Санкт-Петербургский Политехнический Университет Петра Великого Физико-механический институт Кафедра прикладной математики и вычислительной физики

Отчёт по лабораторной работе №2 по дисциплине «Многомерный статистический анализ»

Выполнил студент гр. 3630102/80401: Данилов Н.А.

Преподаватель: к.ф.-м.н., доцент, Павлова Л.В.

Постановка задачи:

Требуется построить и протестировать классификатор многомерных объектов на основе обучающей выборки - модельные данные и данные из репозитория.

Реализиция: модельные данные

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Бинарный классификатор должен быть протестирован для двух случаев: хорошо и плохо разделенные данные, распределенные по закону многомерного нормального распределения размерности p=3.

Для каждого случая по отдельности должны быть заданы различные векторы средних и равные матрицы ковариаций. Хорошо и плохо разделенные данные будем выбирать, меняя матрицу ковариций.

Хорошо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{good})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{good})$$

Плохо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{bad})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{bad})$$

Подключим необходимые для исследования пакеты:

```
from scipy.stats import multivariate_normal, norm
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
from sklearn.metrics import confusion_matrix, ConfusionMatrixDisplay
```

Зададим размер обучающей выборки $n_1=1000$, $n_2=1000$, векторы средних m1 и m2, матрицы ковариаций для хорошо и плохо разделимых данных - s_{qood} и s_{bad} соответственно.

```
In [2]:
    n = 2000

m1 = np.array([1, 2, 3])
    m2 = np.array([3, 5, -1])

s_good = np.array([[1.2, 0, -1],
```

```
[0, 3, 0.5],
[-1, 0.5, 4]])
s_bad = (s_good+1.5)*3
q1 = 0.5
```

Создадим набор необходимых функций для построения классификатора. Для большего удобства функции были "упакованы" в класс **ModelResearch**.

Основной для классификации является функция calc_estimates, в ней рассчитываются оценки средних

$$\mu^{(k)} o \hat{\mu}^{(k)}, \qquad \hat{\mu}^{(k)}_j = rac{1}{n_k} \sum_{i=1}^{n_k} x_{ij}, \quad \ k = 1, 2$$

и оценка матрицы ковариаций

$$S^{(k)}=(s_{lj}^{(k)}), \hspace{5mm} l,j=\overline{1,3},k=1,2$$
 $s_{lj}^{(k)}=rac{1}{n_k-1}\sum_{i=1}^{n_k}(x_{il}^{(k)}-\hat{\mu}_l^{(k)})(x_{ij}^{(k)}-\hat{\mu}_j^{(k)}), \hspace{5mm} k=1,2$ $\Sigma o S, \hspace{5mm} S=rac{1}{n_1+n_2-2}[(n_1-1)S^{(1)}+(n_2-1)S^{(2)}]$

оценка вектора α :

$$lpha
ightarrow \hat{lpha} = \mathbf{a}, \qquad lpha = \Sigma^{-1}(\mu^{(1)} - \mu^{(2)})
ightarrow \mathbf{a} = S^{-1}(\hat{\mu}^{(1)} - \hat{\mu}^{(2)})$$

а также оценки средних дискриминатной функции

$$egin{aligned} eta_k
ightarrow \overline{z}^{(k)} = \langle \hat{\mu}^{(k)}, \mathbf{a}
angle, & k = 1, 2 \end{aligned}$$

и дисперсии

$$\sigma_z^2
ightarrow s_z^2 = \sum_{l=1}^3 \sum_{j=1}^3 a_l s_{lj} a_j$$

```
In [3]:
         class ModelResearch():
             def __init__(self, mean1, mean2, cov, q1, size, test_set=None):
                 self.sample1 = []
                 self.sample2 = []
                 self.m1 = mean1
                 self.m2 = mean2
                 self.cov = cov
                 self.q1 = q1
                 self.q2 = 1 - q1
                 self.n1 = int(size*q1)
                 self.n2 = size - self.n1
                 self.test_set = test_set
                 self.m1 = []
                 self.m2_ = []
                 self.cov_ = []
                 self.alpha = []
                 self.mz1_=0
                 self.mz2 = 0
                 self.z_var = 0
```

```
def generate sample(self):
        self.sample1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self.n1, random_stat
        self.sample2 = multivariate normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self.n2, random stat
    def calc_estimates(self):
#
          samples mean
        self.m1_ = np.mean(self.sample1, axis=0)
        self.m2_ = np.mean(self.sample2, axis=0)
          specify covariance matrix for samples
#
          assuming that cov1 approximately equal cov2
#
        self.cov = (np.cov(self.sample1.T) + np.cov(self.sample2.T)) / 2
        self.alpha = np.linalg.inv(self.cov_) @ (self.m1_-self.m2_)
          mean of discriminant function
        self.mz1_ = np.dot(self.alpha, self.m1_)
        self.mz2 = np.dot(self.alpha, self.m2 )
#
          variance of discriminant function
        self.z var = self.alpha @ self.cov @ self.alpha
    def makhalanobis(self, unbiased=False):
        makh = (self.mz1_-self.mz2_)**2 / self.z_var
        if unbiased:
            p = len(self.m1)
            makh = ((self.n1 + self.n2 - p - 3)/
                    (self.n1 + self.n2 - 2)*makh - p*(1/self.n1 + 1/self.n2))**0.5
        return makh
    def calc_errors(self, D):
        K = np.log(self.q2 / self.q1)
        F = lambda x: norm.cdf(x)
        return {"p21": F((K - 0.5*D**2)/D), "p12": F((-K - 0.5*D**2)/D)}
    def specify_test_set(self, create_new=False):
        if create new:
            print("Creating test set")
            test1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self.n1, random_state=1
            test2 = multivariate normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self.n2, random state=1
        else:
            test1 = self.sample1
            test2 = self.sample2
        self.test_set = np.vstack([test1, test2])
        return np.hstack([np.zeros(self.n1), np.ones(self.n2)])
    def predict(self, test_set=None):
        if not test set:
            test set = self.test set
        if test_set is None:
            print("Warning!\n\tTest set not specified!")
            return
          (\ksi1 + \ksi2) / 2
        threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
        lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
        threshold += lnq1q2
        predict = []
        for instance in test_set:
            if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
                predict.append(0)
                predict.append(1)
        return predict
```

Создадим классы исследований. Сгенерируем обучающие выборки и тестовые выборки. Размер тестовой выборки $n_{\scriptscriptstyle \rm T}=2000$, выборка содержит равное число элементо из 1 и 2 классов.

```
R_bad = ModelResearch(m1, m2, s_bad, q1, n)
R_good.generate_sample()
R_bad.generate_sample()
true_good = R_good.specify_test_set(create_new=True)
true_bad = R_bad.specify_test_set(create_new=True)
```

Creating test set Creating test set

Рассчитаем необходимые для классификатора величины.

```
In [5]:
    R_good.calc_estimates()
    R_bad.calc_estimates()
```

Получим предсказания следующим образом:

Если

$$\sum_{j=1}^p a_j x_j = \langle \mathbf{a}, x
angle \geq rac{ar{z}^{(1)} + ar{z}^{(2)}}{2} + ln rac{q_2}{q_1}$$

то относим экземпляр тестовой выборки к 1 классу - иначе к 2 классу.

 q_1 , q_2 - отсносительная частота 1 и 2 класса в обучающей выборке. В данном случае $q_1=q_2=0.5$.

Рассчитаем эмпирическую вероятность ошибочной классификации:

$$P(1|2) = \frac{m_2}{n_2}$$

 m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

$$P(2|1) = \frac{m_1}{n_1}$$

 m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

```
In [7]:

cm_good = confusion_matrix(true_good, predict_good)

cm_bad = confusion_matrix(true_bad, predict_bad)

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(12, 6))

ConfusionMatrixDisplay(cm_good, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])

ax[0].set_title("Хорошо разделенные данные")

ConfusionMatrixDisplay(cm_bad, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])

ax[1].set_title("Плохо разделенные данные")

fig.tight_layout()

_, m21, m12, _ = cm_good.ravel()

print(f"Хорошо разделенные данные: \n\tP(1|2) = {m12 / R_good.n2}, P(2|1) = {m21 / R_good.n1}")

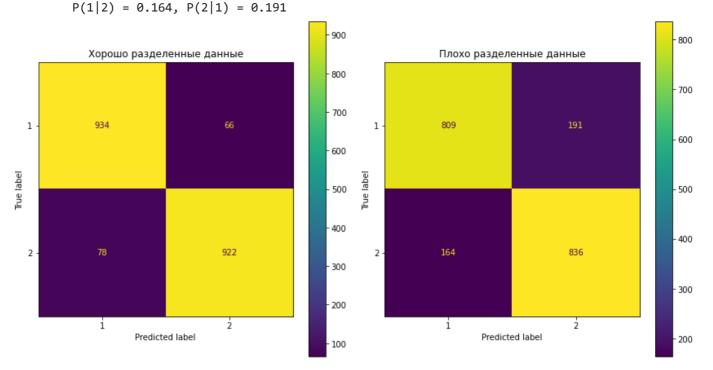
_, m21, m12, _ = cm_bad.ravel()

print(f"Плохо разделенные данные: \n\tP(1|2) = {m12 / R_bad.n2}, P(2|1) = {m21 / R_bad.n1}")
```

Хорошо разделенные данные:

```
P(1|2) = 0.078, P(2|1) = 0.066
```

Плохо разделенные данные:



Исследование классификации исходной обучающей выборки

Укажем тестовую выборку (без аргумента *create_new=True* в методе **specify_test_set()** в качестве классифицируемых указываются исходные обучающие выборки)

```
true_good = R_good.specify_test_set()
true_bad = R_bad.specify_test_set()
predict_good = R_good.predict()
predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$\hat{P}(1|2)=rac{m_2}{n_2}$$

 m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

$$\hat{P}(2|1)=rac{m_1}{n_1}$$

 m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

```
In [9]:

cm_good = confusion_matrix(true_good, predict_good)

cm_bad = confusion_matrix(true_bad, predict_bad)

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(12, 6))

ConfusionMatrixDisplay(cm_good, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])

ax[0].set_title("Хорошо разделенные данные")

ConfusionMatrixDisplay(cm_bad, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])

ax[1].set_title("Плохо разделенные данные")

fig.tight_layout()

_, m21, m12, _ = cm_good.ravel()

print(f"Хорошо разделенные данные: \n\tP(1|2) = {m12 / R_good.n2}, P(2|1) = {m21 / R_good.n1}")
```

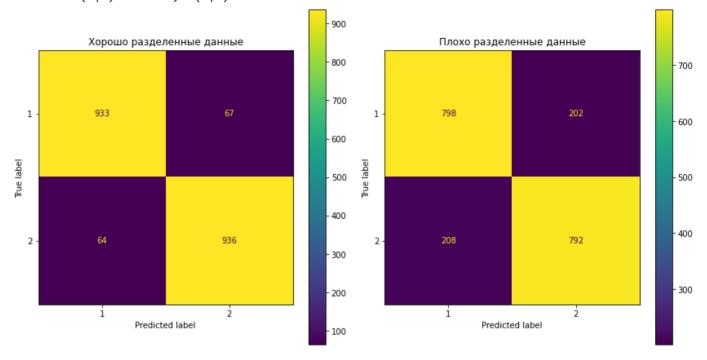
_, m21, m12, _ = cm_bad.ravel() print(f"Плохо разделенные данные: $\n\tP(1|2) = \{m12 \ / \ R_bad.n2\}, \ P(2|1) = \{m21 \ / \ R_bad.n1\}")$

Хорошо разделенные данные:

P(1|2) = 0.064, P(2|1) = 0.067

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.208, P(2|1) = 0.202$$



Получим несмещенную оценку расстояния Махаланобиса:

$$D_{_{
m H}}^2=rac{n_1+n_2-p-3}{n_1+n_2-2}D^2-p(rac{1}{n_1}+rac{1}{n_2}),~~p=3$$

где

$$D^2 = rac{(\overline{z}^{(1)} - \overline{z}^{(2)})^2}{s_z^2}$$

И оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$egin{align} \hat{P}(2|1) &= \Phiigg(rac{K - rac{1}{2}D_{_{
m H}}^2}{D_{_{
m H}}}igg) \ \hat{P}(1|2) &= \Phiigg(rac{-K - rac{1}{2}D_{_{
m H}}^2}{D_{_{
m H}}}igg) \ \Phi(y) &= rac{1}{\sqrt{2\pi}}\int\limits_{-\infty}^{y}e^{-rac{t^2}{2}}dt \ K &= lnigg(rac{q_2c(1|2)}{q_1c(2|1)}igg) \ \end{pmatrix}$$

Где c(1|2), c(2|1) - стоимости ошибочной классификации

В нашем случае $q_1=q_2=0.5$, а c(1|2)=c(2|1) так как задача не предполагает выделения важности конкретной ошибки. Следовательно K=0.

Сравнительный анализ

Заметим, что и для тестовой выборки, и для обучающих данных, классикация хорошо разделенных данных получается качественнее - эмипирическая вероятность ошибочной классификации и ее оценка в обоих случаях ниже нежели в случае плохо разделенных данных.

Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(2|1) = 0.2 P(1|2) = 0.2

Что и требовалось ожидать - расстояние Махалонобиса и оценки вероятностей ошибочной классификации больше в случае плохо разделенных данных.

Реализация: данные из репозитория

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.682

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Исследуем качество классификации на данных датасета *german-numeric*. Размер датасета - 1000, 700 из них принадлежит классу №1, 300 - №2. Число признаков - 24.

```
In [11]:
          class RepoResearch:
              def __init__(self, x, y, train_coef):
                  logging = True
                  self.X = x
                  self.Y = y
                  self.sample1 = self.X[self.Y == 1]
                  self.sample2 = self.X[self.Y == 2]
                  size1 = len(self.sample1)
                  size2 = len(self.sample2)
                  if logging:
                      print(f"Всего данных: \t\t1: {size1} \t2: {size2}")
                  self.train1 = self.sample1[:int(train_coef*size1)]
                  self.train2 = self.sample2[:int(train_coef*size2)]
                  self.train_trueY = np.hstack([np.ones(len(self.train1)), np.full(len(self.train2), 2)])
                  self.train_set = np.vstack([self.train1, self.train2])
                  self.train_n1 = len(self.train1)
                  self.train_n2 = len(self.train2)
                  self.test1 = self.sample1[int(train_coef*size1):]
                  self.test2 = self.sample2[int(train_coef*size2):]
```

```
# true taraets
        self.test_trueY = np.hstack([np.ones(len(self.test1)), np.full(len(self.test2), 2)])
        self.test set = np.vstack([self.test1, self.test2])
        self.test_n1 = len(self.test1)
        self.test_n2 = len(self.test2)
        if logging:
            print(f"Тренировочные данные: \t1: {len(self.train1)} \t2: {len(self.train2)}")
            print(f"Тестовые данные: \t1: {len(self.test1)} \t2: {len(self.test2)}")
        self.q1 = len(self.train1) / (len(self.train1) + len(self.train2))
        self.q2 = 1-self.q1
        if logging:
            print(f''q1 = {self.q1}, \tq2 = {round(self.q2, 2)}")
    def calc estimates(self):
          samples mean
        self.m1_ = np.mean(self.train1, axis=0)
        self.m2 = np.mean(self.train2, axis=0)
          specify covariance matrix for samples
#
          assuming that cov1 approximately equal cov2
        self.cov_ = ((len(self.train1)-1)*np.cov(self.train1.T) + (len(self.train2)-1)*np.cov(self.train2)
        self.alpha = np.linalg.inv(self.cov ) @ (self.m1 -self.m2 )
          mean of discriminant function
#
        self.mz1_ = np.dot(self.alpha, self.m1_)
        self.mz2 = np.dot(self.alpha, self.m2 )
#
          variance of discriminant function
        self.z var = self.alpha @ self.cov @ self.alpha
    def makhalanobis(self, unbiased=False):
        makh = (self.mz1_-self.mz2_)**2 / self.z_var
        if unbiased:
            p = len(self.m1_)
            n1 = self.train n1
            n2 = self.train n2
            makh = ((n1 + n2 - p - 3) / (n1 + n2 - 2)*makh - p*(1/n1 + 1/n2))**0.5
        return makh
    def calc_errors(self, D):
        K = np.log(self.q2 / self.q1)
        F = lambda x: norm.cdf(x)
        return {"p21": F((K - 0.5*D**2)/D), "p12": F((-K - 0.5*D**2)/D)}
    def predict(self, predict_test_set=True):
        if predict test set:
            predict_set = self.test_set
        else:
            predict_set = self.train_set
        threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
        lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
        threshold += lnq1q2
        predict = []
        for instance in predict_set:
            if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
                predict.append(1)
            else:
                predict.append(2)
        return predict
```

Всего данных: 1: 700 2: 300 Тренировочные данные: 1: 630 2: 270 Тестовые данные: 1: 70 2: 30 q1 = 0.7, q2 = 0.3

Найдем эмпирическую вероятность ошибочной классификации.

```
In [13]:

predict = repo_research.predict(predict_test_set=True)

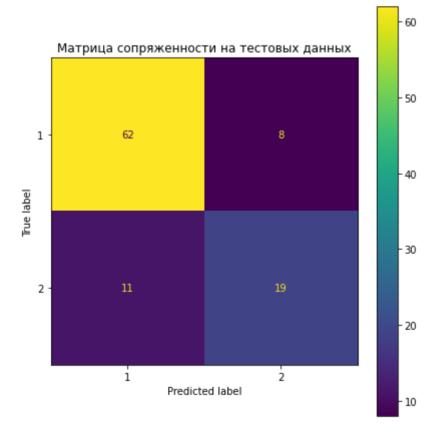
cm = confusion_matrix(repo_research.test_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(6, 6))
ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
ax.set_title("Матрица сопряженности на тестовых данных")
fig.tight_layout()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research.test_True})
```

Эмпирические вероятности ошибочной классификации:

P(1|2) = 0.367, P(2|1) = 0.114



Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория

Вычислим оценки вероятностей ошибочной классификации, а также несмещенную оценку расстояние Махаланобиса и несмещенные оценки вероятностей ошибочной классификации по ранее упомянутым формулам 17-22.

```
In [14]:
           predict = repo_research.predict(predict_test_set=False)
           cm = confusion matrix(repo research.train trueY, predict)
           fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(6, 6))
           ConfusionMatrixDisplay(cm, display labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
           ax.set title("Матрица сопряженности на обучающих данных")
           fig.tight_layout()
           _, m21, m12, _ = cm.ravel()
           print(f"Оценки вероятностей ошибочной классификации: <math>ntp(1|2) = \{round(m12 / repo research.tr
           makh = repo research.makhalanobis(unbiased=True)
           errors = repo_research.calc_errors(makh)
           print(f"Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
           print(f"Hecмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = \{\text{round}(\text{errors}['\text{p12'}], 3)\} \setminus t P(2|1)
          Оценки вероятностей ошибочной классификации:
                                    P(2|1) = 0.114
                  P(1|2) = 0.47
          Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.198
          Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = 0.543
                                                                              P(2|1) = 0.096
              Матрица сопряженности на обучающих данных
                                                                   500
            1
                        558
                                                                   400
          Frue label
                                                                   - 300
            2
                        127
                                                                   200
                         1
                                Predicted label
                                                                   100
```

Метод главных компонент

Исследование классификации тестовой выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (РСА)

Попробуем предобработать данные. Сократим число признаков с помощью метода главных компонент.

Стандартизуем данные, вычислим несмещенную оценку матрицы ковариаций. Вычислим собственные значения и векторы. Отберем наиболее значимые признаки, домножив матрицу признаков на матрицу состоящую из собственных векторов, собственные числа которых удовлетворяют неравенству (правило Кайзера):

$$\lambda_i: rac{\lambda_i}{\sum\limits_{j=1}^{p=24} D[x_j]} = rac{\lambda_i}{trace(S)} > rac{1}{24}$$

Так как данные были стандартизированы, то отбор собственных чисел становится следующим:

$$\lambda_i:\lambda_i>1$$

```
In [15]:
          X = []
          Y = []
          with open("german.data-numeric") as data:
              for string in data:
                  string = string.split()
                  x, y = string[:-1], string[-1]
                  X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
                  Y.append(int(y))
          X = np.array(X)
          Y = np.array(Y)
          mean = np.mean(X, axis=0)
          covariance = np.cov(X.T)
          X centered = X - mean
          X stand = X centered / np.sqrt(np.diagonal(covariance))
          covariance = np.cov(X stand.T)
          eiges = np.linalg.eig(covariance)
          values, vectors = eiges
          eiges = sorted(list(zip(values, vectors.T)), key=lambda x: x[0], reverse=True)
          vals = values[values > 1]
          print(f"Отобрали следующие {len(vals)} собственных чисел: {vals}")
```

Отобрали следующие 10 собственных чисел: [2.51828975 2.12147659 1.85393992 1.70397873 1.6321735 7 1.32147521 1.21521006 1.15970619 1.12146973 1.01054463]

Далее произведем перемножение матриц:

q2 = 0.3

q1 = 0.7,

 $X[1000, 24] \cdot Transform[24, 10] = X_{new}[1000, 10]$

Числа в скобках отображают размерности матриц. Матрица Transform[24, 10] состоит из собственных векторов, соответствующих отобранным собственным значениям.

```
In [16]:

transform_ = np.vstack(list([eiges[i][1] for i in range(10)]))

X_new = X_stand @ transform_.T + mean @ transform_.T

In [17]:

repo_research_PCA = RepoResearch(X_new, Y, 0.9)

repo_research_PCA.calc_estimates()

Всего данных: 1: 700 2: 300

Тренировочные данные: 1: 630 2: 270

Тестовые данные: 1: 70 2: 30
```

```
In [18]: predict = repo_research_PCA.predict(predict_test_set=True)

cm = confusion_matrix(repo_research_PCA.test_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(6, 6))

ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)

ax.set_title("Матрица сопряженности на тестовых данных из репозитория")

fig.tight_layout()

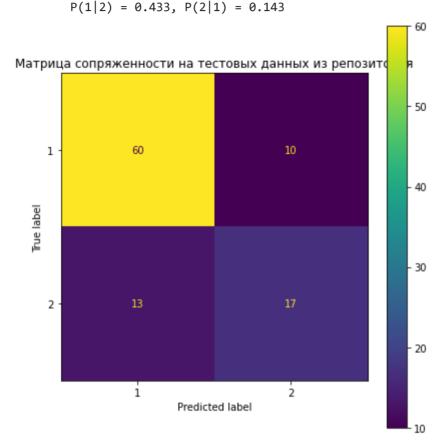
_, m21, m12, _ = cm.ravel()

print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research_PCA.test_trueY, predict)

print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research_PCA.test_trueY, predict)

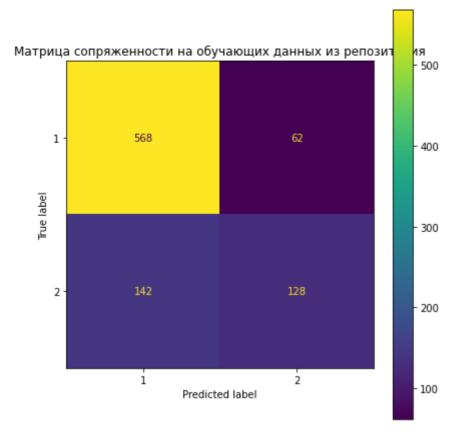
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research_PCA.test_trueY, predict)
```

Эмпирические вероятности ошибочной классификации:



Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (РСА)

Оценки вероятностей ошибочной классификации: P(1|2) = 0.526, P(2|1) = 0.098

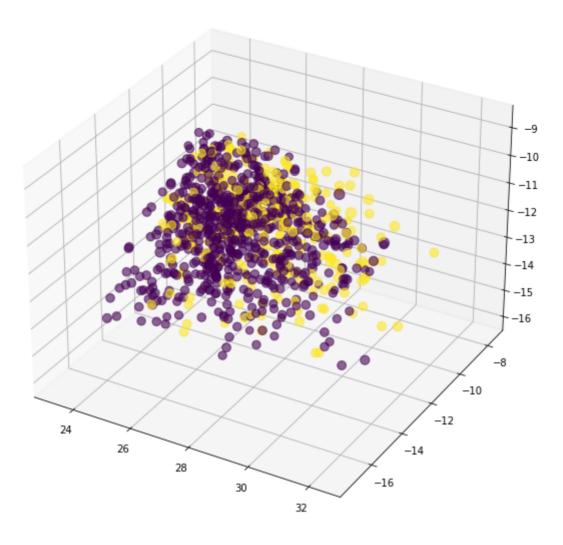


```
In [20]: makh = repo_research_PCA.makhalanobis(unbiased=True)
    errors = repo_research_PCA.calc_errors(makh)
    print(f"\tHecмeщенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
    print(f"\tHecмeщенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t P(2)
```

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.14 Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = 0.569 P(2|1) = 0.095

Посмотрим на данные с пониженной размерностью:

```
fig = plt.figure(figsize=(10, 10))
ax = fig.add_subplot(projection='3d')
ax.scatter(xs=X_new[:, 0], ys=X_new[:, 1], zs=X_new[:, 2], s=(X_new[:, 3]**2)**(0.75), alpha=0.
```



Выводы по РСА

Понижение размерности может уменьшить сложность вычислений. Уменьшив число признаков более чем в два раза, пришлось незначительно пожертвовать точностью выделения объектов второго класса, при этом ошибка классификации первого класса уменьшилась. Визуальное представление данных помогает увидеть, что данные все еще сильно спутаны и не разделяются линейно.

Заключение

- Пронаблюдали зависимость качества классификации от разброса данных при равных средних. Высокая дисперсия является причиной более пологой функции плотности случайной величины значения дискриминантной функции, что усложняет классификацию данные смешаны в такой случае сильнее.
- В случае неравномерного содержания объектов разных классов в обучающей выборке повышается вероятность ошибиться, объекты малочисленного класса довольно часто относятся классификатором к многочисленному классу.
- Сокращение размерности пространства признаков в разумных пределах (что можно определить, например, правилом Кайзера) позволяет снизить вычислительные требования классификатора. При этом вероятность ошибки может незначительно вырасти.