Постановка задачи:

Требуется построить и протестировать классификатор многомерных объектов на основе обучающей выборки - модельные данные и данные из репозитория.

Реализиция: модельные данные

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Бинарный классификатор должен быть протестирован для двух случаев: хорошо и плохо разделенные данные, распределенные по закону многомерного нормального распределения размерности p=3.

Для каждого случая по отдельности должны быть заданы различные векторы средних и равные матрицы ковариаций. Хорошо и плохо разделенные данные будем выбирать, меняя матрицу ковариций.

Хорошо разделенные данные:

OB1:

 $x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{good})$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{good})$$

Плохо разделенные данные:

OB1:

$$x \sim N(\mu^{(1)}, \Sigma_{bad})$$

OB2:

$$x \sim N(\mu^{(2)}, \Sigma_{bad})$$

Подключим необходимые для исследования пакеты:

```
from scipy.stats import multivariate_normal, norm
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
from sklearn.metrics import confusion_matrix, ConfusionMatrixDisplay
```

Зададим размер обучающей выборки $n_1=1000$, $n_2=1000$, векторы средних m1 и m2, матрицы ковариаций для хорошо и плохо разделимых данных - s_{qood} и s_{bad} соответственно.

```
In [2]:
    n = 2000

m1 = np.array([1, 2, 3])
    m2 = np.array([3, 5, -1])

s_good = np.array([[1.2, 0, -1],
```

```
[0, 3, 0.5],
[-1, 0.5, 4]])
s_bad = (s_good+1.5)*3
q1 = 0.5
```

Создадим набор необходимых функций для построения классификатора. Для большего удобства функции были "упакованы" в класс **ModelResearch**.

Основной для классификации является функция calc_estimates, в ней рассчитываются оценки средних

$$\mu^{(k)} o \hat{\mu}^{(k)}, \qquad \hat{\mu}^{(k)}_j = rac{1}{n_k} \sum_{i=1}^{n_k} x_{ij}, \quad \ k = 1, 2$$

и оценка матрицы ковариаций

$$S^{(k)}=(s_{lj}^{(k)}), \hspace{5mm} l,j=\overline{1,3},k=1,2$$
 $s_{lj}^{(k)}=rac{1}{n_k-1}\sum_{i=1}^{n_k}(x_{il}^{(k)}-\hat{\mu}_l^{(k)})(x_{ij}^{(k)}-\hat{\mu}_j^{(k)}), \hspace{5mm} k=1,2$ $\Sigma o S, \hspace{5mm} S=rac{1}{n_1+n_2-2}[(n_1-1)S^{(1)}+(n_2-1)S^{(2)}]$

оценка вектора α :

$$lpha
ightarrow \hat{lpha} = \mathbf{a}, \qquad lpha = \Sigma^{-1}(\mu^{(1)} - \mu^{(2)})
ightarrow \mathbf{a} = S^{-1}(\hat{\mu}^{(1)} - \hat{\mu}^{(2)})$$

а также оценки средних дискриминатной функции

$$egin{aligned} eta_k
ightarrow \overline{z}^{(k)} = \langle \hat{\mu}^{(k)}, \mathbf{a}
angle, & k = 1, 2 \end{aligned}$$

и дисперсии

$$\sigma_z^2
ightarrow s_z^2 = \sum_{l=1}^3 \sum_{j=1}^3 a_l s_{lj} a_j$$

```
In [3]:
         class ModelResearch():
             def __init__(self, mean1, mean2, cov, q1, size, test_set=None):
                 self.sample1 = []
                 self.sample2 = []
                 self.m1 = mean1
                 self.m2 = mean2
                 self.cov = cov
                 self.q1 = q1
                 self.q2 = 1 - q1
                 self.n1 = int(size*q1)
                 self.n2 = size - self.n1
                 self.test_set = test_set
                 self.m1 = []
                 self.m2_ = []
                 self.cov_ = []
                 self.alpha = []
                 self.mz1_=0
                 self.mz2 = 0
                 self.z_var = 0
```

```
def generate sample(self):
        self.sample1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self.n1, random_stat
        self.sample2 = multivariate normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self.n2, random stat
    def calc_estimates(self):
#
          samples mean
        self.m1_ = np.mean(self.sample1, axis=0)
        self.m2_ = np.mean(self.sample2, axis=0)
          specify covariance matrix for samples
#
          assuming that cov1 approximately equal cov2
#
        self.cov = (np.cov(self.sample1.T) + np.cov(self.sample2.T)) / 2
        self.alpha = np.linalg.inv(self.cov_) @ (self.m1_-self.m2_)
          mean of discriminant function
        self.mz1_ = np.dot(self.alpha, self.m1_)
        self.mz2 = np.dot(self.alpha, self.m2 )
#
          variance of discriminant function
        self.z var = self.alpha @ self.cov @ self.alpha
    def makhalanobis(self, unbiased=False):
        makh = (self.mz1_-self.mz2_)**2 / self.z_var
        if unbiased:
            p = len(self.m1)
            makh = ((self.n1 + self.n2 - p - 3)/
                    (self.n1 + self.n2 - 2)*makh - p*(1/self.n1 + 1/self.n2))**0.5
        return makh
    def calc_errors(self, D):
        K = np.log(self.q2 / self.q1)
        F = lambda x: norm.cdf(x)
        return {"p21": F((K - 0.5*D**2)/D), "p12": F((-K - 0.5*D**2)/D)}
    def specify_test_set(self, create_new=False):
        if create new:
            print("Creating test set")
            test1 = multivariate_normal(mean=self.m1, cov=self.cov).rvs(self.n1, random_state=1
            test2 = multivariate normal(mean=self.m2, cov=self.cov).rvs(self.n2, random state=1
        else:
            test1 = self.sample1
            test2 = self.sample2
        self.test_set = np.vstack([test1, test2])
        return np.hstack([np.zeros(self.n1), np.ones(self.n2)])
    def predict(self, test_set=None):
        if not test set:
            test set = self.test set
        if test_set is None:
            print("Warning!\n\tTest set not specified!")
            return
          (\ksi1 + \ksi2) / 2
        threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
        lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
        threshold += lnq1q2
        predict = []
        for instance in test_set:
            if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
                predict.append(0)
                predict.append(1)
        return predict
```

Создадим классы исследований. Сгенерируем обучающие выборки и тестовые выборки. Размер тестовой выборки $n_{\scriptscriptstyle \rm T}=2000$, выборка содержит равное число элементо из 1 и 2 классов.

```
R_bad = ModelResearch(m1, m2, s_bad, q1, n)
R_good.generate_sample()
R_bad.generate_sample()
true_good = R_good.specify_test_set(create_new=True)
true_bad = R_bad.specify_test_set(create_new=True)
```

Creating test set Creating test set

Рассчитаем необходимые для классификатора величины.

```
In [5]: R_good.calc_estimates()
    R_bad.calc_estimates()
```

Получим предсказания следующим образом:

Если

$$\sum_{j=1}^p a_j x_j = \langle \mathbf{a}, x
angle \geq rac{\overline{z}^{(1)} + \overline{z}^{(2)}}{2} + ln rac{q_2}{q_1}$$

то относим экземпляр тестовой выборки к 1 классу - иначе к 2 классу.

 q_1 , q_2 - отсносительная частота 1 и 2 класса в обучающей выборке. В данном случае $q_1=q_2=0.5$.

```
In [6]: predict_good = R_good.predict()
predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем эмпирическую вероятность ошибочной классификации:

$$P_{\mathfrak{I}}(1|2) = \frac{m_2}{n_2}$$

 m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

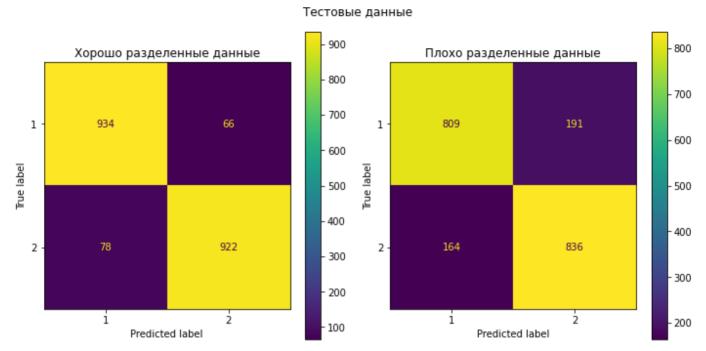
$$P_{\mathfrak{I}}(2|1) = \frac{m_1}{n_1}$$

 m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

```
In [7]:
         cm good test = confusion matrix(true good, predict good)
         cm_bad_test = confusion_matrix(true_bad, predict_bad)
         def confusion_matrix_report(cm_good, cm_bad, suptitle: str, err_name: str, R_good, R_bad):
             fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
             Confusion \texttt{MatrixDisplay(cm\_good, display\_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])}
             ax[0].set title("Хорошо разделенные данные")
             ConfusionMatrixDisplay(cm_bad, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
             ax[1].set_title("Плохо разделенные данные")
             fig.suptitle(suptitle)
             fig.tight_layout()
             plt.show()
             print(err_name + ":")
             _, m21, m12, _ = cm_good.ravel()
             print(f"\tXopowo paзделенные данные: \n\t\tP(1|2) = {m12 / R_good.n2}, P(2|1) = {m21 / R_good.n2}
             _, m21, m12, _ = cm_bad.ravel()
```

```
print(f"\tПлохо разделенные данные: \n\t\tP(1|2) = {m12 / R_bad.n2}, P(2|1) = {m21 / R_bad.confusion_matrix_report(cm_good_test, cm_bad_test, suptitle='Tecтовые данные',
err_name='Эмпирическая вероятность ошибочной классификации', R_good=R_{
```



Эмпирическая вероятность ошибочной классификации:

Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.078, P(2|1) = 0.066$$

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.164, P(2|1) = 0.191$$

Исследование классификации исходной обучающей выборки

Укажем тестовую выборку (без аргумента *create_new=True* в методе **specify_test_set()** в качестве классифицируемых указываются исходные обучающие выборки)

```
In [8]:
    true_good = R_good.specify_test_set()
    true_bad = R_bad.specify_test_set()
    predict_good = R_good.predict()

predict_bad = R_bad.predict()
```

Рассчитаем оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$\hat{P}(1|2)=\frac{m_2}{n_2}$$

 m_2 - количество элементов 2 класса, которых классификатор определил как 1 класс

$$\hat{P}(2|1) = \frac{m_1}{n_1}$$

 m_1 - количество элементов 1 класса, которых классификатор определил как 2 класс

И построим четырехпольную таблицу сопряженности.

А также (чтобы было удобно сравнивать) вновь выведем четырехпольную таблицу и эмпирические вероятности по итогам классификации тестовой выборки.

С той же целью сразу выведем несмещенную оценку расстояния Махаланобиса:

$$D_{_{
m H}}^2=rac{n_1+n_2-p-3}{n_1+n_2-2}D^2-p(rac{1}{n_1}+rac{1}{n_2}),~~p=3$$

где

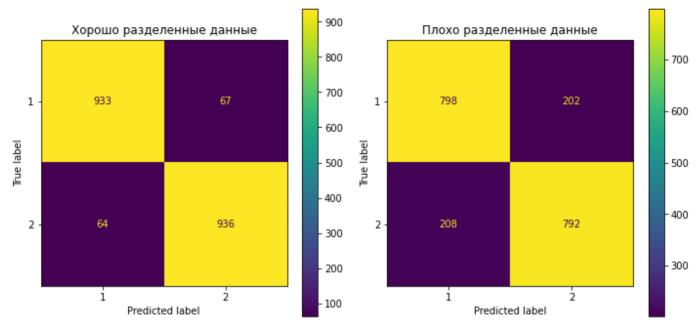
$$D^2 = rac{(ar{z}^{(1)} - ar{z}^{(2)})^2}{s_z^2}$$

И оценки вероятностей ошибочной классификации:

$$egin{align} \hat{P}(2|1) &= \Phiigg(rac{K - rac{1}{2}D_{_{
m H}}^2}{D_{_{
m H}}}igg) \ \hat{P}(1|2) &= \Phiigg(rac{-K - rac{1}{2}D_{_{
m H}}^2}{D_{_{
m H}}}igg) \ \Phi(y) &= rac{1}{\sqrt{2\pi}}\int\limits_{-\infty}^y e^{-rac{t^2}{2}}dt \ K &= lnigg(rac{q_2c(1|2)}{q_1c(2|1)}igg) \ \end{pmatrix}$$

Где c(1|2), c(2|1) - стоимости ошибочной классификации

В нашем случае $q_1=q_2=0.5$, а c(1|2)=c(2|1) так как задача не предполагает выделения важности конкретной ошибки. Следовательно K=0.



Оценка вероятности ошибочной классификации:

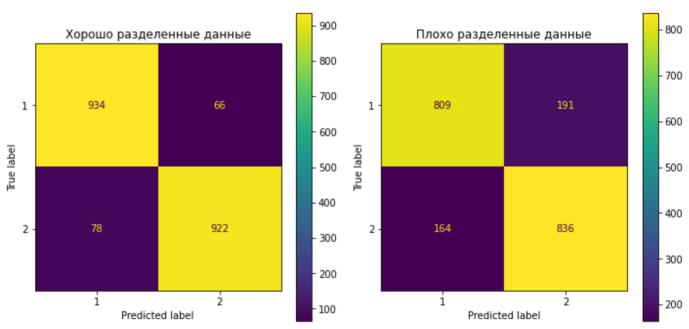
Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.064, P(2|1) = 0.067$$

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.208, P(2|1) = 0.202$$

Тестовые данные



Эмпирическая вероятность ошибочной классификации:

Хорошо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.078, P(2|1) = 0.066$$

Плохо разделенные данные:

$$P(1|2) = 0.164, P(2|1) = 0.191$$

Хорошо разделенные данные:

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 3.043

Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(2|1) = 0.064 P(1|2) = 0.064

Плохо разделенные данные:

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.682

Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(2|1) = 0.2 P(1|2) = 0.2

Сравнительный анализ

Заметим, что и для тестовой выборки, и для обучающих данных, классикация хорошо разделенных данных получается качественнее - эмипирическая вероятность ошибочной классификации и ее

оценка в обоих случаях ниже нежели в случае плохо разделенных данных.

Что и требовалось ожидать - расстояние Махалонобиса и оценки вероятностей ошибочной классификации больше в случае плохо разделенных данных.

Реализация: данные из репозитория

Построение дискриминантной функции по обучающей выборке, классификация тестовой выборки

Исследуем качество классификации на данных датасета *german-numeric*. Размер датасета - 1000, 700 из них принадлежит классу №1, 300 - №2. Число признаков - 24.

```
In [10]:
          class RepoResearch:
              def __init__(self, x, y, train_coef):
                  logging = True
                  self.X = x
                  self.Y = y
                   self.sample1 = self.X[self.Y == 1]
                   self.sample2 = self.X[self.Y == 2]
                  size1 = len(self.sample1)
                   size2 = len(self.sample2)
                   if logging:
                       print(f"Всего данных: \t\t1: {size1} \t2: {size2}")
                   self.train1 = self.sample1[:int(train_coef*size1)]
                   self.train2 = self.sample2[:int(train coef*size2)]
                   self.train trueY = np.hstack([np.ones(len(self.train1)), np.full(len(self.train2), 2)])
                   self.train set = np.vstack([self.train1, self.train2])
                   self.train_n1 = len(self.train1)
                   self.train n2 = len(self.train2)
                   self.test1 = self.sample1[int(train_coef*size1):]
                   self.test2 = self.sample2[int(train coef*size2):]
                   # true targets
                   self.test trueY = np.hstack([np.ones(len(self.test1)), np.full(len(self.test2), 2)])
                   self.test set = np.vstack([self.test1, self.test2])
                   self.test_n1 = len(self.test1)
                   self.test_n2 = len(self.test2)
                   if logging:
                       print(f"Тренировочные данные: \t1: {len(self.train1)} \t2: {len(self.train2)}")
                       print(f"Тестовые данные: \t1: {len(self.test1)} \t2: {len(self.test2)}")
                   self.q1 = len(self.train1) / (len(self.train1) + len(self.train2))
                   self.q2 = 1-self.q1
                   if logging:
                       print(f"q1 = {self.q1}, \tq2 = {round(self.q2, 2)}")
              def calc estimates(self):
          #
                    samples mean
                   self.m1_ = np.mean(self.train1, axis=0)
                  self.m2_ = np.mean(self.train2, axis=0)
          #
                    specify covariance matrix for samples
                    assuming that cov1 approximately equal cov2
                   self.cov_ = ((len(self.train1)-1)*np.cov(self.train1.T) + (len(self.train2)-1)*np.cov(self.train2)-1)
```

```
self.alpha = np.linalg.inv(self.cov_) @ (self.m1_-self.m2_)
#
          mean of discriminant function
        self.mz1_ = np.dot(self.alpha, self.m1_)
        self.mz2_ = np.dot(self.alpha, self.m2_)
#
          variance of discriminant function
        self.z_var = self.alpha @ self.cov_ @ self.alpha
    def makhalanobis(self, unbiased=False):
        makh = (self.mz1 -self.mz2 )**2 / self.z var
        if unbiased:
            p = len(self.m1)
            n1 = self.train n1
            n2 = self.train_n2
            makh = ((n1 + n2 - p - 3) / (n1 + n2 - 2)*makh - p*(1/n1 + 1/n2))**0.5
        return makh
    def calc errors(self, D):
        K = np.log(self.q2 / self.q1)
        F = lambda x: norm.cdf(x)
        return {"p21": F((K - 0.5*D**2)/D), "p12": F((-K - 0.5*D**2)/D)}
    def predict(self, predict test set=True):
        if predict_test_set:
            predict_set = self.test_set
        else:
            predict_set = self.train_set
        threshold = (self.mz1_ + self.mz2_) / 2
        lnq1q2 = np.log(self.q2 / self.q1)
        threshold += lnq1q2
        predict = []
        for instance in predict_set:
            if np.dot(self.alpha, instance) >= threshold:
                predict.append(1)
            else:
                predict.append(2)
        return predict
```

Для обучения берем 90% данных датасета. 630 от 1-го класса, 270 от 2-го.

```
In [11]:
          X = []
          Y = []
          with open("german.data-numeric") as data:
              for string in data:
                  string = string.split()
                  x, y = string[:-1], string[-1]
                  X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
                  Y.append(int(y))
          X = np.array(X)
          Y = np.array(Y)
          repo_research = RepoResearch(X, Y, 0.9)
          repo_research.calc_estimates()
         Всего данных:
                                  1: 700 2: 300
         Тренировочные данные:
                                  1: 630 2: 270
```

Найдем эмпирическую вероятность ошибочной классификации.

2: 30

1: 70

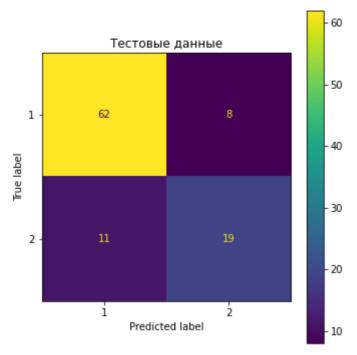
q2 = 0.3

Тестовые данные:

q1 = 0.7

```
fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(5, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm_test, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
ax.set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm_test.ravel()
p12_test, p21_test = round(m12 / repo_research.test_n2, 3), round(m21 / repo_research.test_n1,
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research.test_n2, models)}
```



Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1|2) = 0.367, P(2|1) = 0.114

Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория

Вычислим оценки вероятностей ошибочной классификации, а также несмещенную оценку расстояние Махаланобиса и несмещенные оценки вероятностей ошибочной классификации по ранее упомянутым формулам 17-22.

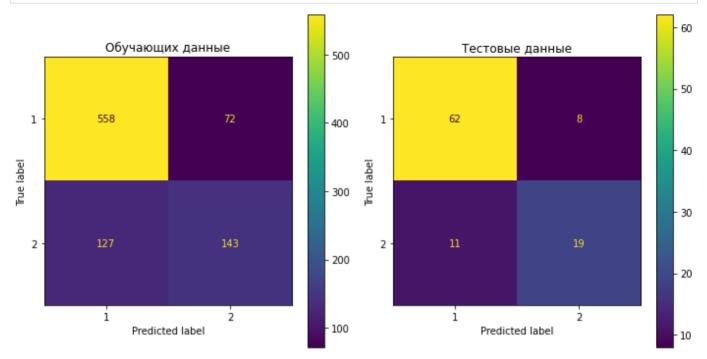
Также для удобства сравнения выведем рядом четырехпольную таблицу сопряженности и эмпирические вероятности по итогам классификации тестовой выборки.

```
In [13]:
    predict = repo_research.predict(predict_test_set=False)
    cm = confusion_matrix(repo_research.train_trueY, predict)

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
    ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])
    ax[0].set_title("Oбучающих данные")
    ConfusionMatrixDisplay(cm_test, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])
    ax[1].set_title("Тестовые данные")
    fig.tight_layout()
    plt.show()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
    print(f"Оценки вероятностей ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research.tr
    makh = repo_research.makhalanobis(unbiased=True)
```

```
errors = repo_research.calc_errors(makh)
print(f"Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
print(f"Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t P(2|1)
print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test}, P(2|1) = {p2
```



Оценки вероятностей ошибочной классификации:

```
P(1|2) = 0.47, P(2|1) = 0.114
Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.198
Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = 0.543 P(2|1) = 0.096
Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1|2) = 0.367, P(2|1) = 0.114
```

Чтобы сразу перейти к отчету по классификации после понижения размерности нажмите здесь

Метод главных компонент

Исследование классификации тестовой выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (РСА)

Попробуем предобработать данные. Сократим число признаков с помощью метода главных компонент.

Стандартизуем данные, вычислим несмещенную оценку матрицы ковариаций. Вычислим собственные значения и векторы. Отберем наиболее значимые признаки, домножив матрицу признаков на матрицу состоящую из собственных векторов, собственные числа которых удовлетворяют неравенству (правило Кайзера):

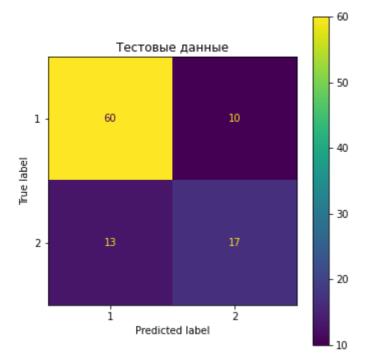
$$\lambda_i: rac{\lambda_i}{\sum\limits_{j=1}^{p=24} D[x_j]} = rac{\lambda_i}{trace(S)} > rac{1}{24}$$

Так как данные были стандартизированы, то отбор собственных чисел становится следующим:

$$\lambda_i:\lambda_i>1$$

```
Y = []
          with open("german.data-numeric") as data:
              for string in data:
                  string = string.split()
                  x, y = string[:-1], string[-1]
                  X.append(np.array(list(map(lambda elem: float(elem), x))))
                  Y.append(int(y))
          X = np.array(X)
          Y = np.array(Y)
          mean = np.mean(X, axis=0)
          covariance = np.cov(X.T)
          X_{centered} = X - mean
          X stand = X centered / np.sqrt(np.diagonal(covariance))
          covariance = np.cov(X stand.T)
          eiges = np.linalg.eig(covariance)
          values, vectors = eiges
          eiges = sorted(list(zip(values, vectors.T)), key=lambda x: x[0], reverse=True)
          vals = values[values > 1]
          print(f"Отобрали следующие {len(vals)} собственных чисел: {vals}")
         Отобрали следующие 10 собственных чисел: [2.51828975 2.12147659 1.85393992 1.70397873 1.6321735
         7 1.32147521
          1.21521006 1.15970619 1.12146973 1.01054463]
        Далее произведем перемножение матриц:
                                 X[1000, 24] \cdot Transform[24, 10] = X_{new}[1000, 10]
        Числа в скобках отображают размерности матриц. Матрица Transform[24, 10] состоит из
        собственных векторов, соответствующих отобранным собственным значениям.
In [15]:
          transform_ = np.vstack(list([eiges[i][1] for i in range(10)]))
          X new = X stand @ transform .T + mean @ transform .T
In [16]:
          repo research PCA = RepoResearch(X new, Y, 0.9)
          repo research PCA.calc estimates()
         Всего данных:
                                  1: 700 2: 300
                                  1: 630 2: 270
         Тренировочные данные:
                                 1: 70
         Тестовые данные:
                                         2: 30
         q1 = 0.7,
                        q2 = 0.3
In [17]:
          predict = repo_research_PCA.predict(predict_test_set=True)
          cm test pca = confusion matrix(repo research PCA.test trueY, predict)
          fig, ax = plt.subplots(1, 1, figsize=(5, 5))
          ConfusionMatrixDisplay(cm_test_pca, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax)
          ax.set_title("Тестовые данные")
          fig.tight_layout()
          plt.show()
          _, m21, m12, _ = cm_test_pca.ravel()
          p12_test_pca, p21_test_pca = round(m12 / repo_research_PCA.test_n2, 3), round(m21 / repo_research_pca.
          print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: n\tP(1|2) = \{p12\_test\_pca\}, P(2|1)
```

X = []



Эмпирические вероятности ошибочной классификации: P(1|2) = 0.433, P(2|1) = 0.143

Исследование классификации исходной обучающей выборки из репозитория с уменьшенной размерностью данных (РСА)

```
In [18]:

predict = repo_research_PCA.predict(predict_test_set=False)

cm = confusion_matrix(repo_research_PCA.train_trueY, predict)

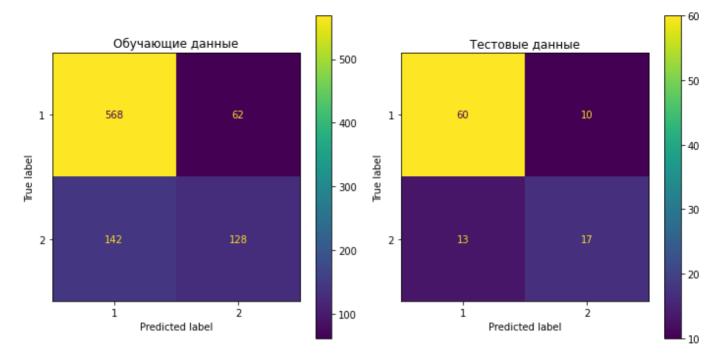
fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(10, 5))
ConfusionMatrixDisplay(cm, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[0])

ax[0].set_title("Oбучающие данные")
ConfusionMatrixDisplay(cm_test_pca, display_labels=["1", "2"]).plot(ax=ax[1])

ax[1].set_title("Тестовые данные")
fig.tight_layout()
plt.show()

_, m21, m12, _ = cm.ravel()
print(f"Оценки вероятностей ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {round(m12 / repo_research_PC)}

print(f"Эмпирические вероятности ошибочной классификации: \n\tP(1|2) = {p12_test_pca}, P(2|1) = {p12_test_pca},
```



Оценки вероятностей ошибочной классификации: P(1|2) = 0.526, P(2|1) = 0.098

Эмпирические вероятности ошибочной классификации:

P(1|2) = 0.433, P(2|1) = 0.143

```
In [19]:

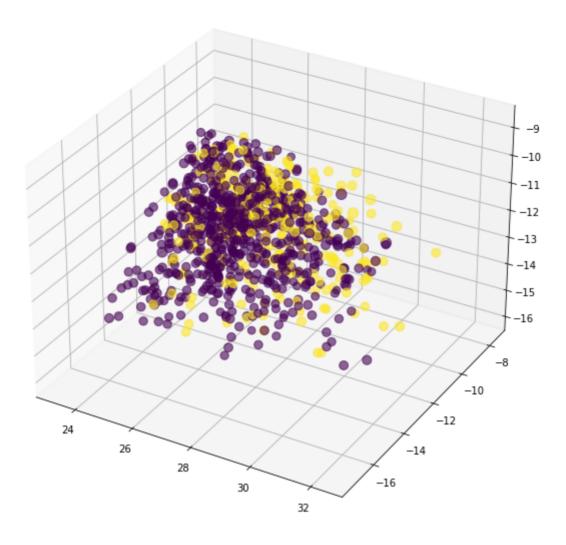
makh = repo_research_PCA.makhalanobis(unbiased=True)
errors = repo_research_PCA.calc_errors(makh)
print(f"\tHecмещенная оценка расстояния Махаланобиса: {round(makh, 3)}")
print(f"\tHecмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = {round(errors['p12'], 3)} \t P(2)
```

Несмещенная оценка расстояния Махаланобиса: 1.14 Несмещенные оценки ошибочной классификации: P(1|2) = 0.569 P(2|1) = 0.095

Чтобы сравнить с классификацией на обучающей и тестовой выборках без понижения размерности нажмите **здесь**.

Посмотрим на данные с пониженной размерностью:

```
fig = plt.figure(figsize=(10, 10))
ax = fig.add_subplot(projection='3d')
ax.scatter(xs=X_new[:, 0], ys=X_new[:, 1], zs=X_new[:, 2], s=(X_new[:, 3]**2)**(0.75), alpha=0.
```



Выводы по РСА

Понижение размерности может уменьшить сложность вычислений. Но уменьшив число признаков более чем в два раза, пришлось пожертвовать точностью выделения объектов второго класса.

Однако в данном случае вероятность ошибки второго класса приближается к 0.5, что создает сомнения в смысле использования такого классификатора - случайный выбор мог определять второй класс с тем же успехом.

Но все же стоит отметить, что любой классификатор имеет смысл оценивать в контексте прикладной задачи. Например, в данном случае и эмпирическая $P_{\scriptscriptstyle 3}(2|1)$, и $\hat{P}(2|1)$ довольны малы и незначительно изменяются при понижении размерности. Если бы задачей стояло как можно реже определять 1-ый класс класс как 2-ой класс (например, определять террориста, как добропорячного гражданина или больного человека как здорового), то наш классификатор неплохо справлялся бы.

Визуальное представление данных помогает увидеть, что данные все еще сильно спутаны и не разделяются линейно.

Заключение

• Пронаблюдали зависимость качества классификации от разброса данных при равных средних. Высокая дисперсия является причиной более пологой функции плотности случайной величины

значения дискриминантной функции, что усложняет классификацию - данные смешаны в такой случае сильнее.

- В случае неравномерного (несбалансированного) содержания объектов разных классов в обучающей выборке повышается вероятность ошибиться, объекты малочисленного класса довольно часто относятся классификатором к многочисленному классу. В таких случаях, полагаясь на контекст задачи, имеет смысл вводить стоимости ошибочной классификации.
- Сокращение размерности пространства признаков в разумных пределах (что можно определить, например, правилом Кайзера) позволяет снизить вычислительные требования классификатора. При этом вероятность ошибки может незначительно вырасти.