

Conhecimentos em Bioinformática 2

Matrizes de Pontuação

Professor: João Victor de Araujo Oliveira

31 de agosto de 2020

Nome: _____

1) De acordo com a tabela de pontuação para nucleotídeos a seguir:

+2 :	<i>Match</i>
0 :	<i>Mismatch</i> entre purinas/purinas ou pirimidinas/pirimidinas
-1 :	<i>Mismatch</i> entre purina/pirimidina
-2 :	<i>gap</i>

Construa as matrizes de programação dinâmica e determine todos os possíveis alinhamentos globais entre os pares de sequências a seguir:

a) $s = ATTCC$ e $t = ATTCGCC$

b) $s = AAAAA$ e $t = ATAATA$

2) De acordo com a tabela de pontuação para aminoácidos Blosun64, construa as matrizes de programação dinâmica para o alinhamento local e exiba o melhor alinhamento local entre os seguintes pares:

a) $s = DNA$ e $t = NCRNA$

b) $s = WYBZL$ e $t = WMLB$

c) $s = XAXA$ e $t = PATA$

Tabela 1: Blosum64

[illegible]