Задания:

- 1. Транскрипция. Sequence 1 перевести код ДНК в код РНК
- 2. Трансляция. Sequence 1 перевести в код белка
- 3. Посчитать встречаемость
- а) каждой аминокислоты,
- б) GC (почему GC они дают три водородные связи и дают термоустойчивость ДНК, это важно для отжига праймеров для ПЦР)
- 4. Сравнить в двух белках по Sequence2 и Sequence3
- а) GC состав
- б) встречаемость кодонов для глицина (G) и аланина (A)

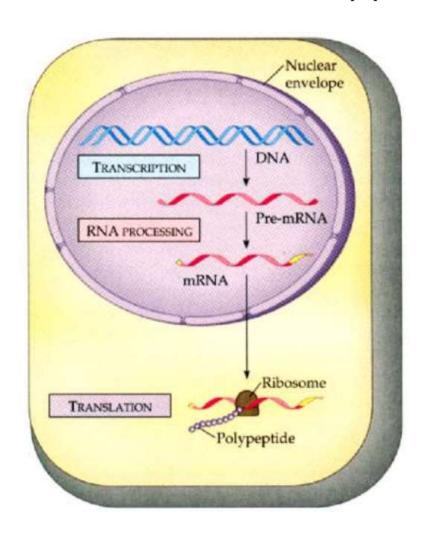
Задание со *

5. В ДНК последовательностях Sequence1_1, Sequence1_2, Sequence1_3 обнаружить неоднозначные нуклеотиды и определить варианты изменения белкового кода и вывести результирющие белковые последовательности.

Задание с **

6. В последовательности Sequence4 найти старт и стоп кодоны, определить рамку считывания, количество аминокислот в белке и вывести последовательность белка

От ДНК к белку



CCTGAGCCAACTATTGATGAA

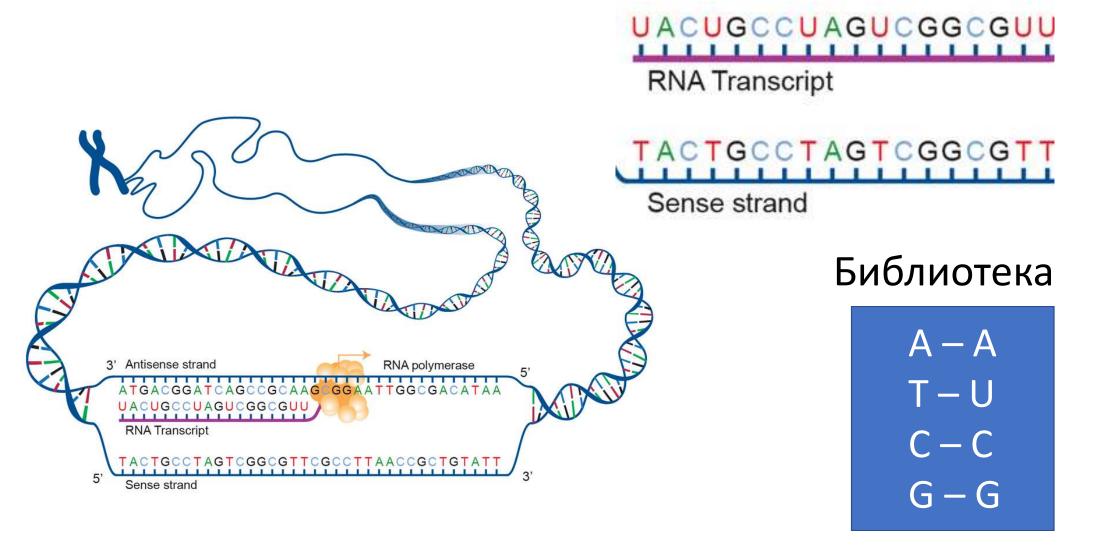
1

CCUGAGCCAACUAUUGAUGAA

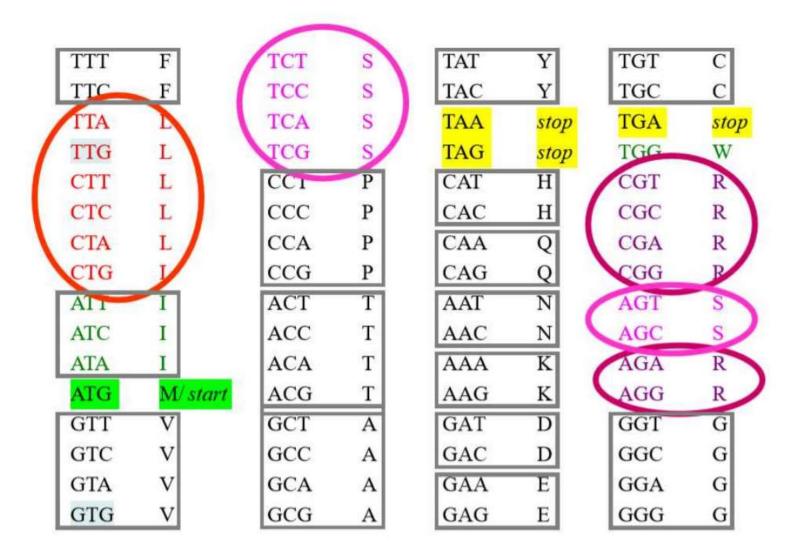
1

белок

Транскрипция



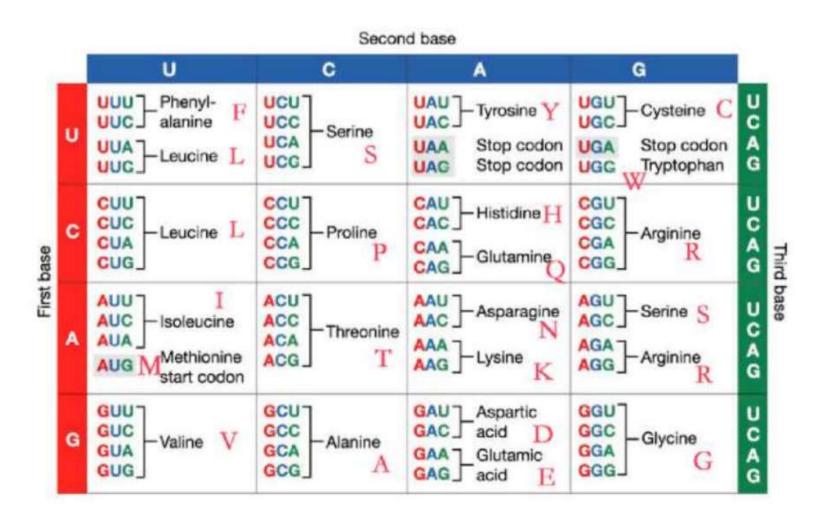
Синонимичные кодоны



Библиотека ДНК кодонов

```
dna codons = {"GCT":"A", "GCC":"A", "GCA":"A", "GCG":"A",
    "TGT":"C", "TGC":"C",
    "GAT":"D", "GAC":"D",
    "GAA":"E", "GAG":"E",
    "TTT":"F", "TTC":"F",
    "GGT": "G", "GGC": "G", "GGA": "G", "GGG": "G",
    "CAT":"H", "CAC":"H",
    "ATA":"I", "ATT":"I", "ATC":"I",
    "AAA":"K", "AAG":"K",
    "TTA":"L", "TTG":"L", "CTT":"L", "CTC":"L", "CTA":"L",
"CTG":"L",
    "ATG":"M", "AAT":"N", "AAC":"N",
    "CCT":"P", "CCC":"P", "CCA":"P", "CCG":"P",
    "CAA":"Q", "CAG":"Q",
    "CGT": "R", "CGC": "R", "CGA": "R", "CGG": "R", "AGA": "R",
"AGG": "R",
    "TCT": "S", "TCC": "S", "TCA": "S", "TCG": "S", "AGT": "S",
"AGC": "S",
    "ACT":"T", "ACC":"T", "ACA":"T", "ACG":"T",
    "GTT":"V", "GTC":"V", "GTA":"V", "GTG":"V",
    "TGG": "W",
    "TAT":"Y", "TAC":"Y",
    "TAA":" ", "TAG":" ", "TGA":" "}
```

От РНК к белку - трансляция



Библиотека РНК кодонов

```
rna_codons = {"GCU":"A", "GCC":"A", "GCA":"A", "GCG":"A",
   "UGU":"C", "UGC":"C",
    "GAU":"D", "GAC":"D",
    "GAA": "E", "GAG": "E",
    "UUU":"F", "UUC":"F",
    "GGU":"G", "GGC":"G", "GGA":"G", "GGG":"G",
    "CAU":"H", "CAC":"H",
    "AUA":"I", "AUU":"I", "AUC":"I",
    "AAA":"K", "AAG":"K",
    "UUA":"L", "UUG":"L", "CUU":"L", "CUC":"L", "CUA":"L",
"CUG": "L",
    "AUG":"M", "AAU":"N", "AAC":"N",
    "CCU":"P", "CCC":"P", "CCA":"P", "CCG":"P",
    "CAA":"Q", "CAG":"Q",
    "CGU": "R", "CGC": "R", "CGA": "R", "CGG": "R", "AGA": "R",
"AGG": "R",
    "UCU":"S", "UCC":"S", "UCA":"S", "UCG":"S", "AGU":"S",
"AGC": "S",
    "ACU":"U", "ACC":"U", "ACA":"U", "ACG":"U",
    "GUU":"V", "GUC":"V", "GUA":"V", "GUG":"V",
    "UGG":"W",
    "UAU":"Y", "UAC":"Y",
    "UAA":" ", "UAG":" ", "UGA":" "}
```

Частота использования кодонов в экзонах

```
Codon Usage: The Standard Code (transl_table=1)
CCA(P) 1.77% CGA(R) 0.64% CAA(Q) 1.26% CTA(L) 0.79%
CCG(P) 0.61% CGG(R) 0.98% CAG(Q) 3.24% CTG(L) 3.62%
CCT(P) 1.85% CGT(R) 0.43% CAT(H) 1.09% CTT(L) 1.37%
CCC(P) 1.76% CGC(R) 0.90% CAC(H) 1.45% CTC(L) 1.95%
GCA(A) 1.67% GGA(G) 1.68% GAA(E) 2.87% GTA(V) 0.81%
GCG(A) 0.62% GGG(G) 1.42% GAG(E) 3.83% GTG(V) 2.71%
GCT(A) 2.02% GGT(G) 1.13% GAT(D) 2.16% GTT(V) 1.18%
GCC(A) 2.52% GGC(G) 2.02% GAC(D) 2.55% GTC(V) 1.56%
ACA(T) 1.74% AGA(R) 1.28% AAA(K) 2.49% ATA(I) 0.85%
ACG(T) 0.52% AGG(R) 1.23% AAG(K) 3.35%
                                        ATG(M) 2.30%
ACT(T) 1.46% AGT(S) 1.32% AAT(N) 1.62% ATT(I) 1.69%
ACC(T) 1.85% AGC(S) 1.94% AAC(N) 2.00% ATC(I) 2.22%
TCA(S) 1.23% TGA(*) 0.10% TAA(*) 0.06% TTA(L) 0.72%
TCG(S) 0.40% TGG(W) 1.19% TAG(*) 0.05% TTG(L) 1.36%
TCT(S) 1.68% TGT(C) 1.20% TAT(Y) 1.28% TTT(F) 1.81%
TCC(S) 1.75% TGC(C) 1.17% TAC(Y) 1.55% TTC(F) 2.09%
```

• частоты синонимичных кодонов

- специфичны для генома
- коррелируют с концентрациями тРНК

IUPAC symbols for nucleotides.

Symbol	Name	Nucleotides represented
А	Adenine	A
C G	Cytosine	C
G	Guanine	G
Т	Thymine	Т
U	Uracil	U
K	Keto	G, T
M	Amino	A, C
R	Purine	A, G
S	Strong	C, G
W	Weak	A, T
Y	Pyrimidine	C, T
В	Not A	C, G, T
D	Not C	A, G, T
Н	Not G	A, C, T
V	Not T	A, C, G
N	Any base	A, C, G, T