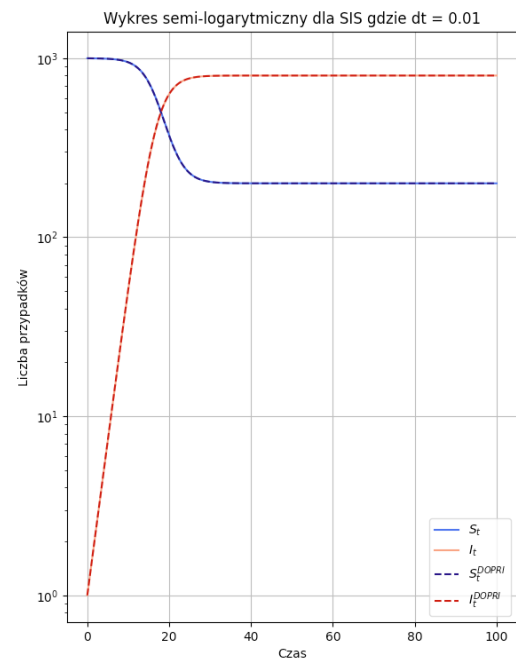
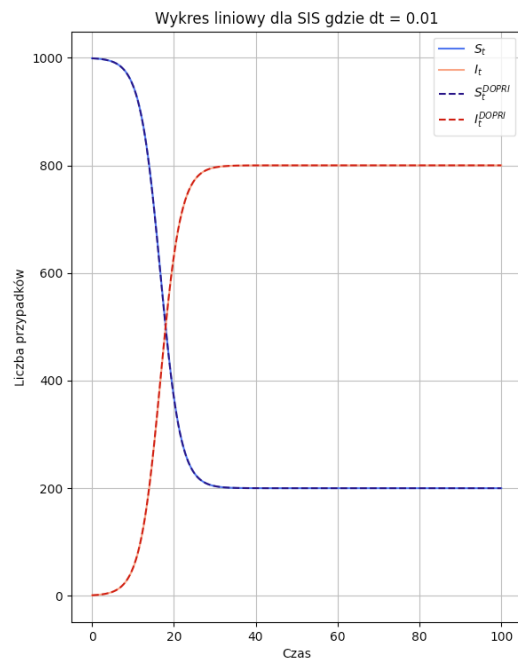


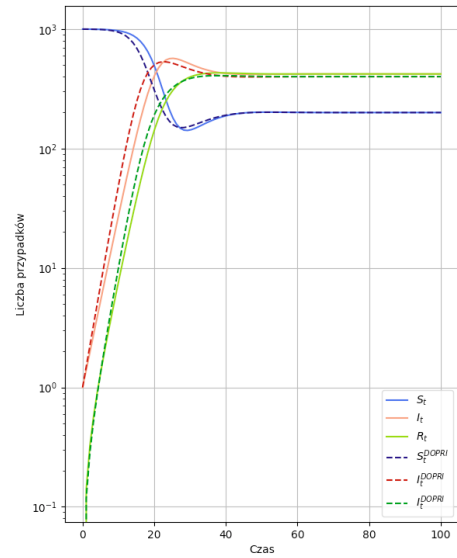
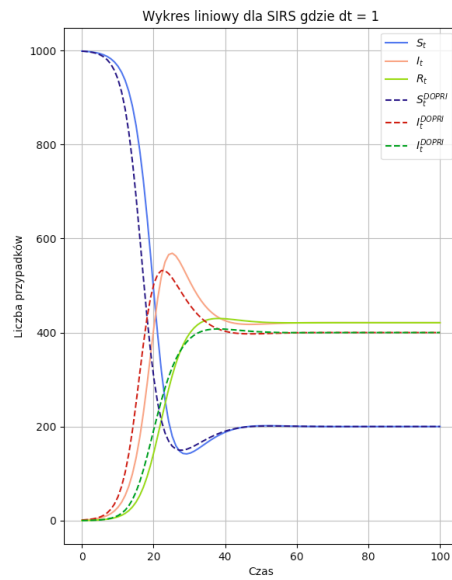


- SIS:

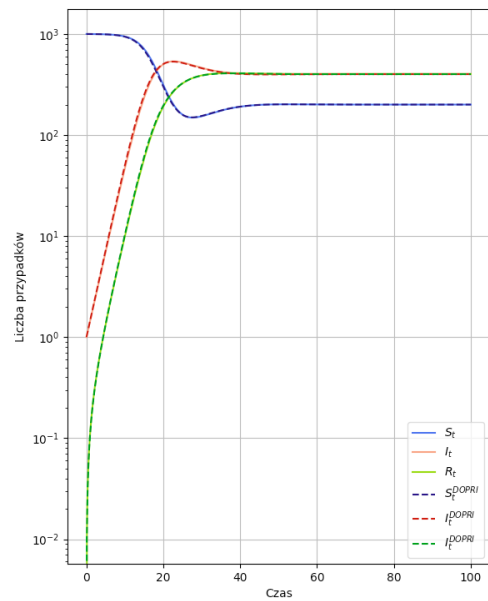
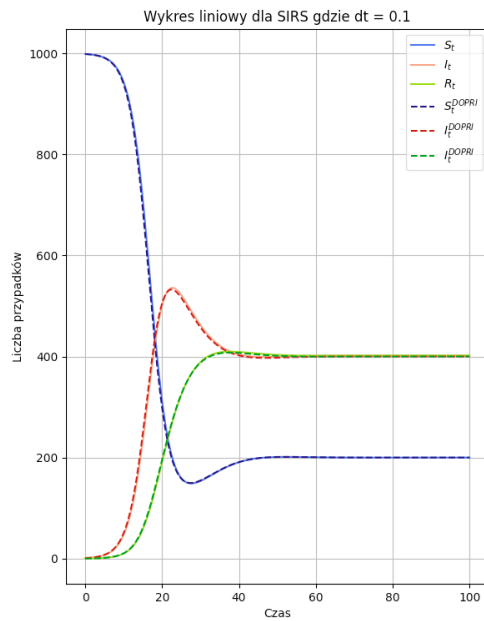


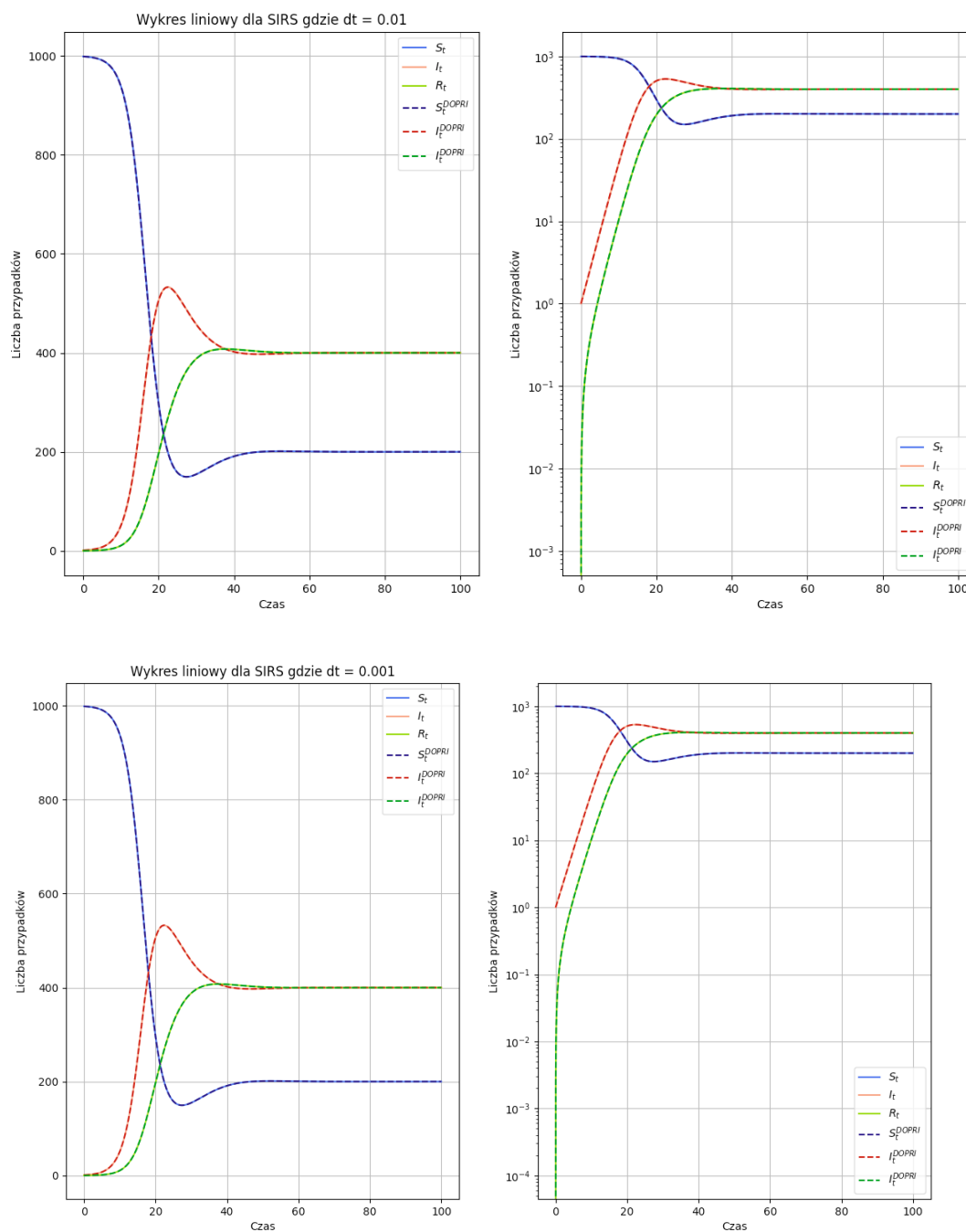






- SIRS:



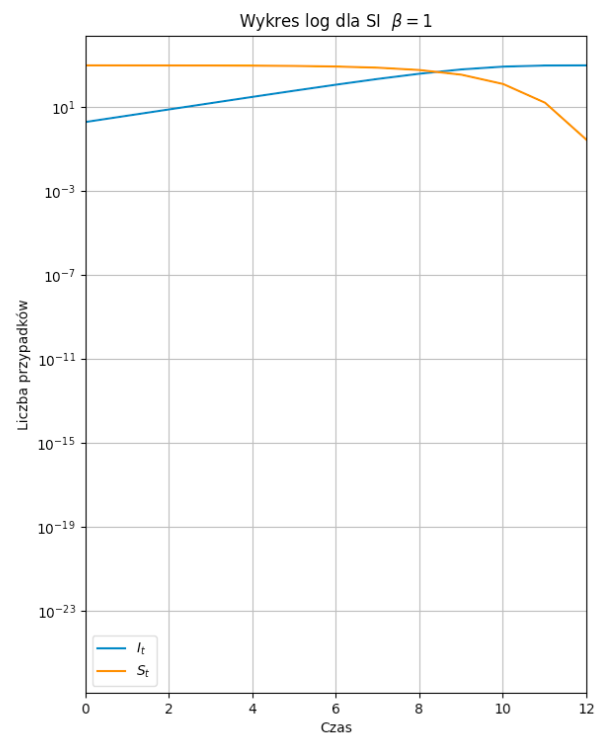
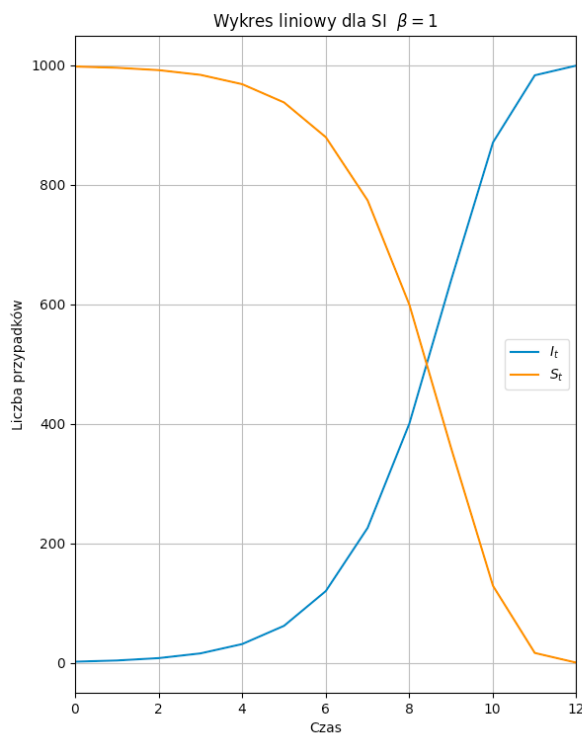


Wnioskiem możemy być tutaj fakt, że wzrasta dokładność obydwu metod, przybliżanie różniczki z mniejszą różnicą jest dokładniejsze jak i metoda DOPRI przez co wykresy obu metod pokrywają się wraz ze zmniejszaniem różnicy Δt .

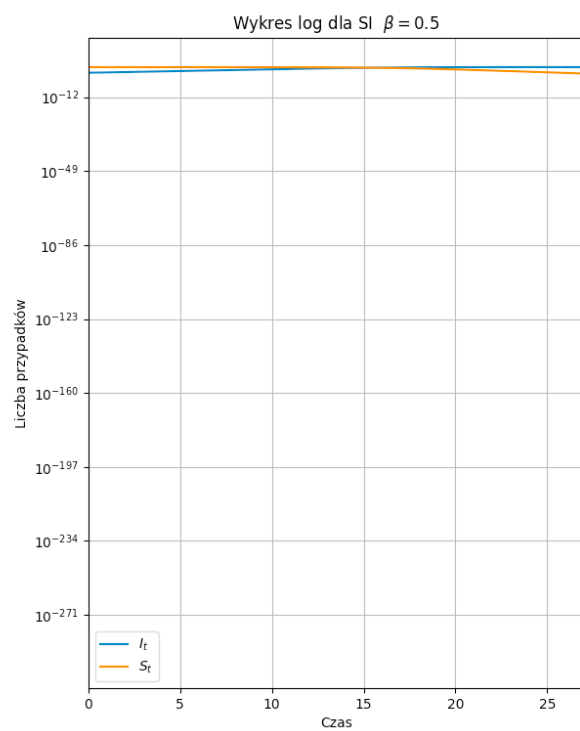
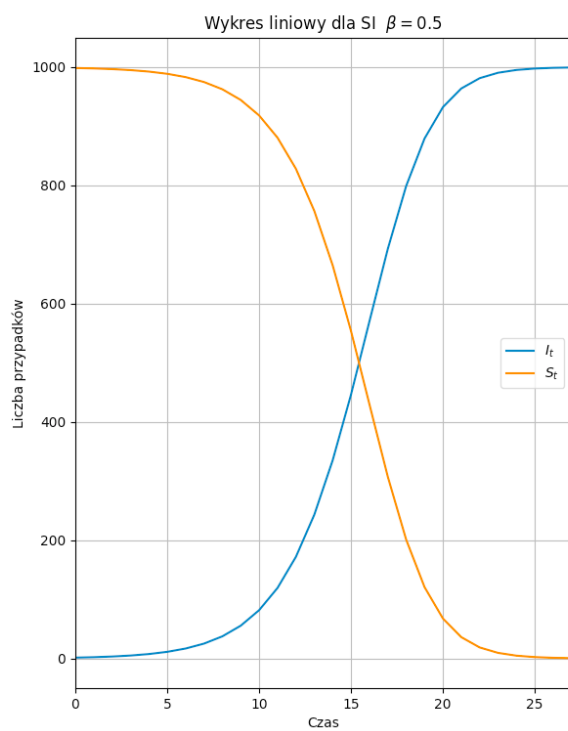
Zadanie 5

- 5 Dla modelu SI zbadaj wpływ wartości parametru β na czas stabilizacji układu (czas w którym $I(t) \geq N_0 - 1$).

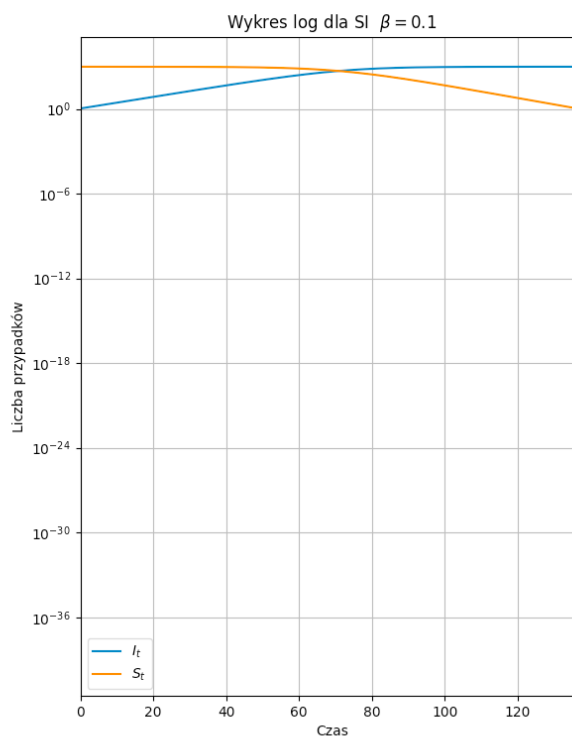
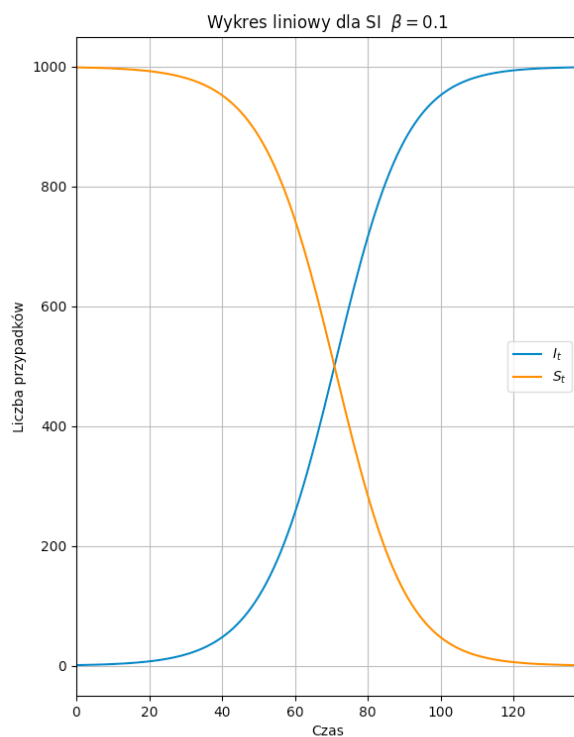
$$\beta = 1$$



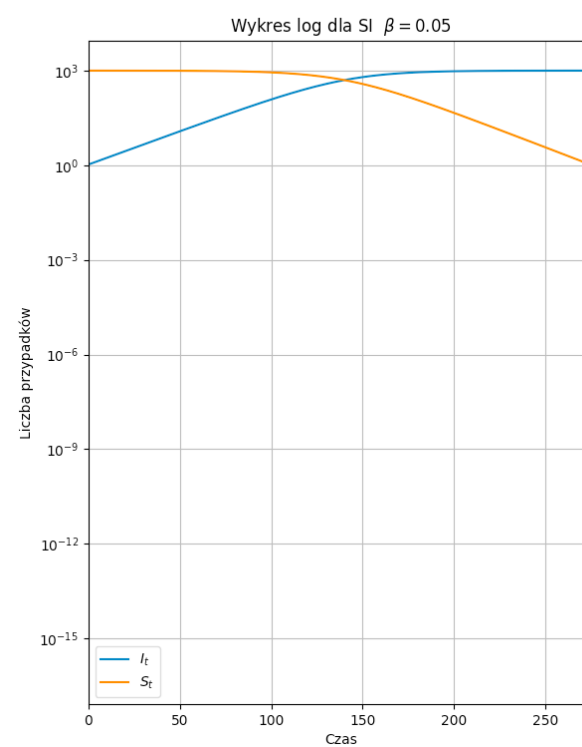
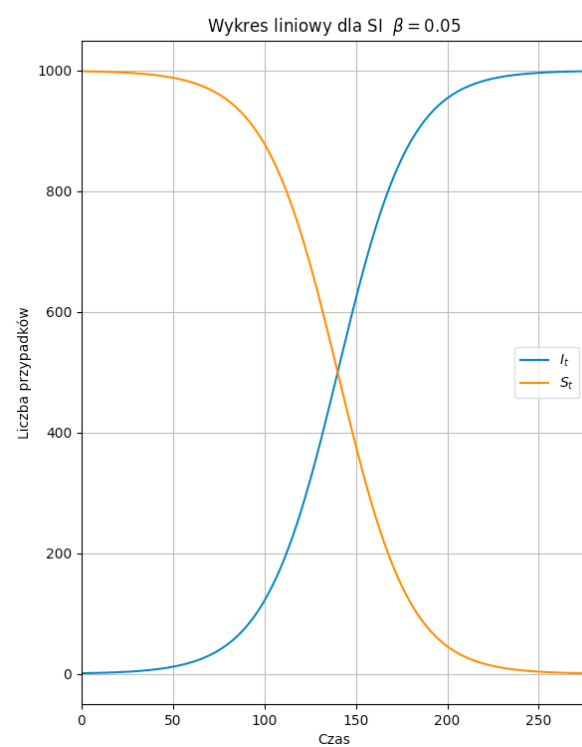
$$\beta = 0.5$$



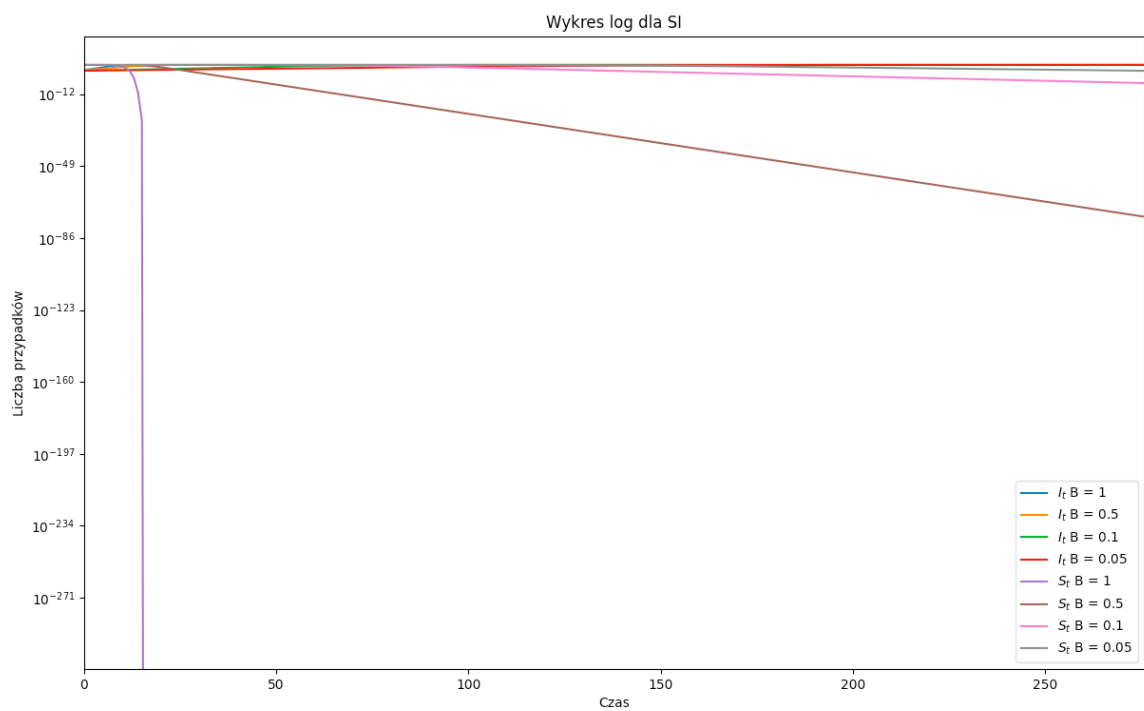
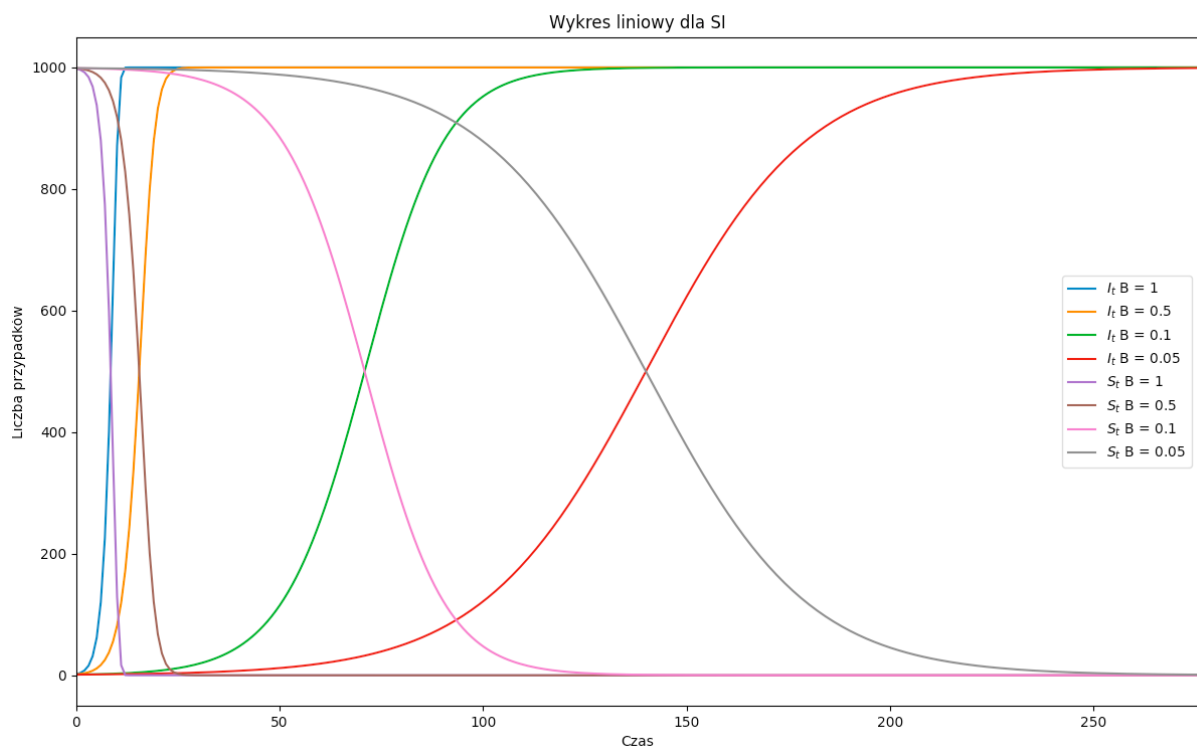
$$\beta = 0.1$$



$$\beta = 0.05$$



Razem:



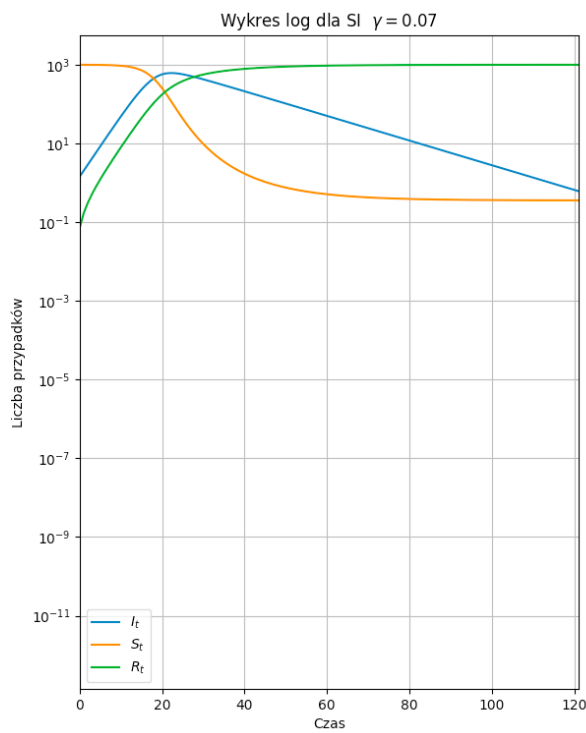
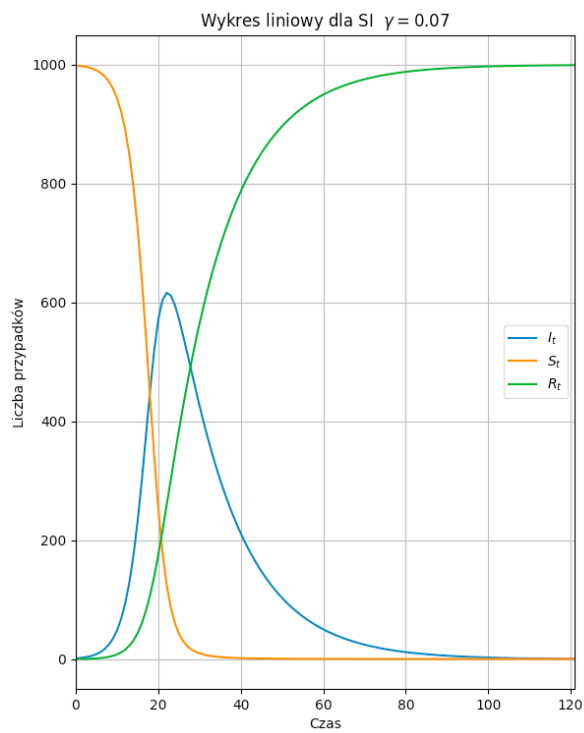
Wniosek jaki widzimy dla współczynnika Beta to że dla równego 1 tempo wzrostu zarażonych osób jest bardzo szybkie w porównaniu do tempa dla Beta równego 0.05

Zadanie 6

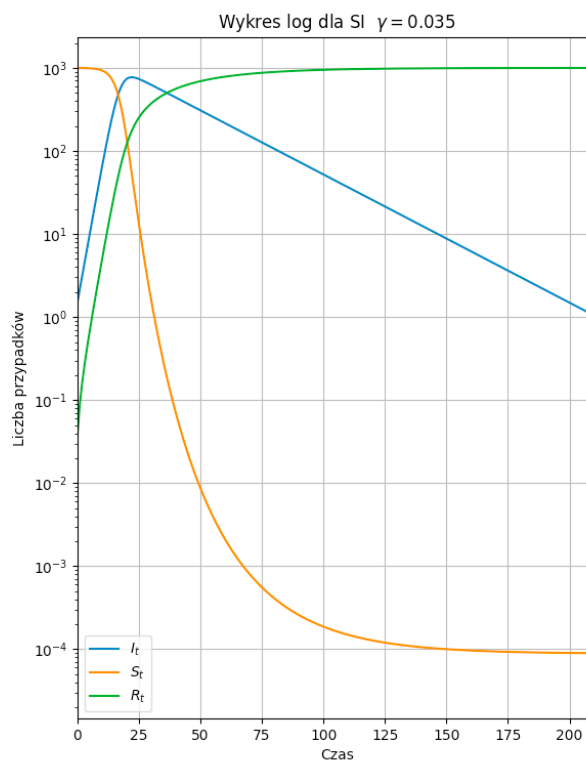
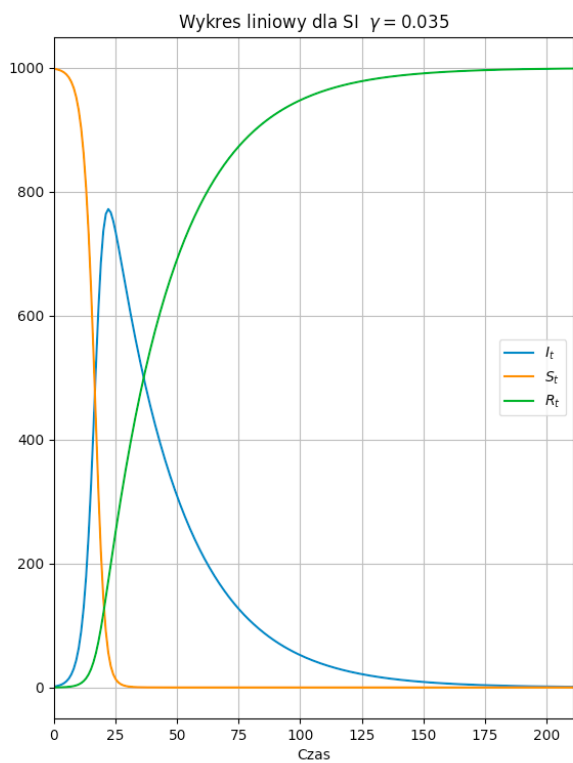
- 8 Dla modelu SIR zbadaj wpływ wartości parametru γ na czas stabilizacji układu (czas w którym $R(t) \geq N_0 - 1$).

Wykresy przedstawiają poszczególne wykresy dla gamma równego 0,07 0,035 0,05 0,025

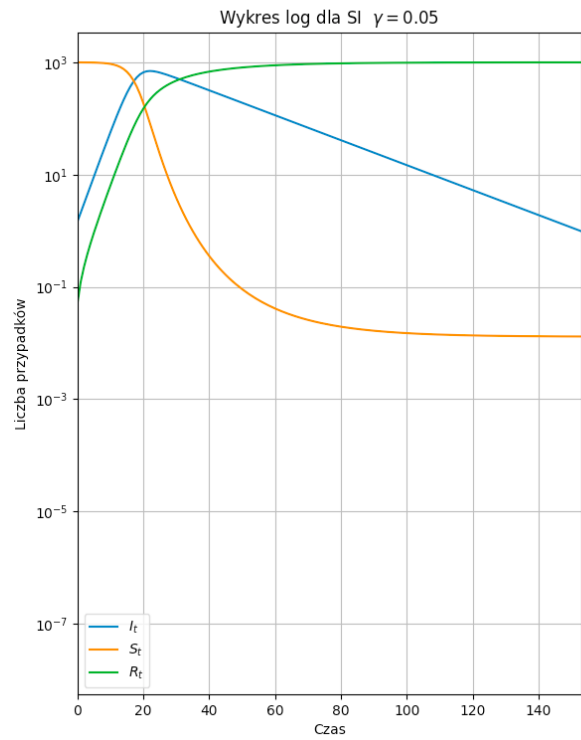
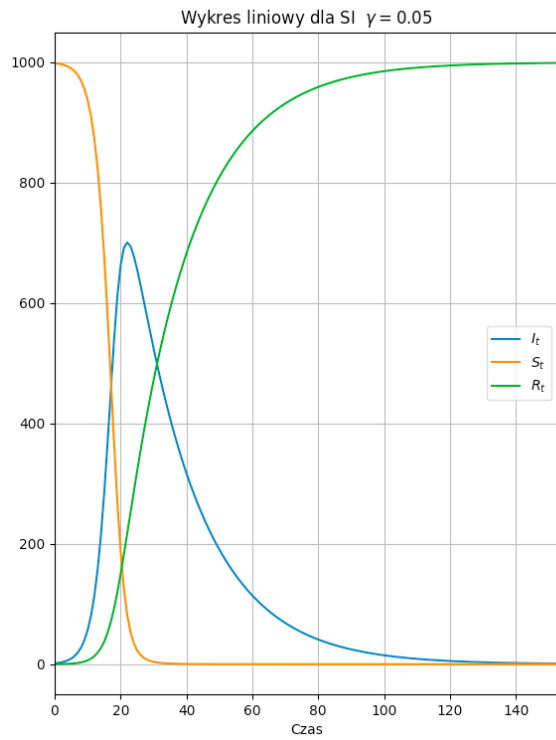
$\gamma = 0.07$



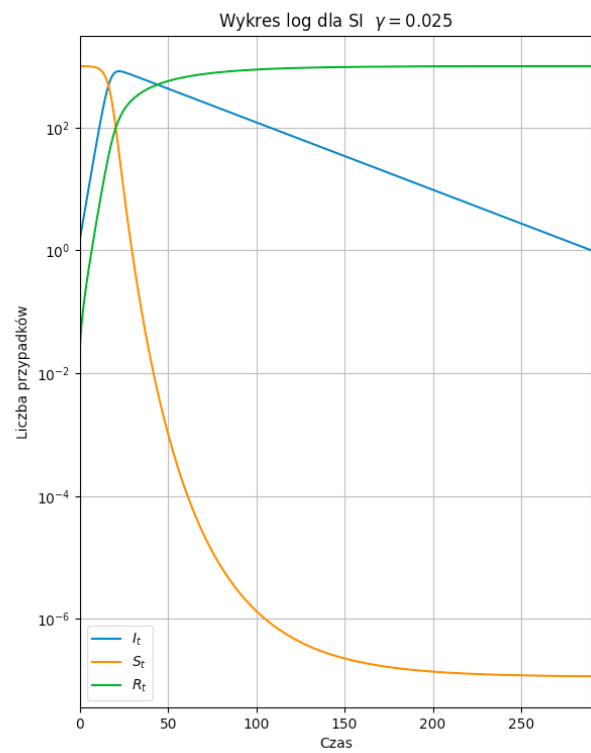
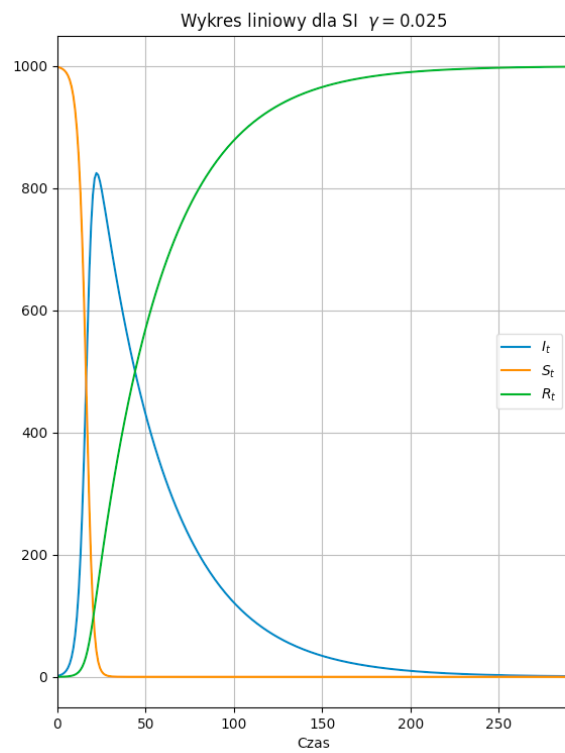
$\gamma = 0.035$

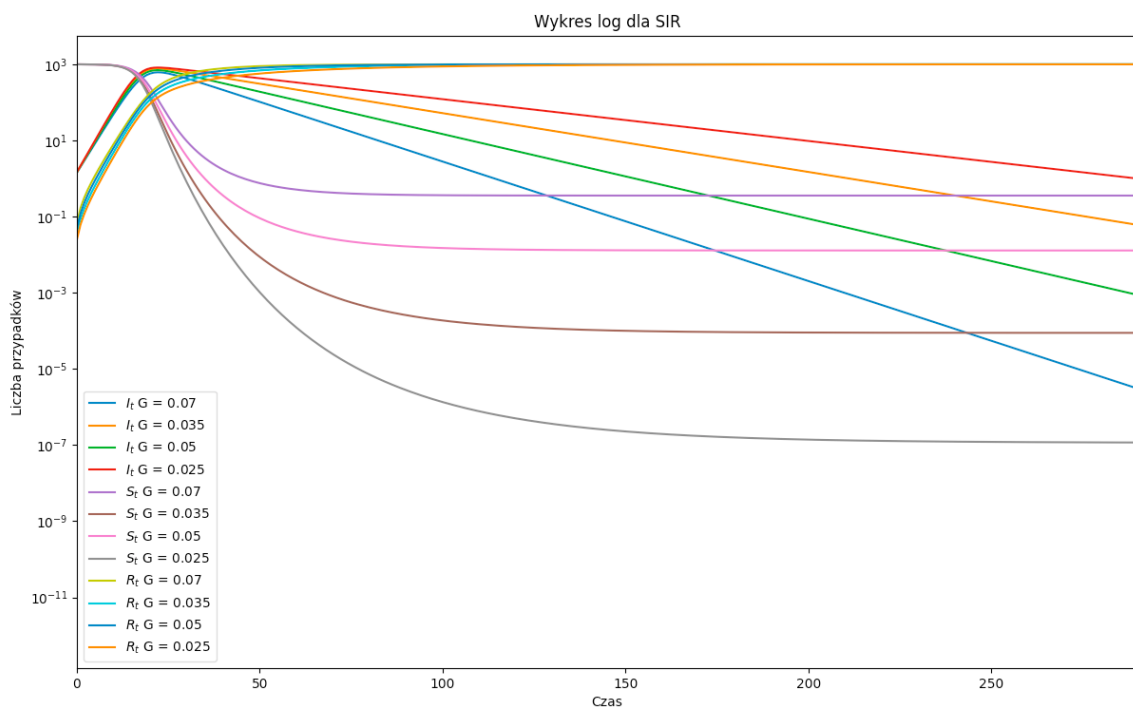
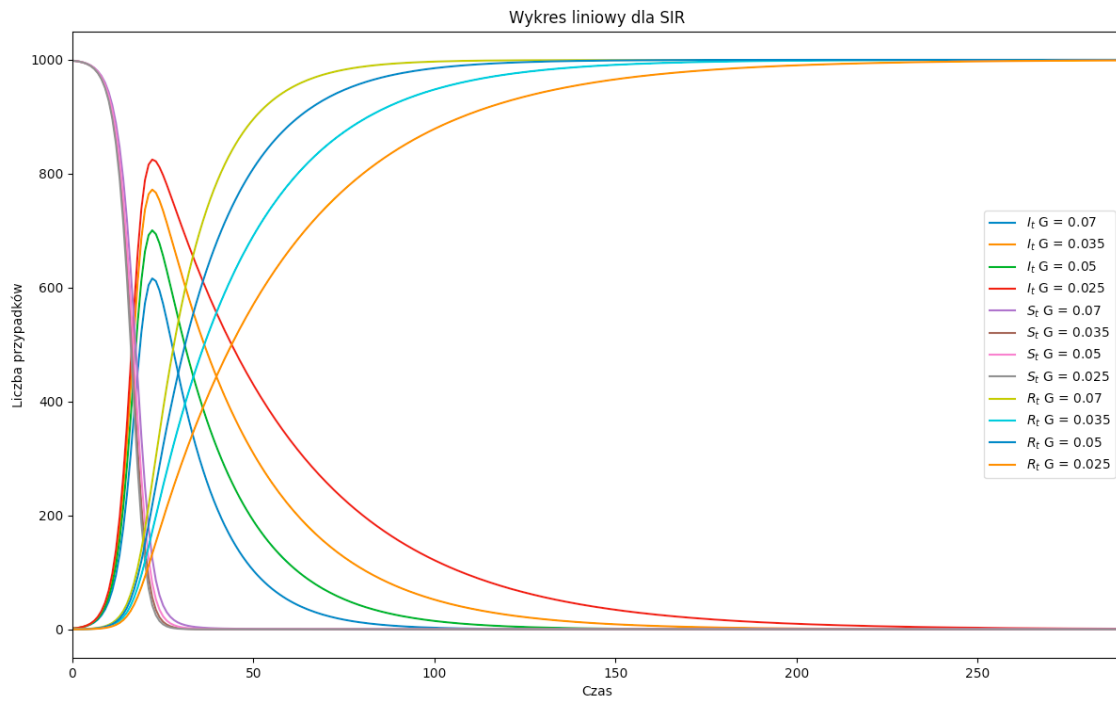


$$\gamma = 0.05$$



$$\gamma = 0.025$$





Wnioskiem dla współczynnika gamma jest to, że rośnie liczba zarażonych w szybszym tempie, a liczba redukcji R wolniej rośnie