

Arquivo	Tamanho original	GCIS S8B	GCIS EF
DNA	100M	3,5M	4,2M
CERE	440M	17M	20M

**Partição inicial igual à 16**

Arquivo	Critério de parada	LCP mean	Soma ao LCP mean	Arquivo compactado
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	1	35M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	1	219M
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	0	10M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	0	181M
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	1	15M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	1	181M
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	0	27M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	0	142M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	1	35M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	1	219M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	0	10M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	0	182M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	1	15M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	1	182M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	0	28M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	0	143M

**Partição inicial igual à 32**

Arquivo	Critério de parada	LCP mean	Soma ao LCP mean	Arquivo compactado
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	1	5,7M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	1	219M
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	0	35M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	teto	0	181M
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	1	35M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	1	181M
DNA	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	0	21M
CERE	$\text{lcpMean} \leq 1$	chão	0	142M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	1	5,7M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	1	219M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	0	35M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	teto	0	182M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	1	35M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	1	182M
DNA	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	0	21M
CERE	$\text{qtyRules} == \text{nTuples}$	chão	0	143M