

Санкт-Петербургский Политехнический Университет Петра Великого

Физико-механический институт

Кафедра прикладной математики и вычислительной физики

Отчёт по лабораторной работе №2 по дисциплине «Многомерный статистический анализ»

Выполнил студент гр. 3630102/80401: Данилов Н.А.

Преподаватель: к.ф.-м.н., доцент, Павлова Л.В.

Санкт-Петербург

2022

Постановка задачи:

Требуется построить и протестировать классификатор многомерных объектов на основе обучающей выборки - модельные данные и данные из репозитория.

Реализация: модельные данные

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Бинарный классификатор должен быть протестирован для двух случаев: хорошо и плохо разделенные данные, распределенные по закону многомерного нормального распределения размерности $p = 3$.

Для каждого случая по отдельности должны быть заданы различные векторы средних и равные матрицы ковариаций. Хорошо и плохо разделенные данные будем выбирать, меняя матрицу ковариаций.

Хорошо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{good})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{good})$$

Плохо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{bad})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{bad})$$

Подключим необходимые для исследования пакеты:

```
In [1]: from scipy.stats import multivariate_normal, norm
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
from sklearn.metrics import confusion_matrix, ConfusionMatrixDisplay
```

Зададим размер обучающей выборки $n_1 = 1000$, $n_2 = 1000$, векторы средних $m1$ и $m2$, матрицы ковариаций для хорошо и плохо разделимых данных - s_{good} и s_{bad} соответственно.

```
In [2]: n = 2000

m1 = np.array([1, 2, 3])
m2 = np.array([3, 5, -1])

s_good = np.array([[1.2, 0, -1],
```

```

[0, 3, 0.5],
[-1, 0.5, 4]])
s_bad = (s_good+1.5)*3

q1 = 0.5

```

Создадим набор необходимых функций для построения классификатора. Для большего удобства функции были "упакованы" в класс **ModelResearch**.

Основной для классификации является функция **calc_estimates**, в ней рассчитываются оценки средних

$$\mu^{(k)} \rightarrow \hat{\mu}^{(k)}, \quad \hat{\mu}_j^{(k)} = \frac{1}{n_k} \sum_{i=1}^{n_k} x_{ij}, \quad k = 1, 2$$

и оценка матрицы ковариаций

$$S^{(k)} = (s_{lj}^{(k)}), \quad l, j = \overline{1, 3}, k = 1, 2$$

$$s_{lj}^{(k)} = \frac{1}{n_k - 1} \sum_{i=1}^{n_k} (x_{il}^{(k)} - \hat{\mu}_l^{(k)})(x_{ij}^{(k)} - \hat{\mu}_j^{(k)}), \quad k = 1, 2$$

$$\Sigma \rightarrow S, \quad S = \frac{1}{n_1 + n_2 - 2} [(n_1 - 1)S^{(1)} + (n_2 - 1)S^{(2)}]$$

оценка вектора α :

$$\alpha \rightarrow \hat{\alpha} = \mathbf{a}, \quad \alpha = \Sigma^{-1}(\mu^{(1)} - \mu^{(2)}) \rightarrow \mathbf{a} = S^{-1}(\hat{\mu}^{(1)} - \hat{\mu}^{(2)})$$

а также оценки средних дискриминантной функции

$$\xi_k \rightarrow \bar{z}^{(k)} = \langle \hat{\mu}^{(k)}, \mathbf{a} \rangle, \quad k = 1, 2$$

и дисперсии

$$\sigma_z^2 \rightarrow s_z^2 = \sum_{l=1}^3 \sum_{j=1}^3 a_l s_{lj} a_j$$

In [3]:

```

class ModelResearch():
    def __init__(self, mean1, mean2, cov, q1, size, test_set=None):
        self.sample1 = []
        self.sample2 = []
        self.m1 = mean1
        self.m2 = mean2
        self.cov = cov
        self.q1 = q1
        self.q2 = 1 - q1
        self.n1 = int(size*q1)
        self.n2 = size - self.n1
        self.test_set = test_set

        self.m1_ = []
        self.m2_ = []
        self.cov_ = []
        self.alpha = []

        self.mz1_ = 0
        self.mz2_ = 0
        self.z_var = 0

```

```

def generate_sample(self):
    self.sample1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self.n1, random_state=1)
    self.sample2 = multivariate_normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self.n2, random_state=1)

def calc_estimates(self):
    # samples mean
    self.m1_ = np.mean(self.sample1, axis=0)
    self.m2_ = np.mean(self.sample2, axis=0)
    # specify covariance matrix for samples
    # assuming that cov1 approximately equal cov2
    self.cov_ = (np.cov(self.sample1.T) + np.cov(self.sample2.T)) / 2

    self.alpha = np.linalg.inv(self.cov_) @ (self.m1_ - self.m2_)
    # mean of discriminant function
    self.mz1_ = np.dot(self.alpha, self.m1_)
    self.mz2_ = np.dot(self.alpha, self.m2_)
    # variance of discriminant function
    self.z_var = self.alpha @ self.cov_ @ self.alpha

def makhalanobis(self, unbiased=False):
    makh = (self.mz1_ - self.mz2_)**2 / self.z_var
    if unbiased:
        p = len(self.m1)
        makh = ((self.n1 + self.n2 - p - 3) /
                (self.n1 + self.n2 - 2)) * makh - p * (1/self.n1 + 1/self.n2)**0.5
    return makh

def calc_errors(self, D):
    K = np.log(self.q2 / self.q1)
    F = lambda x: norm.cdf(x)
    return {"p21": F((K - 0.5*D**2)/D), "p12": F((-K - 0.5*D**2)/D)}

def specify_test_set(self, create_new=False):
    if create_new:
        print("Creating test set")
        test1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self.n1, random_state=1)
        test2 = multivariate_normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self.n2, random_state=1)
    else:
        test1 = self.sample1
        test2 = self.sample2
    self.test_set = np.vstack([test1, test2])
    return np.hstack([np.zeros(self.n1), np.ones(self.n2)])

def predict(self, test_set=None):
    if not test_set:
        test_set = self.test_set
    if test_set is None:
        print("Warning!\n\tTest set not specified!")
        return
    # (\kappa_1 + \kappa_2) / 2
    threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
    lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
    threshold += lnq1q2
    predict = []
    for instance in test_set:
        if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
            predict.append(0)
        else:
            predict.append(1)
    return predict

```

Создадим классы исследований. Сгенерируем обучающие выборки и тестовые выборки. Размер тестовой выборки $n_T = 2000$, выборка содержит равное число элементов из 1 и 2 классов.

In [4]: `R_good = ModelResearch(m1, m2, s_good, q1, n)`

```
R_bad = ModelResearch(m1, m2, s_bad, q1, n)
R_good.generate_sample()
R_bad.generate_sample()
true_good = R_good.specify_test_set(create_new=True)
true_bad = R_bad.specify_test_set(create_new=True)
```

Creating test set
Creating test set

Рассчитаем необходимые для классификатора величины.

In [5]:

```
R_good.calc_estimates()
R_bad.calc_estimates()
```

Получим предсказания следующим образом:

Если

$$\sum_{j=1}^p a_j x_j = \langle \mathbf{a}, \mathbf{x} \rangle \geq \frac{\bar{z}^{(1)} + \bar{z}^{(2)}}{2} + \ln \frac{q_2}{q_1}$$

то относим экземпляр тестовой выборки к 1 классу - иначе к 2 классу.

q_1, q_2 - относительная частота 1 и 2 класса в обучающей выборке. В данном случае $q_1 = q_2 = 0.5$.

In [6]:

```
predict_good = R_good.predict()
predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем эмпирическую вероятность ошибочной классификации:

$$P_3(1|2) = \frac{m_2}{n_2}$$

m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

$$P_3(2|1) = \frac{m_1}{n_1}$$

m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

In [7]:

```
cm_good_test = confusion_matrix(true_good, predict_good)
cm_bad_test = confusion_matrix(true_bad, predict_bad)

def confusion_matrix_report(cm_good, cm_bad, supitle: str, err_name: str, R_good, R_bad):
    fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
    ConfusionMatrixDisplay(cm_good, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])
    ax[0].set_title("Хорошо разделенные данные")
    ConfusionMatrixDisplay(cm_bad, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
    ax[1].set_title("Плохо разделенные данные")
    fig.suptitle(supitle)
    fig.tight_layout()
    plt.show()

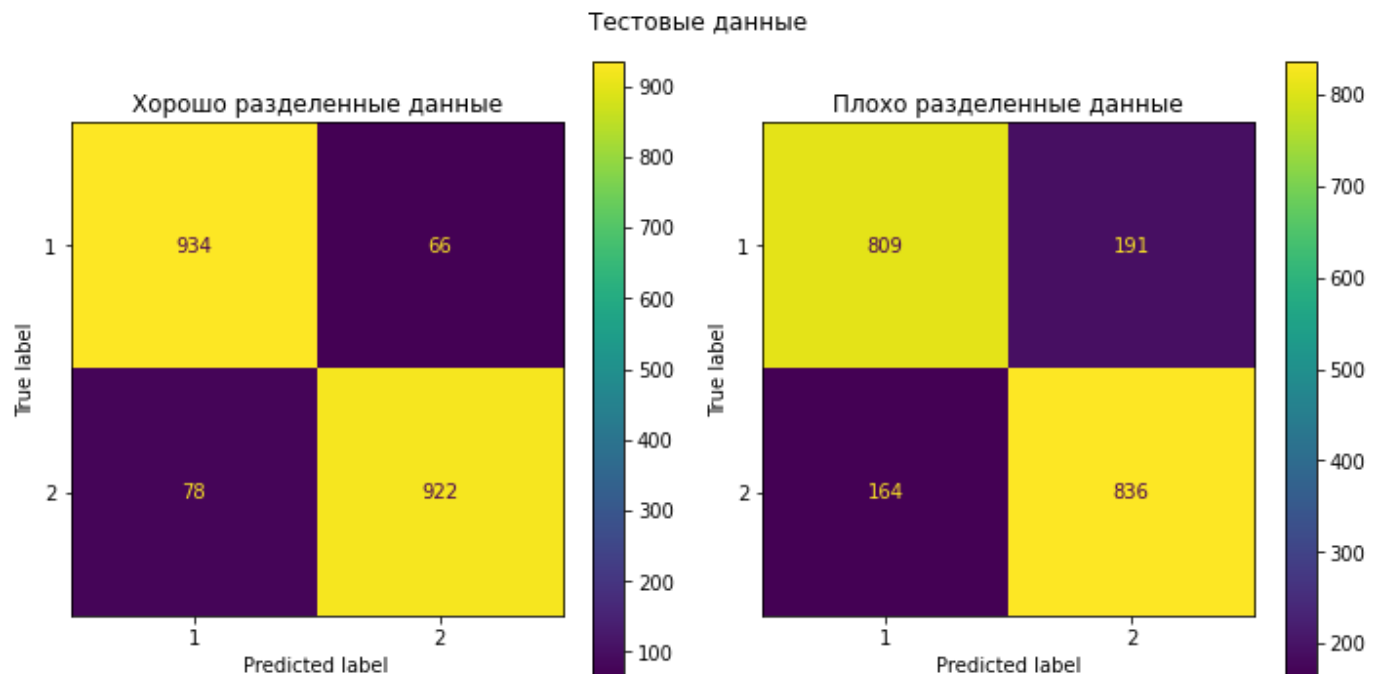
    print(err_name + ":")

    _, m21, m12, _ = cm_good.ravel()
    print(f"\tХорошо разделенные данные: \n\t\tP(1|2) = {m12 / R_good.n2}, P(2|1) = {m21 / R_gc

    _, m21, m12, _ = cm_bad.ravel()
```

```
print(f"\tПлохо разделенные данные: \n\t\tP(1|2) = {m12 / R_bad.n2}, P(2|1) = {m21 / R_bad.n1}")

confusion_matrix_report(cm_good_test, cm_bad_test, supitle='Тестовые данные',
                        err_name='Эмпирическая вероятность ошибочной классификации', R_good=R_good, R_bad=R_bad)
```



Эмпирическая вероятность ошибочной классификации:

Хорошо разделенные данные:

$P(1|2) = 0.078$, $P(2|1) = 0.066$

Плохо разделенные данные:

$P(1|2) = 0.164$, $P(2|1) = 0.191$

Исследование классификации исходной обучающей выборки

Укажем тестовую выборку (без аргумента *create_new=True* в методе **specify_test_set()** в качестве классифицируемых указываются исходные обучающие выборки)

```
In [8]: true_good = R_good.specify_test_set()
true_bad = R_bad.specify_test_set()
predict_good = R_good.predict()

predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$\hat{P}(1|2) = \frac{m_2}{n_2}$$

m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

$$\hat{P}(2|1) = \frac{m_1}{n_1}$$

m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

А также (чтобы было удобно сравнивать) вновь выведем четырехпольную таблицу и эмпирические вероятности по итогам классификации тестовой выборки.

С той же целью сразу выведем несмещенную оценку расстояния Махаланобиса:

$$D_{\text{H}}^2 = \frac{n_1 + n_2 - p - 3}{n_1 + n_2 - 2} D^2 - p \left(\frac{1}{n_1} + \frac{1}{n_2} \right), \quad p = 3$$

где

$$D^2 = \frac{(\bar{z}^{(1)} - \bar{z}^{(2)})^2}{s_z^2}$$

И оценки вероятностей ошибочной классификации для каждого класса:

$$\hat{P}(2|1) = \Phi \left(\frac{K - \frac{1}{2} D_{\text{H}}^2}{D_{\text{H}}} \right)$$

$$\hat{P}(1|2) = \Phi \left(\frac{-K - \frac{1}{2} D_{\text{H}}^2}{D_{\text{H}}} \right)$$

$$\Phi(y) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}} \int_{-\infty}^y e^{-\frac{t^2}{2}} dt$$

$$K = \ln \left(\frac{q_2 c(1|2)}{q_1 c(2|1)} \right)$$

Где $c(1|2)$, $c(2|1)$ - стоимости ошибочной классификации

В нашем случае $q_1 = q_2 = 0.5$, а $c(1|2) = c(2|1)$ так как задача не предполагает выделения важности конкретной ошибки. Следовательно $K = 0$.

Также посчитаем вероятность ошибочной классификации, которая минимизируется в ходе Байесовской процедуры:

$$q_1 \cdot \hat{P}(2|1) + q_2 \cdot \hat{P}(1|2)$$

In [9]:

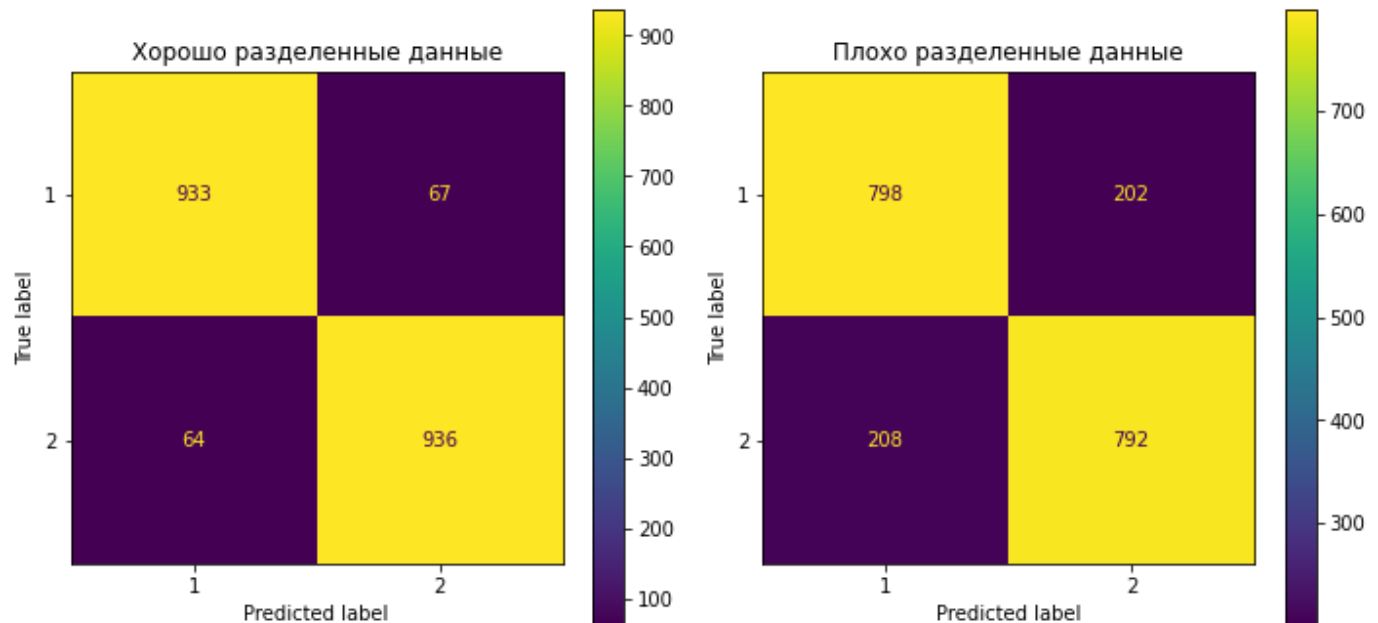
```
cm_good = confusion_matrix(true_good, predict_good)
cm_bad = confusion_matrix(true_bad, predict_bad)

confusion_matrix_report(cm_good, cm_bad, subtitle='Обучающие данные',
                        err_name='Оценка вероятности ошибочной классификации', R_good=R_good, R_bad=R_bad)
confusion_matrix_report(cm_good_test, cm_bad_test, subtitle='Тестовые данные',
                        err_name='Эмпирическая вероятность ошибочной классификации', R_good=R_good, R_bad=R_bad)

print()

for header, research in zip(["Хорошо разделенные данные:", "Плохо разделенные данные:"],
                           [R_good, R_bad]):
    print(header)
    makh = research.makhalanobis(unbiased=True)
    errors = research.calc_errors(makh)
    print(f"\tНесмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)},")
    print(f"\tОценки ошибочной классификации: P(2|1) = {round(errors['p21'], 3)}\t P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)}")
    print(f"Вероятность ошибочной классификации: {round(research.q1*errors['p21'] + research.q2*errors['p12'], 3)}")
```

Обучающие данные



Оценка вероятности ошибочной классификации:

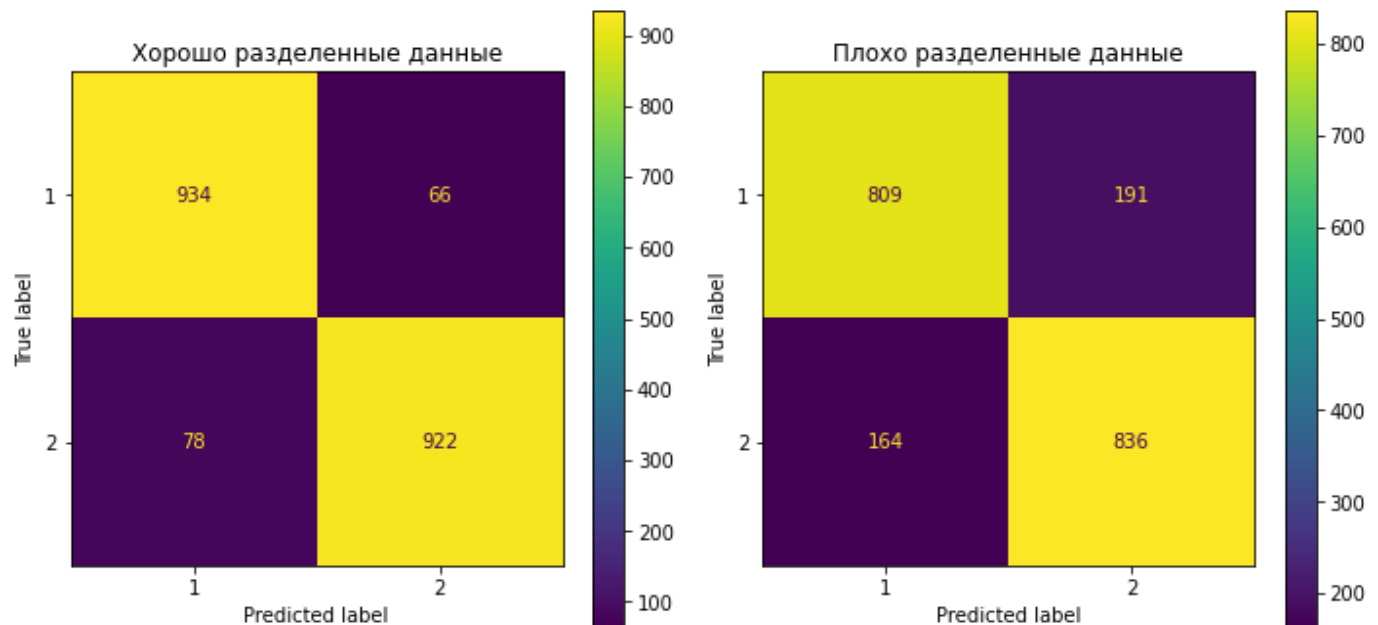
Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.064, P(2|1) = 0.067$$

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.208, P(2|1) = 0.202$$

Тестовые данные



Эмпирическая вероятность ошибочной классификации:

Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.078, P(2|1) = 0.066$$

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.164, P(2|1) = 0.191$$

Хорошо разделенные данные:

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 3.043

Оценки ошибочной классификации: $P(2|1) = 0.064$ $P(1|2) = 0.064$

Вероятность ошибочной классификации: 0.064

Плохо разделенные данные:

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.682

Оценки ошибочной классификации: $P(2|1) = 0.2$ $P(1|2) = 0.2$

Вероятность ошибочной классификации: 0.2

Сравнительный анализ

Заметим, что и для тестовой выборки, и для обучающих данных, классикация хорошо разделенных данных получается качественнее - эмпирическая вероятность ошибочной классификации и ее оценка в обоих случаях ниже нежели в случае плохо разделенных данных.

Что и требовалось ожидать - расстояние Махаланобиса и оценки вероятностей ошибочной классификации больше в случае плохо разделенных данных.

Реализация: данные из репозитория

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Исследуем качество классификации на данных датасета *german-numeric*. Размер датасета - 1000, 700 из них принадлежит классу №1, 300 - №2. Число признаков - 24.

In [10]:

```
class RepoResearch:
    def __init__(self, x, y, train_coef):
        logging = True
        self.X = x
        self.Y = y

        self.sample1 = self.X[self.Y == 1]
        self.sample2 = self.X[self.Y == 2]

        size1 = len(self.sample1)
        size2 = len(self.sample2)
        if logging:
            print(f"Всего данных: \t\t1: {size1} \t2: {size2}")

        self.train1 = self.sample1[:int(train_coef*size1)]
        self.train2 = self.sample2[:int(train_coef*size2)]
        self.train_trueY = np.hstack([np.ones(len(self.train1)), np.full(len(self.train2), 2)])
        self.train_set = np.vstack([self.train1, self.train2])
        self.train_n1 = len(self.train1)
        self.train_n2 = len(self.train2)

        self.test1 = self.sample1[int(train_coef*size1):]
        self.test2 = self.sample2[int(train_coef*size2):]
        # true targets
        self.test_trueY = np.hstack([np.ones(len(self.test1)), np.full(len(self.test2), 2)])
        self.test_set = np.vstack([self.test1, self.test2])
        self.test_n1 = len(self.test1)
        self.test_n2 = len(self.test2)

        if logging:
            print(f"Тренировочные данные: \t1: {len(self.train1)} \t2: {len(self.train2)}")
            print(f"Тестовые данные: \t1: {len(self.test1)} \t2: {len(self.test2)}")

        self.q1 = len(self.train1) / (len(self.train1) + len(self.train2))
        self.q2 = 1-self.q1

        if logging:
            print(f"q1 = {self.q1}, \tq2 = {round(self.q2, 2)}")

    def calc_estimates(self):
        # samples mean
        self.m1_ = np.mean(self.train1, axis=0)
        self.m2_ = np.mean(self.train2, axis=0)

        # specify covariance matrix for samples
```

```

#         assuming that cov1 approximately equal cov2
self.cov_ = ((len(self.train1)-1)*np.cov(self.train1.T) + (len(self.train2)-1)*np.cov(s

self.alpha = np.linalg.inv(self.cov_) @ (self.m1_-self.m2_)
#         mean of discriminant function
self.mz1_ = np.dot(self.alpha, self.m1_)
self.mz2_ = np.dot(self.alpha, self.m2_)
#         variance of discriminant function
self.z_var = self.alpha @ self.cov_ @ self.alpha

def makhalanobis(self, unbiased=False):
    makh = (self.mz1_-self.mz2_)**2 / self.z_var
    if unbiased:
        p = len(self.m1_)
        n1 = self.train_n1
        n2 = self.train_n2
        makh = ((n1 + n2 - p - 3) / (n1 + n2 - 2))*makh - p*(1/n1 + 1/n2)**0.5
    return makh

def calc_errors(self, D):
    K = np.log(self.q2 / self.q1)
    F = lambda x: norm.cdf(x)
    return {"p21": F((K - 0.5*D**2)/D), "p12": F((-K - 0.5*D**2)/D)}

def predict(self, predict_test_set=True):
    if predict_test_set:
        predict_set = self.test_set
    else:
        predict_set = self.train_set
    threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
    lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
    threshold += lnq1q2
    predict = []
    for instance in predict_set:
        if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
            predict.append(1)
        else:
            predict.append(2)
    return predict

```

Для обучения берем 90% данных датасета. 630 от 1-го класса, 270 от 2-го.

In [11]:

```

X = []
Y = []
with open("german.data-numeric") as data:
    for string in data:
        string = string.split()
        x, y = string[:-1], string[-1]
        X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
        Y.append(int(y))
X = np.array(X)
Y = np.array(Y)

repo_research = RepoResearch(X, Y, 0.9)
repo_research.calc_estimates()

```

```

Всего данных:          1: 700  2: 300
Тренировочные данные:  1: 630  2: 270
Тестовые данные:       1:  70   2:  30
q1 = 0.7,              q2 = 0.3

```

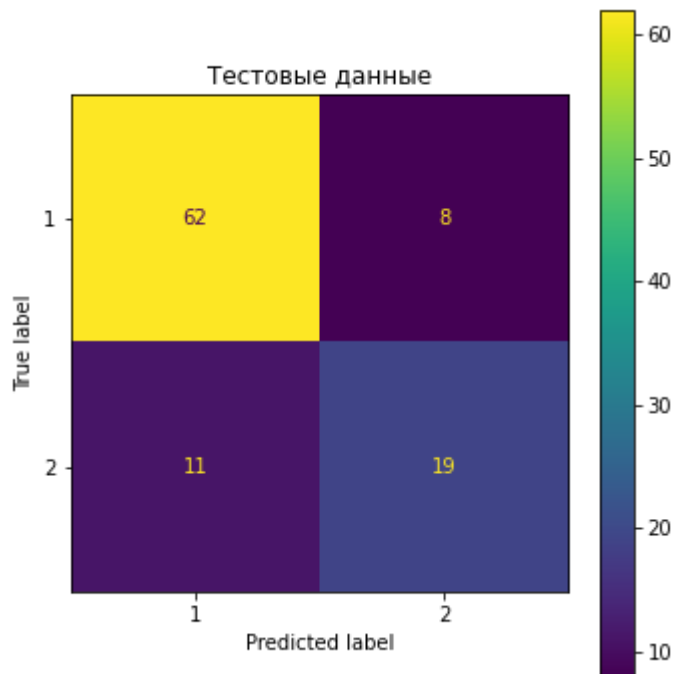
Найдем эмпирическую вероятность ошибочной классификации.

```
In [12]: predict = repo_research.predict(predict_test_set=True)

cm_test = confusion_matrix(repo_research.test_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(5, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm_test, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
ax.set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm_test.ravel()
p12_test, p21_test = round(m12 / repo_research.test_n2, 3), round(m21 / repo_research.test_n1, 3)
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research.test_n2, 3)}, P(2|1) = {round(m21 / repo_research.test_n1, 3)}")
```



Эмпирические вероятности ошибочной классификации:
 $P(1|2) = 0.367$, $P(2|1) = 0.114$

Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория

Вычислим оценки вероятностей ошибочной классификации, а также несмещенную оценку расстояния Махаланобиса, оценки вероятностей ошибочной классификации и вероятность совокупной ошибки классификации по ранее упомянутым [формулам 17-22](#).

Также для удобства сравнения выведем рядом четырехпольную таблицу сопряженности и эмпирические вероятности по итогам классификации тестовой выборки.

```
In [13]: predict = repo_research.predict(predict_test_set=False)

cm = confusion_matrix(repo_research.train_trueY, predict)

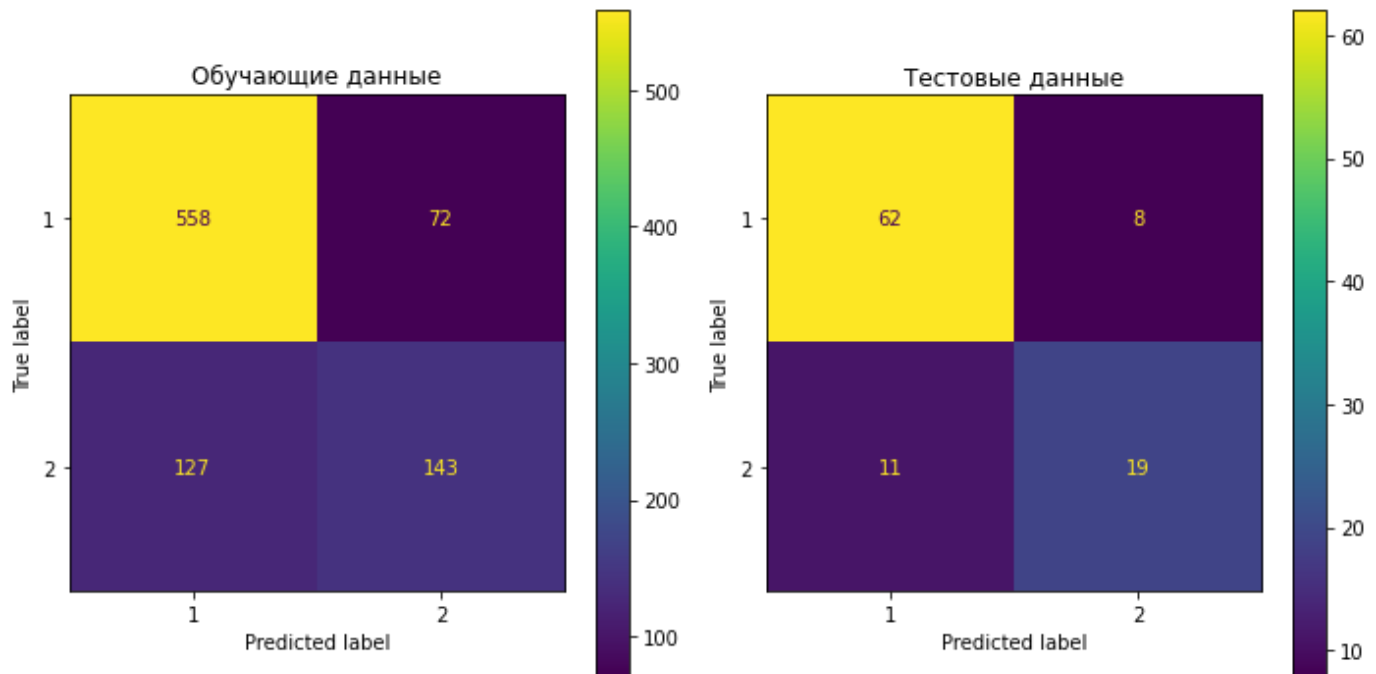
fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])
ax[0].set_title("Обучающие данные")
ConfusionMatrixDisplay(cm_test, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
ax[1].set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
```

```

print(f"Оценки вероятностей ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research.tr
makh = repo_research.makhalanobis(unbiased=True)
errors = repo_research.calc_errors(makh)
print(f"Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
print(f"Оценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t P(2|1) = {round(e
print(f"Вероятность ошибочной классификации: {round(repo_research.q1*errors['p21'] + repo_resea
print()
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test}, P(2|1) = {p2

```



Оценки вероятностей ошибочной классификации:

$P(1|2) = 0.47$, $P(2|1) = 0.114$

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.198

Оценки ошибочной классификации: $P(1|2) = 0.543$ $P(2|1) = 0.096$

Вероятность ошибочной классификации: 0.23

Эмпирические вероятности ошибочной классификации:

$P(1|2) = 0.367$, $P(2|1) = 0.114$

Чтобы сразу перейти к отчету по классификации после понижения размерности нажмите [здесь](#)

Метод главных компонент

Исследование классификации тестовой выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (PCA)

Попробуем предобработать данные. Сократим число признаков с помощью метода главных компонент.

Стандартизуем данные, вычислим несмещенную оценку матрицы ковариаций. Вычислим собственные значения и векторы. Отберем наиболее значимые признаки, домножив матрицу признаков на матрицу состоящую из собственных векторов, собственные числа которых удовлетворяют неравенству (правило Кайзера):

$$\lambda_i : \frac{\lambda_i}{\sum_{j=1}^{p=24} D[x_j]} = \frac{\lambda_i}{\text{trace}(S)} > \frac{1}{24}$$

Так как данные были стандартизированы, то отбор собственных чисел становится следующим:

$$\lambda_i : \lambda_i > 1$$

In [14]:

```
X = []
Y = []
with open("german.data-numeric") as data:
    for string in data:
        string = string.split()
        x, y = string[:-1], string[-1]
        X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
        Y.append(int(y))
X = np.array(X)
Y = np.array(Y)

mean = np.mean(X, axis=0)
covariance = np.cov(X.T)
X_centered = X - mean
X_stand = X_centered / np.sqrt(np.diagonal(covariance))

covariance = np.cov(X_stand.T)

eiges = np.linalg.eig(covariance)

values, vectors = eiges
eiges = sorted(list(zip(values, vectors.T)), key=lambda x: x[0], reverse=True)

vals = values[values > 1]
print(f"Отобрали следующие {len(vals)} собственных чисел: {vals}")
```

Отобрали следующие 10 собственных чисел: [2.51828975 2.12147659 1.85393992 1.70397873 1.63217357 1.32147521 1.21521006 1.15970619 1.12146973 1.01054463]

Далее произведем перемножение матриц:

$$X[1000, 24] \cdot Transform[24, 10] = X_{new}[1000, 10]$$

Числа в скобках отображают размерности матриц. Матрица $Transform[24, 10]$ состоит из собственных векторов, соответствующих отображенным собственным значениям.

In [15]:

```
transform_ = np.vstack(list([eiges[i][1] for i in range(10)]))
X_new = X_stand @ transform_.T + mean @ transform_.T
```

In [16]:

```
repo_research_PCA = RepoResearch(X_new, Y, 0.9)
repo_research_PCA.calc_estimates()
```

Всего данных: 1: 700 2: 300
Тренировочные данные: 1: 630 2: 270
Тестовые данные: 1: 70 2: 30
q1 = 0.7, q2 = 0.3

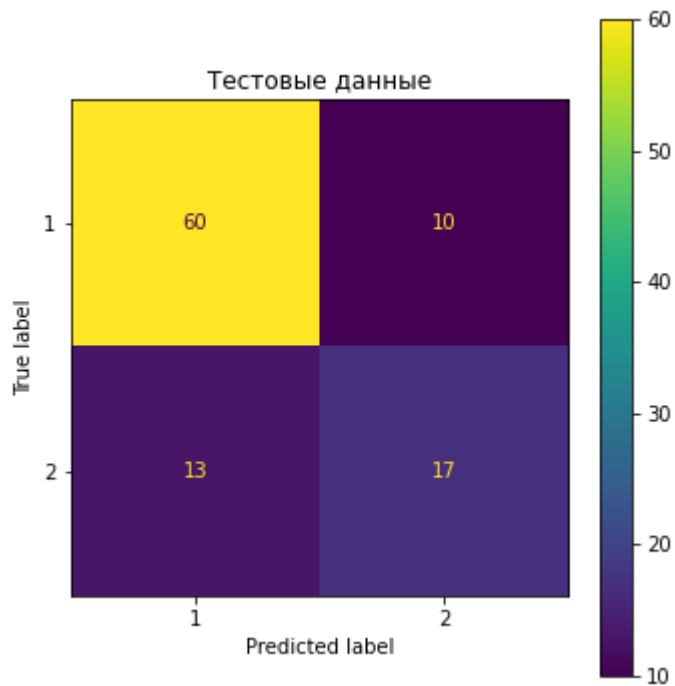
In [17]:

```
predict = repo_research_PCA.predict(predict_test_set=True)

cm_test_pca = confusion_matrix(repo_research_PCA.test_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(5, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm_test_pca, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
ax.set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()
```

```
_, m21, m12, _ = cm_test_pca.ravel()
p12_test_pca, p21_test_pca = round(m12 / repo_research_PCA.test_n2, 3), round(m21 / repo_research_PCA.test_n1, 3)
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test_pca}, P(2|1) = {p21_test_pca}")
```



Эмпирические вероятности ошибочной классификации:
 $P(1|2) = 0.433$, $P(2|1) = 0.143$

Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (PCA)

In [18]:

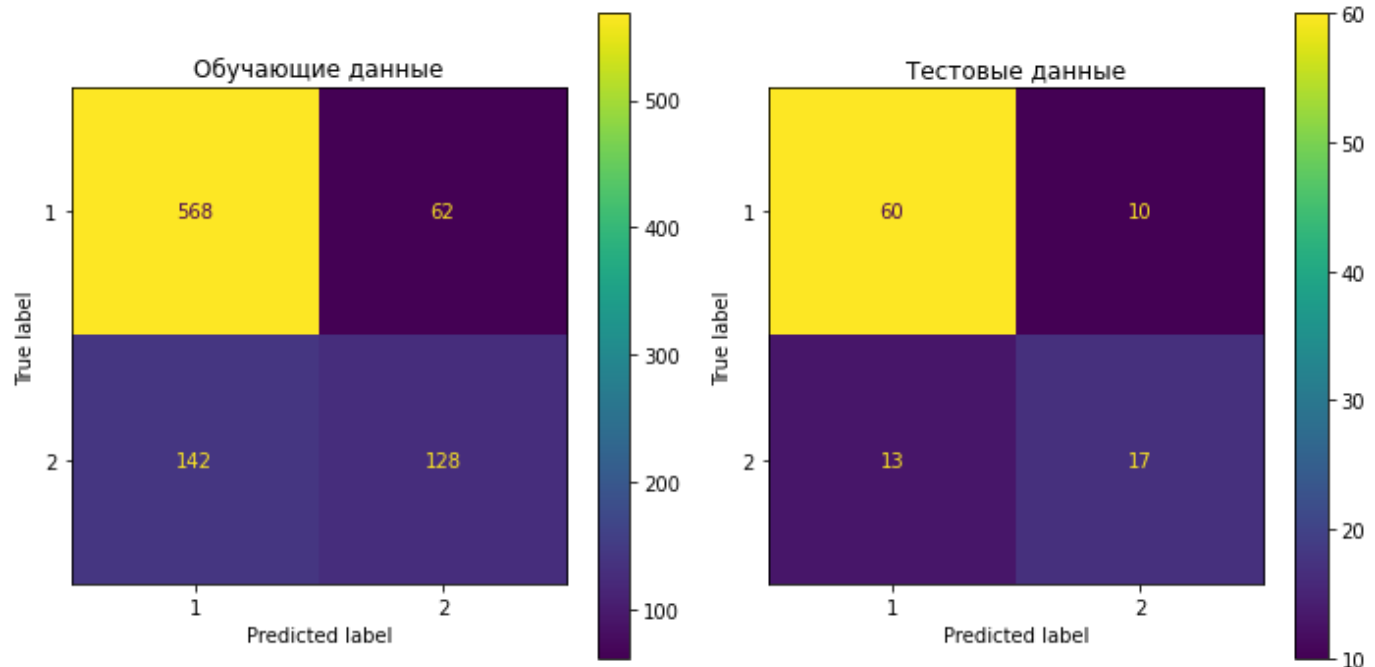
```
predict = repo_research_PCA.predict(predict_test_set=False)

cm = confusion_matrix(repo_research_PCA.train_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])
ax[0].set_title("Обучающие данные")
ConfusionMatrixDisplay(cm_test_pca, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
ax[1].set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
print(f"Оценки вероятностей ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research_PCA.test_n2, 3)}, P(2|1) = {round(m21 / repo_research_PCA.test_n1, 3)}")

print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test_pca}, P(2|1) = {p21_test_pca}")
```



Оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$P(1|2) = 0.526, P(2|1) = 0.098$$

Эмпирические вероятности ошибочной классификации:

$$P(1|2) = 0.433, P(2|1) = 0.143$$

In [19]:

```
makh = repo_research_PCA.makhalanobis(unbiased=True)
errors = repo_research_PCA.calc_errors(makh)
print(f"\tНесмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
print(f"\tОценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t P(2|1) = {round(errors['p21'], 3)}")
print(f"\tВероятность ошибочной классификации: {round(repo_research_PCA.q1*errors['p21'] + repo_research_PCA.q2*errors['p12'], 3)}")
```

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.14

Оценки ошибочной классификации: $P(1|2) = 0.569$ $P(2|1) = 0.095$

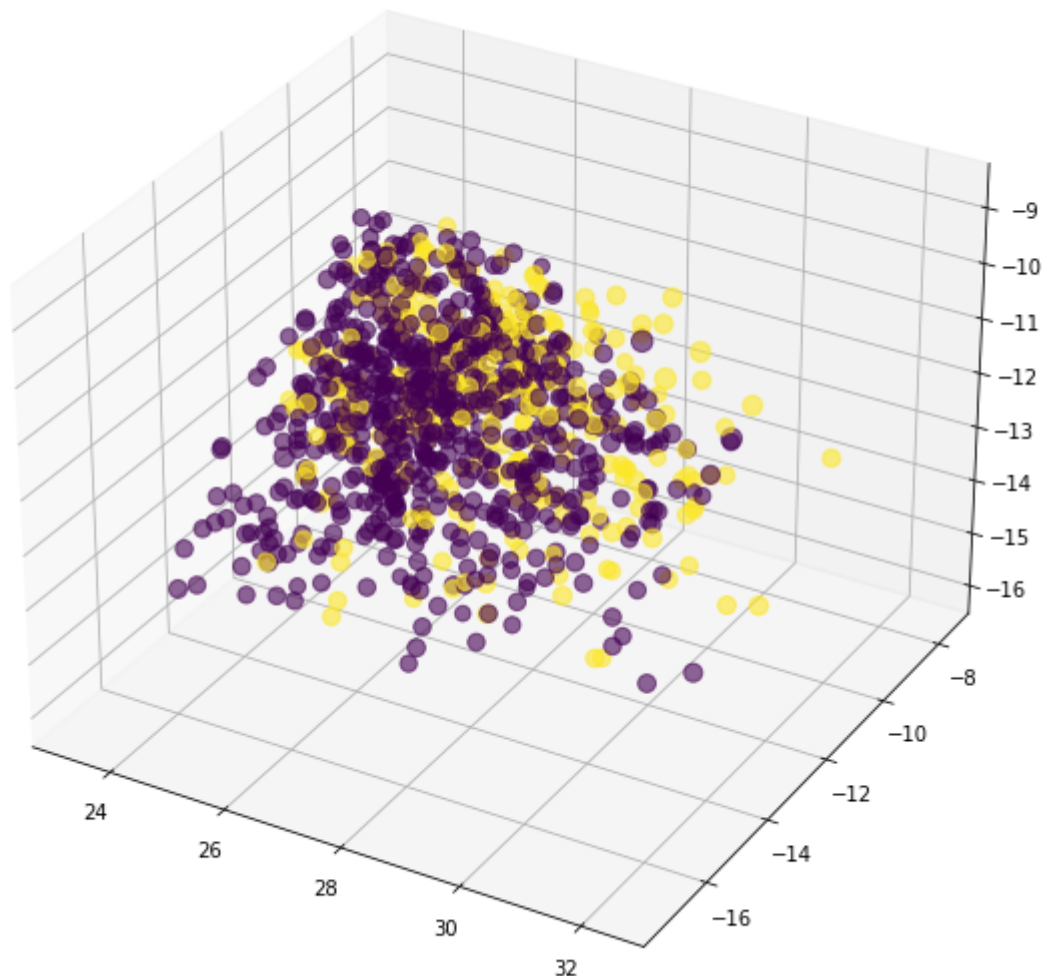
Вероятность ошибочной классификации: 0.237

Чтобы сравнить с классификацией на обучающей и тестовой выборках без понижения размерности нажмите [здесь](#).

Посмотрим на данные с пониженной размерностью:

In [20]:

```
fig = plt.figure(figsize=(10, 10))
ax = fig.add_subplot(projection='3d')
ax.scatter(xs=X_new[:, 0], ys=X_new[:, 1], zs=X_new[:, 2], s=(X_new[:, 3]**2)**(0.75), alpha=0.5)
```



Выводы по PCA

Понижение размерности может уменьшить сложность вычислений. Но уменьшив число признаков более чем в два раза, пришлось пожертвовать точностью выделения объектов второго класса.

Однако в данном случае вероятность ошибки второго класса приближается к 0.5, что создает сомнения в смысле использования такого классификатора - случайный выбор мог определять второй класс с тем же успехом.

Опираясь на совокупную вероятность ошибочной классификации, можем сделать вывод, что наш классификатор все же работает лучше случайной классификации. Вероятность ошибочной классификации, вычисленная по [формулам 17-23](#), в случае исходных обучающих данных составляет 0.23, после понижения размерности ошибка незначительно возросла и стала равной 0.237.

Но все же стоит отметить, что любой классификатор имеет смысл оценивать в контексте прикладной задачи. Например, в данном случае и эмпирическая $P_3(2|1)$, и $\hat{P}(2|1)$ довольно малы и незначительно изменяются при понижении размерности. Если бы задачей стояло как можно реже определять 1-ый класс как 2-ой класс (например, определять террориста, как добропорядочного гражданина или больного человека как здорового), то наш классификатор неплохо справлялся бы. В таких случаях стоит указывать в параметрах классификатора стоимости ошибочной классификации - q_1 , q_2 .

Визуальное представление данных помогает увидеть, что данные все еще сильно спутаны и не разделяются линейно.

Заключение

- Пронаблюдали зависимость качества классификации от разброса данных при равных средних. Высокая дисперсия является причиной более пологой функции плотности случайной величины значения дискриминантной функции, что усложняет классификацию - данные смешаны в такой случае сильнее.
- В случае неравномерного (несбалансированного) содержания объектов разных классов в обучающей выборке повышается вероятность ошибиться, объекты малочисленного класса довольно часто относятся классификатором к многочисленному классу. В таких случаях, полагаясь на контекст задачи, имеет смысл вводить стоимости ошибочной классификации.
- Сокращение размерности пространства признаков в разумных пределах (что можно определить, например, правилом Кайзера) позволяет снизить вычислительные требования классификатора. При этом вероятность ошибки может незначительно вырасти.