Appunti del corso di Metodi numerici per l'informatica

A.A. 2021/2022

Indice

1	Intr	roduzione
	1.1	Tassonomia di Flyn
	1.2	Principi del calcolo parallelo
		1.2.1 Speed-up
		1.2.2 Efficienza
		1.2.3 Granularità
		1.2.4 Accessi in memoria
		1.2.5 Carico non bilanciato
		1.2.6 Legge di Amdahl
	1.3	Cenni finali
2	Son	ama di N numeri in parallelo
	2.1	Somma prima strategia di parallelizzazione
		2.1.1 Lavagna
	2.2	Somma seconda strategia di parallelizzazione
		2.2.1 Distribuzione dei dati
		2.2.2 Lavagna
	2.3	Somma terza strategia di parallelizzazione
		2.3.1 Lavagna
	2.4	Legge di amdhal dimostrazione
3	Pro	odotto matrice-vettore
	3.1	Algoritmo seriale(sequenziale)
	3.2	Prima strategia suddividisione in blocchi di righe
		3.2.1 Funzionamento algoritmo
		3.2.2 Valutazione dell'algoritmo
	3.3	Seconda strategia distribuzione per blocchi di colonne
		3.3.1 Funzionamento algoritmo
		3.3.2 Lavagna
	3.4	Topologie di processori
		3.4.1 Topologie
		3.4.2 Parallelizzazione del problema: distribuzione a griglia cartesiana
		3.4.3 Sottogriglie
	3.5	Terza strategia distribuzione per schema a blocchi
		3.5.1 Algoritmo
		3.5.2 Lavagna

4	GP	GPU (General Purpose GPU)	23
	4.1	GPU	23
		4.1.1 Architettura CPU vs GPU	23
		4.1.2 CUDA (Compute Unified Deviced Architecture)	23
		4.1.3 Memorie di una GPU	
		4.1.4 Architetture della GPU	25
		4.1.5 Modello di esecuzione di CUDA	
		4.1.6 Proprietà di CUDA	25
		4.1.7 Latenza	
		4.1.8 Compute Capability	
		4.1.9 Come funziona uno streaming multi processor (SM)	
	4.2	Somma di due Vettori	
		4.2.1 Codice	
		4.2.2 Lavagna	
	4.3	Esempio di capability	
	1.0	4.3.1 Configurazione di un kernel	
		1.0.1 Comigurazione di dii kerner	02
5	MP	I	33
	5.1	Funzionalità della libreria MPI	33
		5.1.1 Le funzioni MPI	33
			34
	5.2		34
			34
		5.2.2 Ricezione	35
	5.3		35
			35
			35
			36
			36
	5.4		36
	0.1	•	36
		Jill Reduce	00
6	CU	DA	37
		6.0.1 Allocazione della memoria sulla GPU	37
		6.0.2 Deallocazione della memoria sulla GPU	37
	6.1	Scambio dei dati fra CPU e GPU	37
	6.2	Somma di due vettori	38
	6.3	Le funzioni CUDA	38
		6.3.1 Configurazione del kernel CUDA	38
			38
		•	39
	6.4		39
		1	39
			40
	6.5	orna intermediate virtualité d'intermediate d'inter	40
			40
		6.5.2 Ottimizzazione mediante profiling	_

Capitolo 1

Introduzione

Il calcolo sequenziale risolve un problema tramite un algoritmo, le cui istruzioni sono eseguite in sequenza mentre con il calcolo parallelo il problema viene suddiviso in sequenze discrete di istruzioni che vengono eseguite una dopo l'altra.
Es:

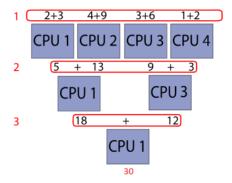


Figura 1.1: Esempio di comunicazione

- Parallelismo temporale (catena di montaggio, pipeline): la presenza della pipeline aumenta il numero di istruzioni contemporaneamente in esecuzione sfruttando anche i tempi morti di un processore per iniziare un nuovo ciclo computazionale. Quindi, introducendo il pipelining nel processore, aumenta il throughput (numero di istruzioni eseguite nell'unità di tempo) ma non si riduce la latenza della singola istruzione (tempo di esecuzione della singola istruzione, dal suo inizio fino al suo completamento), le pipeline devono operare in modo sincrono: questo comporta che lo stadio più lento determini la lunghezza di ogni fase della pipeline;
- Parallelismo spaziale al problema esposto: consiste nell'esecuzione contemporanea della stessa
 operazione su dati diversi, quindi, sono necessarie più unità aritmetico-logiche (ALU);
- Parallelismo asincrono.

1.1 Tassonomia di Flyn

La tassonomia di Flyn ci mostra quelle che sono le quattro architetture di elaboratori possibili:

- SISD (single instruction single data): un singolo set di dati una singola istruzione per volta esempio calcolatori sequenziali,nessun parallelismo possibile, le operazioni vengono eseguite sequenzialmente, su un solo dato alla volta.
- SIMD (single instruction multiple data): architetture composte da molte unità di elaborazione che eseguono contemporaneamente la stessa istruzione ma lavorano su insieme di dati diversi.
- MISD (multiple instruction single data): più flussi di istruzioni lavorano contemporaneamente su un unico flusso di dati.Non viene usata perchè è inutile.
- MIMD (multiple instruction multiple dat): più flussi di istruzioni lavorano contemporaneamente su set di dati diversi (il vero parallelismo) dove ho bisogno sia di più unita di elaborazione che più unità di controllo. Abbiamo due tipi di memorie MIMD:
 - Memoria distribuita: ogni processore ha la propria memoria e può accedere ai dati di un alto processore con lo scambio di messaggi, un problema è la comunicazione tra processori.
 - Memoria condivisa: tutti i processori accedono alla stessa memoria ma ci sono problemi di sincronizzazione e di sicurezza.

1.2 Principi del calcolo parallelo

- Valutazione di un algoritmo parallelo (Speed-Up e Efficienza);
- Trovare e sfruttare la granularità;
- Preservare la località dei dati;
- Bilanciamento del carico computazionale;
- Coordinamento e sincronizzazione;

1.2.1 Speed-up

Lo speed-up misura la riduzione del tempo di esecuzione rispetto all'algoritmo su di 1 processore. Dato un problema di dimensione fissata, siano T_s : tempo di esecuzione seriale (in sec) e T_p : tempo di esecuzione parallelo usando p processori (in sec):

$$S_p = \frac{T_s}{T_p} \tag{1.1}$$

dove T_s è il tempo algoritmo sequenziale e T_p è il tempo dell'algoritmo parallelo. Si parla di *speed-up superlineare* quando $S_p > p$, può accadere nei seguenti casi:

- 1. Gestione ottimale della gerarchia di memoria (ad es. aumento della cache rispetto ad un calcolatore monoprocessore);
- 2. Differente ottimizzazione del codice;
- 3. Ordine di visita di grafi nei problemi di ricerca (suddividendo il grafo, uno dei processori potrebbe trovare prima l'oggetto della ricerca).

Speedup assoluto: Tempo di esecuzione sequenziale/tempo di esecuzione parallello su p processori. Speedup relativo: Tempo di esecuzione parallelo su 1 processore/tempo di esecuzione parallello su p processori Restituiscono valori diversi perchè un codice parallelo eseguito su un solo processore inserisce overhead superflui, e dunque può essere più lento del codice sequenziale.

Speedup scalato: Misura la scalabilità, ossia la capacità di un algoritmo parallelo di risolvere problemi «grandi», indichiamo con N la dimensione del problema, idealmente $SS_p = 1$:

$$SS_p = \frac{p * T_s(N)}{T_p(pN)} \tag{1.2}$$

1.2.2 Efficienza

L'efficienza misura quanto l'algoritmo sfrutta il parallelismo del calcolatore, ovvero le risorse che ha a disposizione. ¹. L'efficienza è una misura relativa al numero di processori utilizzati:

$$E_p = \frac{S_p}{p} \quad o \quad E_p = \frac{T_s}{p * T_p}$$

Idealmente, Ep=1. L'efficienza ideale sarebbe: $E_p^{ideale}=\frac{S_p^{ideale}}{p}=1$

Esempio speed-up e efficienza

Di seguito è riportata una tabella che mostra i diversi valori di speed-up e efficienza sul calcolo della somma in parallelo.

p	\mathbf{Sp}	Ep
2	1,88	0,94
4	3,00	0,75
8	3,75	0,47

Tabella 1.1:

Se si rapporta lo speed-up al numero di processori, notiamo che il maggiore sfruttamento dei processori è per p=2 perché è "il più vicino" allo speed-up ideale.

Quindi da questo deduciamo che l'utilizzo di un maggior numero di processori NON è sempre una garanzia di sviluppo di algoritmi paralleli "efficaci".

1.2.3 Granularità

Parallelismo a grana fine: il programma è suddiviso in un gran numero di piccoli compiti, assegnati ai vari processori

- il parallelismo a grana fine facilità il bilanciamento del carico;
- Il numero di processori richiesto per eseguire il programma è alto: questo aumenta l'overhead comunicazione e sincronizzazione.

Parallelismo a grana grossa: il programma è suddiviso in compiti di grandi dimensioni, assegnati ai vari processori.

• ciò potrebbe causare squilibri nella distribuzione del carico tra i processori, o addirittura far sì che una significativa parte del calcolo venga svolta in sequenziale;

 $^{^1}$ Nell'algoritmo della somma ad ogni passo di computazione il numero totale di processori attivi si dimezza

 il vantaggio di questo tipo di parallelismo è basso numero di comunicazioni e fasi di sincronizzazione.

Overhead: se la quantità di computazione parallela è consistente, l'overhead è la barriera più importante che impedisce di ottenere valori ottimali di speedup.

Overhead di un algoritmo parallelo:

- costo dello starting di un processo o thread;
- costo della comunicazione di dati condivisi;
- costo della sincronizzazione;
- computazione extra (ridondante).

Ciascuna di queste può essere dell'ordine di millisecondi (= milioni di flops) su alcuni sistemi. Quindi, in conclusione, un algoritmo deve avere unità di lavoro sufficientemente grandi per una veloce esecuzione parallela, cioè elevata granularità, ma non così grandi che non ci sia abbastanza lavoro da svolgere in parallelo.

1.2.4 Accessi in memoria

- Le memorie più grandi sono lente, quelle veloci sono piccole;
- Le gerarchie di memoria sono grandi e veloci mediamente;
- Processori paralleli, nel complesso, hanno memorie grandi e veloci, gli accessi lenti a dati remoti sono chiamate 'comunicazioni';
- Un algoritmo dovrebbe eseguire la maggior parte delle istruzioni su dati locali.

1.2.5 Carico non bilanciato

Un cattivo bilanciamento del carico si verifica quando ci sono alcuni processori che non eseguono operazioni a causa di insufficiente parallelismo (in quella fase) oppure compiti di dimensione diversa, come ad esempio per problemi che hanno una struttura non omogenea.

1.2.6 Legge di Amdahl

Il miglioramento nelle performances che può essere realizzato mediante il parallelismo è limitato dalla frazione di calcolo sequenziale inevitabilmente presente. Sia $\alpha =$ frazione seriale dell'algoritmo che non può essere eseguita in parallelo. Ad esempio: inizializzazione dei cicli, lettura/scrittura da unità di memoria, overhead della chiamata a funzioni. Il tempo di esecuzione parallelo è

$$T_p = \alpha T_s + (1 - \alpha) \frac{T_s}{p} \tag{1.3}$$

La legge di Amdahl dà una limitazione allo speedup in termini di α

$$T_p = \alpha T_s + (1 - \alpha) \frac{T_s}{p} \quad allora \quad S_p = \frac{Ts}{\alpha Ts + \frac{(1 - \alpha)Ts}{p}}$$
$$= \frac{1}{\alpha + \frac{(1 - \alpha)}{p}} \le \frac{1}{\alpha}$$

Per esempio se $\alpha=10\%$, allora il massimo speed-up è 10, anche se usiamo un numero enorme di processori.

Se la dimensione n del problema è fissata, al crescere del numero di processori p:

$$S_p = \frac{1}{\alpha + \frac{(1-\alpha)}{p}} \le \frac{1}{\alpha} \quad per \quad p: \to \infty$$

Quindi se la dimensione del problema resta invariata, al crescere del numero di processori lo speed-up resta illimitato.

Per migliorare la legge di Amdahl dobbiamo aggiungere l'overhead quindi diventerà:

$$S_p = \frac{Ts}{\alpha Ts + \frac{(1-\alpha)Ts}{p} + T_{overhead}} \to \frac{1}{\alpha + \frac{T_{overhead}}{Ts}} \quad per \quad p: \to \infty$$

Tuttavia, se p è fissato, al crescere della dimensione n del problema, la parte sequenziale $\alpha \to 0$, da cui:

$$S_p = \frac{1}{\alpha + \frac{(1-\alpha)}{p}} \to p \quad per \quad n: \to \infty$$

Aumentando la dimensione n del problema si possono ottenere speed up ottimali MA non è possibile aumentare in maniera indefinita n: le risorse (hardware) sono limitate!

Seconda legge di Amdahl Aumentando il numero p di processori e mantenendo fissata la dimensione n del problema si riesce ad utilizzare in maniera efficiente l'ambiente di calcolo parallelo, se p <= pm .

Aumentando la dimensione n del problema e mantenendo fisso il numero di p
 processori le prestazioni dell'algoritmo parallelo non degradano se
n \leq nmax superato questo valore potrei vaere problemi con la memoria hardware!

1.3 Cenni finali

- Complessità di Tempo T(n): numero di operazione eseguite dall'algoritmo. È importante notare come il numero complessivo di operazioni determina anche il numero dei passi temporali, ovvero del tempo di esecuzione. In un ambiente parallelo, il numero delle operazioni non è legato al numero di passi temporali (posso fare più operazioni in un solo passo temporale).
- Indichiamo con $\mathbf{T}(\mathbf{P})$ il numero di passi temporali su P processori. Se moltiplico $\mathbf{T}(\mathbf{n})$ o $\mathbf{T}(\mathbf{p})$ con il tempo per singola operazione T_calc ottengo il tempo di esecuzione.
- Complessità di Spazio S(n): numero di variabili utilizzate dall'algoritmo

Capitolo 2

Somma di N numeri in parallelo

Problema: Vogliamo calcolare la somma di N numeri $a_0 + a_1 + \ldots + a_{N-1}$. Sappiamo che su di un calcolare mono-processore la somma è calcolata eseguendo le n-1 addizioni una per volta secondo un ordine prestabilito.

2.1 Somma prima strategia di parallelizzazione

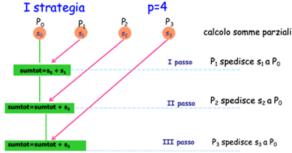
Abbiamo che ogni processore:

• Inizialmente calcola la propria somma parziale.

Ad ogni passo:

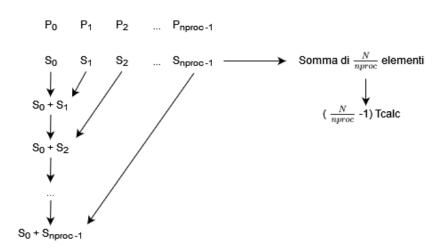
• Ciascun processore invia tale valore ad un unico processore prestabilito.

Tale processore contiene la somma totale.



2.1.1 Lavagna

Abbiamo N -> numeri e Nproc -> processori



In totale abbiamo nproc -1 passi, questo a costo (nproc -1) (1 Tcalc + 1 Tcom). Quindi possiamo dire che:

$$T_P^I = (\frac{N}{Nproc} - 1)Tcalc + (nproc - 1)(Tcalc + Tcom)$$

$$T_S = N - 1Tcalc$$

$$S_P = \frac{T_S}{T_P} = \frac{N - 1Tcalc}{(\frac{N}{Nproc} - 1)Tcalc + (nproc - 1)(Tcalc + Tcom)}$$

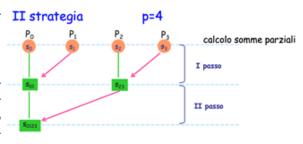
2.2 Somma seconda strategia di parallelizzazione

Abbiamo che ogni processore:

• Inizialmente calcola la propria somma parziale.

Ad ogni passo:

 Coppie distinte di processori comunicano contemporaneamente: in ogni coppia, un processore invia all'altro la propria somma parziale, che provvede all'aggiornamento della somma.



Il risultato è in un unico processore prestabilito

2.2.1 Distribuzione dei dati

Per la Distribuzione dei dati abbiamo 2 casi:

1. N multiplo di n
proc, nloc = $\frac{N}{Nproc}$ con nloc = nlocale

$$P_0: nloc = nloc \ dati \ a_0, a_1, ..., a_{nloc-1}$$

$$P_1: nloc = nloc \ dati \ a_0, a_1, ..., a_{2nloc-1}$$

...

$$P_{nproc-1}: nloc = nloc \ dati \ a_{N-nloc}, a_1, ..., a_{N-1}$$

2. N non è multiplo di n
proc ,nloc = $\frac{N}{Nproc}$ con nloc = nlocalee
e r = resto(N, nproc)

$$P_0: nloc = nlocgen + 1dati$$

$$P1nloc = nlocgen + 1dati$$

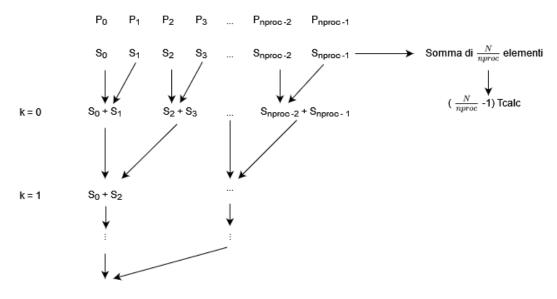
•••

$$P_{r-1}: nloc = nlocgen + 1dati$$

$$P_r: nloc = nlocgen + 1dati$$

2.2.2 Lavagna

Abbiamo N e N
proc $=2^P$ Ad ogni passo abbiamo che DIST
 $=2^k$ e :



- \bullet Se RESTO(menum, $2^{k+1})=0$ ricevo da menum + DIST e sommaloc = sommaloc + sommaricevuta
- Altrimenti se RESTO(menum, 2^{k+1}) = 2^k invia a P_{menum} DIST

Solo P_0 ha il risultato finale.

Se vedo n
proc come 2^k e visto che ad ogni passo dimezzo il numero di processori usati h
o $\log_2 nproc$ passi.

$$\begin{split} T_P^{II} &= (\frac{N}{Nproc} - 1)Tcalc + \log_2 nproc(Tcalc + Tcom) \\ S_P &= \frac{T_S}{T_P} = \frac{N - 1Tcalc}{(\frac{N}{Nproc} - 1)Tcalc + \log_2 nproc(Tcalc + Tcom)} \end{split}$$

2.3 Somma terza strategia di parallelizzazione

Abbiamo che ogni processore:

• Inizialmente calcola la propria somma parziale.

Ad ogni passo:

• coppie distinte di processori comunicano contemporaneamente, in ogni coppia i processori si scambiano le proprie somme parziali. Il risultato è in tutti i processori III strategia p=4

P₀ P₁ P₂ P₃ calcolo somme parziali

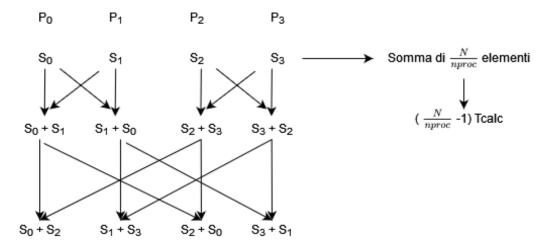
I passo

Solution Sol

Il risultato è in tutti i processori.

2.3.1 Lavagna

Esempio con N=16 e nproc = 4



Tutti i processi hanno il risultato finale. Mi calcolo i k
 passi da fare con $\log_2 nproc$. Ad ogni passo ho $\log_2 nproc$ processi che lavorano.

Se RESTO(menum,
$$2^{k+1}$$
) < 2^k invio e ricevo da P_{menum} + DIST

Se RESTO(menum,
$$2^{k+1}$$
) $\geq 2^k$ invio e ricevo da P_{menum} - DIST

$$T_P^{III} = (\frac{N}{Nproc} - 1)Tcalc + \log_2 nproc(Tcalc + Tcom)$$
è uguale alla seconda strategia

2.4 Legge di amdhal dimostrazione

La legge di amdhal da una limitazione allo speed-up in termini di α , dove α è la parte non parallelizzabile.

$$T_P = \begin{cases} \alpha T_S - > parte \ non \ parallelizzabile \\ (1 - \alpha)T_S - > parte \ parallelizzabile \end{cases}$$
 (2.1)

Quindi
$$T_P = \alpha T_S + \frac{(1-\alpha)T_S}{nproc}$$

 $S_P = \frac{T_S}{1} = \frac{1}{1} = \frac{1}{1}$

$$S_P = \frac{T_S}{T_P} = \frac{1}{\alpha T_S + \frac{(1-\alpha)T_S}{p}} = \frac{1}{\alpha + \frac{(-\alpha)}{p}} \le \frac{1}{\alpha}$$

Notiamo che:
$$\frac{1}{\alpha T_S + \frac{(1-\alpha)T_S}{p}} = \begin{cases} p - > \infty & allora \quad \frac{1}{\alpha + (\frac{1-\alpha}{p}) = 0} = \frac{1}{\alpha} \\ n - > \infty & allora \quad \frac{1}{\alpha = 0 + \frac{1-\alpha}{p}} = p \end{cases} (1)$$

- (1) = parte non parallelizzabile α
- $n->\infty$ inciderà pochissimo
- (1α) è più grande

Legge di amdhal generalizzata: $T_S = \alpha_1 T_S + \alpha_2 T_S + ... + \alpha_p T_S$ Ogni $\alpha_n T_S$ con n = 1, 2, ..., p rappresenta i processori utlizzati.

Capitolo 3

Prodotto matrice-vettore

Progettazione di un algoritmo parallelo per architettura MIMD a memoria distribuita per il calcolo del prodotto di una matrice (densa) A per un vettore x: $y = Ax, A \in \mathbb{R}^{mxn}, x \in \mathbb{R}^n, y \in \mathbb{R}^m$.

3.1 Algoritmo seriale(sequenziale)

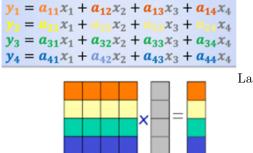
ogni elemento di ogni riga si moltiplica per ogni elemento del vettore, sommandolo al successivo per riga.

```
for(int i = 0; i < n; i++){
   for(int j = 0; i < m; j++){
      y[i] = a[i][j] + y[i];
   }
}</pre>
```

Costo: 1 moltiplicazione + 1 addizione (= 2tcalc) per ogni $i=1,\ldots,$ m e per ogni $j=1,\ldots n$. L'algoritmo sequenziale richiede m*n moltiplicazione e m*n addizioni $T_S=$ 2mntcalc.

3.2 Prima strategia suddividisione in blocchi di righe

Suddividiamo la matrice A in blocchi di righe. ogni processo ottiene una o più righe della matrice e l'intero vettore, effettua la moltiplicazione e la somma di ogni elemento della riga per ogni elemento del vettore e restituisce una o più celle di quello che sarà il vettore finale.



matrice A viene distribuita in blocchi di righe fra i processori. Il vettore x è fornito interamente a tutti i processori. Se la decomposizione dei dati avviene mediante un partizionamento in blocchi di righe della matrice allora il vettore prodotto finale (il vettore y) viene calcolato in parallelo, in blocchi distribuiti fra i processori.

3.2.1 Funzionamento algoritmo

- 1. Inizializzazione/acquisizione dei dati:
 - Il processo root (quello con identificativo me=0) inizializza (oppure prende in input) la matrice A ed il vettore x;
 - Il processo root calcola la dimensione locale local m=m/nproc.
- 2. Distribuzione dei dati, il processo root distribuisce a tutti i processi:
 - m, n e local m broadcast;
 - la sottomatrice local A della matrice A scatter per righe), se stesso incluso;
 - l'intero vettore x broadcast.
- 3. Calcolo dei prodotti parziali:
 - \bullet Ciascun processo calcola il prodotto parziale local y = local A x.
- 4. Combinazione dei risultati:
 - Il processo root raccoglie gli elementi local_y calcolati da ogni processo nel vettore risultato y gather.
- 5. Stampa del risultato finale: il solo processo root stampa il vettore y.

3.2.2 Valutazione dell'algoritmo

Sia p il numero di processori $p \le m$, ogni processo esegue un prodotto mat-vet tra una matrice (m/p) e un vettore di lunghezza n:

$$T_{P} = \frac{2mn}{nproc}Tcalc$$

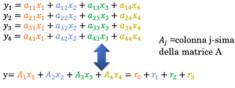
$$S_{P} = \frac{T_{S}}{T_{P}} = \frac{2mnTcalc}{(\frac{2mn}{nproc})Tcalc} = p$$

$$E_{P} = \frac{S_{P}}{p} = 1$$

NOTA: le fasi di comunicazione riguardano unicamente la distribuzione iniziale dei dati e la raccolta finale dei risultati e quindi non sono state considerate nella valutazione dell'algoritmo.

3.3 Seconda strategia distribuzione per blocchi di colonne

Ogni processo ottiene una o più colonne della matrice e un $y_1 = a_{11}x_1 + a_{12}x_2 + a_{13}x_3 + a_{14}x_4$ o più celle del vettore, moltiplica ogni elemento della colon- $y_2 = \frac{a_{21}x_1}{a_{22}x_2} + \frac{a_{22}x_2}{a_{23}x_3} + \frac{a_{24}x_4}{a_{24}x_4}$ na per il rispettivo elemento del vettore, creando un vettore $y_4 = \frac{a_{41}x_1}{a_{42}x_2} + \frac{a_{42}x_4}{a_{43}x_3} + \frac{a_{44}x_4}{a_{44}x_4}$ di moltiplicazioni/somme parziali lungo quanto la lunghezza della colonna, che poi verrà sommato agli altri vettori parziali per ottenere quello risultante finale.



3.3.1 Funzionamento algoritmo

- 1. Inizializzazione/acquisizione dei dati:
 - Il processo root (con identificativo 0) inizializza (o legge da file) la matrice A ed il vettore
 - Il processo root calcola la dimensione locale local n=n/nproc.
- 2. Distribuzione dei dati il processo root distribuisce a tutti i processi:
 - m, n e local n (broadcast);
 - la sottomatrice local A della matrice A (scatter per colonne), se stesso incluso;
 - il sottovettore local x del vettore x (scatter), se stesso incluso.
- 3. Calcolo dei prodotti parziali:
 - Ciascun processo calcola un vettore local y=local A*local x.
- 4. Combinazione dei risultati:
 - Mediante un'operazione di riduzione*, vengono sommati in parallelo tutti i vettori local y, ottenendo il vettore risultato y, e salvati dal processo root (o da tutti i processi).
- 5. Stampa del risultato finale: il solo processo root stampa il vettore y.

3.3.2 Lavagna

Supponiamo nproc = 2.
$$A(mxn) = \begin{bmatrix} A_{00} & A_{01} & A_{02} & A_{03} \\ A_{10} & A_{11} & A_{12} & A_{13} \\ A_{20} & A_{21} & A_{22} & A_{23} \\ A_{30} & A_{31} & A_{32} & A_{33} \end{bmatrix} x = \begin{bmatrix} x_0 \\ x_1 \\ x_2 \\ x_3 \end{bmatrix} w = \begin{bmatrix} w_0 & w_1 & w_2 & w_3 \end{bmatrix}$$
la dimensione di w = m.

$$P_{0} \text{ avrà:} \begin{bmatrix} A_{00} & A_{01} \\ A_{10} & A_{11} \\ A_{20} & A_{21} \\ A_{30} & A_{31} \end{bmatrix} \text{ size: } \text{m x } \frac{n}{nproc} \text{ e } \begin{bmatrix} x0 \\ x1 \end{bmatrix} \text{ size: } \frac{n}{nproc}$$

$$P_{1} \text{ avrà:} \begin{bmatrix} A_{02} & A_{03} \\ A_{12} & A_{13} \\ A_{22} & A_{23} \\ A_{32} & A_{33} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} x2 \\ x3 \end{bmatrix}$$

Ogni processo fa una moltiplicazione matrice-vettore tra una matrice m $*\frac{n}{nproc}$ e un vettore $\frac{n}{nproc}$ producendo un vettore w di dimensione m, questi vettori w saranno poi sommati con una strategia di somma o una reduce. Prima della somma abbiamo:

•
$$T_P = 2m \frac{n}{nproc} Tcalc$$

• Se uso la prima strategia per la somma:

$$T_P^I=2m\frac{n}{nproc}Tcalc+(nproc-1)m(Tcalc+Tcom),$$
m indica una somma per ogni riga

• Se usiamo la seconda o terza strategia:

$$T_P^{II} = 2m \frac{n}{nproc} Tcalc + (\log_2 nproc) m(Tcalc + Tcom)$$

$$S_P = \frac{T_S}{T_P} = \frac{2mnTcalc}{\frac{2mn}{nproc} + (\log_2 nproc)m(Tcalc + Tcom)} = \frac{1}{\frac{1}{nproc} + \frac{(\log_2 nproc)}{2n}}$$
abbiamo due casi possibili:

$$\begin{cases} n \ fissato \ \lim_{nproc \to \infty} \frac{1}{\frac{1}{nproc} + \frac{\infty}{2n} = \frac{1}{\infty}} = 0 \\ nproc \ fissato \ \lim_{n \to \infty} \frac{1}{\frac{1}{nproc} + \frac{\log_2 nproc}{2m} = \frac{1}{\frac{1}{nproc}}} = nproc \end{cases}$$

$$(3.1)$$

nproc = speed-up ideale

3.4 Topologie di processori

La disposizione più naturale per i processori è una griglia bidimensionale di p x q processori:

$$\begin{bmatrix} P_{00} & P_{01} & \dots & P_{0,q-1} \\ P_{10} & P_{11} & \dots & P_{1,q-1} \\ \dots & \dots & \dots & \dots \\ P_{p-1,0} & P_{p-1,1} & \dots & P_{p-1,q-1} \end{bmatrix}. \text{ Alcuni termini importanti:}$$

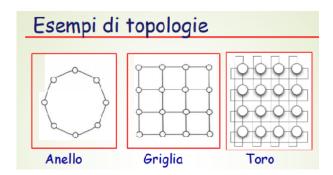
- Contesto (communicator): insieme di processi che possono comunicare reciprocamente attraverso lo scambio di messaggi;
- Una topologia è la geometria "virtuale" in cui si immaginano disposti i processori. La topologia "virtuale" in cui sono disposti i processori può non avere alcun nesso con la disposizione "reale" degli stessi! Infatti è struttura imposta sui processi che fanno parte di un contesto al fine di indirizzare specifici schemi di comunicazione.

3.4.1 Topologie

La topologia di comunicazione identifica gli schemi (principali) di comunicazione che avvengono in un codice parallelo.Le topologie virtuali sono uno strumento utile per:risparmiare tempo, evitare errori, strutturare il codice e sono utili quando gli schemi di comunicazione seguono una o più strutture precise.

• Topologia lineare: Di default, MPI assegna a ciascun processo in un contesto un identificativo da 0 a n-1: topologia lineare $(P_0 - > P_1 - > - > P_{n-1})$. Con adeguate funzioni, MPI supporta anche topologie cartesiane e a grafo (ridefinizione del contesto).

- Topologia cartesiana: Ogni processo è identificato da coordinate cartesiane ed è connesso ai vicini da una griglia virtuale. Ai bordi ci può essere o no periodicità e i processi sono identificati dalle loro coordinate.
- altre topologie:



3.4.2 Parallelizzazione del problema: distribuzione a griglia cartesiana

Si può dividere il dominio computazionale a "blocchi". Questo tipo di suddivisione del dominio computazionale è preferibile perché:

- È compatibile con la geometria del problema;
- Permette una maggiore granularità;
- Riduce la comunicazione.

Però è più complessa da trattare (inizialmente).

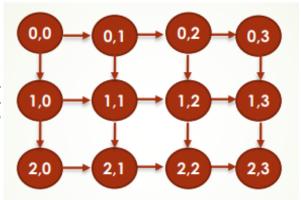
Circular shift

topologia cartesiana 1D (conviene quella ad anello).



Topologia cartesiana 2D

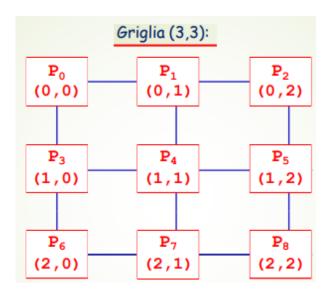
Ad ogni processo è associata una coppia di indici: coordinate nello spazio 2D. Funzione per la creazione di una griglia di processori (periodica e non): MPI_Cart_create. Definizione di tipo Communicator: MPI Comm comm grid.



```
/* Scopo: definizione di una topologia a griglia bidimensionale nproc=row*col */
int main(int argc, char **argv) {
int menum,nproc,menum_grid,row,col;
int dim,*ndim,reorder,*period;
int coordinate[2];
MPI_Comm comm_grid; /* definizione di tipo communicator */
MPI_Init(&argc,&argv);
MPI_Comm_rank(MPI_COMM_WORLD,&menum);
MPI_Comm_size(MPI_COMM_WORLD, &nproc); /* Numero di righe della griglia di processo */
if (menum == 0) {
printf("Numero di righe della griglia ");
scanf("%d",&row); }
/* Spedizione di row da parte di 0 a tutti i processori */
    MPI_Bcast(&row,1,MPI_INT,0,MPI_COMM_WORLD);
dim = 2; /* Numero di dimensioni della griglia */
col = nproc/row; /* Numero di colonne della griglia */
/* vettore contenente le lunghezze di ciascuna dimensione*/
ndim = (int*)calloc(dim, sizeof(int));
ndim[0] = row;
ndim[1] = col;
/* vettore contenente la periodicita' delle dimensioni */
period = (int*)calloc(dim,sizeof(int));
period[0] = period[1] = 0;
reorder = 0;
/ * Definizione della griglia bidimensionale */
MPI_Cart_create(MPI_COMM_WORLD, dim, ndim, period, reorder, &comm_grid);
MPI_Comm_rank(comm_grid, &menum_grid); /* id nella griglia */
 /* Definizione delle coordinate di ciascun processo nella griglia bidimensionale */
     MPI_Cart_coords(comm_grid, menum_grid, dim, coordinate);
/* Stampa delle coordinate */
printf("Processore %d coordinate nella griglia (%d,%d) \n", menum,*coordinate,
     *(coordinate+1)); MPI_Finalize();
return 0; }
```

Nel programma: MPI_Cart_Create(MPI_COMM_WORLD,dim,ndim,period, reorder,&comm_grid); Ogni processo dell'ambiente MPI_COMM_WORLD definisce la griglia denominata comm_grid , di dimensione 2 (dim) e non periodica lungo le due componenti (period[i]=0, i=0,1). Il numero di righe e di colonne della griglia sono memorizzati rispettivamente nella prima e nella seconda componente del vettore ndim. Gli identificativi dei processi non possono essere riordinati (reorder=0). Sintassi: MPI_Cart_Create(MPI_COMM Comm_old, int dim, int *ndim, int *period, int reorder, MPI_COMM New Comm);

- comm old: contesto di input
- dim: numero di dimensioni della griglia
- *ndim: vettore di dimensione dim. La i-esima dimensione ha lunghezza ndim[i].
- *period: vettore di dimensione dim.Se period[i]=1, la i-esimadimensione della griglia è periodica; non lo è se period[i]=0.
- reorder: permesso di riordinare gli identificativi (1=si; 0=no)



• *new comm: contesto di output associato alla griglia

Note su MPI_Cart: Se reorder=1, MPI potrebbe riassegnare gli id dei processi del nuovo contesto (per potenziale guadagno nelle prestazioni, grazie a vicinanza fisica dei processi). Se reorder =0, l'id del processo nel nuovo contesto è identico a quello che aveva nel vecchio contesto

. Se la dimensione complessiva della griglia: è più piccola dei processi disponibili, i processi rimasti fuori avranno in output MPI_COMM_NULL, se è più grande, la chiamata a MPI_Cart produrrà un errore.

Nel programma: MPI Cart coords (comm grid, menum, dim, coordinate);

Ogni processo menum calcola le proprie dim (2) coordinate (coordinate[i], i=0,1) nel contesto comm_grid. Sintassi: MPI_Cart_coords(MPI_Comm_comm_grid, int menum_grid, int dim, int *coordinate): Operazione collettiva che restituisce a ciascun processo di comm_grid con identificativo menum_grid, le sue coordinate all'interno della griglia predefinita. coordinate è un vettore di dimensione dim, i cui elementi rappresentano le coordinate del processo all'interno della griglia, output.

Funzione che restituisce l'identificativo (rank) date le coordinate: MPI_Cart_rank(MPI_Comm comm_grid,int icoords, int rank); è un'operazione collettiva che restituisce a ciascun processo di comm_grid, date le coordinate icoords, l'identificativo rank associato all'interno della griglia predefinita.

Abbiamo due tipi di periodicità:

- period[0] = 1 e period[1] = 0: periodicità sulle colonne;
- period[0] = 0 e period[1] = 1: periodicità sulle righe;

Effetti della periodicità: Se imponiamo la periodicità, ogni riferimento prima della prima o dopo l'ultima componente di ogni riga/colonna si riavvolgerà ciclicamente. Se non c'è periodicità, ogni riferimento all'infuori del range definito, produrrà un identificativo negativo (MPI_PROC_NULL, che è -1).

3.4.3 Sottogriglie

Spesso si vuole operare su una parte di una topologia, si divide la topologia in sottotopologie che formano griglie di dimensioni minori e ogni sottogriglia genera un nuovo contesto in cui eseguire operazioni collettive.

Funzione per la creazione di una sottogriglia di processori: MPI_Cart_sub(MPI_Comm comm_grid, int* rdims, MPI_Com* new griglia);

- comm grid: contesto della topologia;
- int* rdims :vettore di dimensione dim (dimensione della topologia):

```
se rdims[i]=1: la i-ma dimensione varia;
se rdims[i]=0, la i-ma dimensione è fissata
```

• new griglia: nuovo contesto della sottogriglia

Il numero di sottotopologie è il prodotto del numero di processi relativi alle dimensioni eliminate. Esempio:

Note su MPI Cart sub:

- Le sottogriglie hanno dimensione pari alla dimensione della griglia di origine, lungo la direzione considerata;
- Ogni sottogriglia è un contesto, che eredita le proprietà della griglia cartesiana, in particolare è ancora una griglia cartesiana (=> ogni processo ha sia id che coordinate);
- MPI Cart sub è una routine collettiva. È richiamata da tutti i processi del contesto di origine;
- Restituisce il contesto a cui il processo chiamante appartiene.

3.5 Terza strategia distribuzione per schema a blocchi

Ogni processo ottiene una sottomatrice e un sotto vettore, ne calcola il prodotto, che poi viene sommato o concatenato a quello degli altri.



3.5.1 Algoritmo

Le operazioni da effettuare sono le seguenti:

- 1. Inizializzazione/acquisizione dei dati:
 - Il processo root (con identificativo (0,0)) inizializza (o legge da file) la matrice A ed il vettore v;
- 2. P_{00} distribuisce il vettore x suddviso a tutti i processi della sua riga;
- 3. I processi della 1° riga che hanno il pezzo di x che gli serve e lo mandano i broadcast alla propria colonna;
- 4. P_{00} distribuisce i pezzi di matrice grandi n* $\frac{m}{p}$ ai processi della 1° colonna della griglia;
- 5. i processi della 1° colonna distribuiscono pezzi di matrice grandi $\frac{m}{p} * \frac{n}{q}$ alla proprio riga;
- 6. ogni processo fa un mat-vet di $\underbrace{\frac{m}{p}\frac{n}{q}\frac{m}{p}}_{A}$;
- 7. ogni processo della 1° colonna somma i risultati parziali della propria riga;
- 8. Ogni processo della 1° colonna avrà un pezzo di w che verranno unita da P_{00} (gather).

3.5.2 Lavagna

$$A(mxn) = \begin{bmatrix} a_{00} & \dots & a_{0,n-1} \\ \dots & \dots & \dots \\ a_{m-1,0} & \dots & a_{m-1,n-1} \end{bmatrix} x = \begin{bmatrix} x_0 \\ \dots \\ x_{n-1} \end{bmatrix} w = \begin{bmatrix} w_0 & \dots & w_{m-1} \end{bmatrix}$$

A ha dimensione pxq processi, x ha dimensione n e w ha dimensione m.

Divido la matrice a blocchi di righe e colonne, ogni processo effettuerà una moltiplicazione matrice vettore tra una matrice $\frac{m}{p} * \frac{n}{q}$ e un vettore $\frac{n}{q}$ e successivamente ogni processo della prima colonna della griglia somma tutti i vettori parziali grandi $\frac{m}{p}$ con una delle strategie per la sommma in parallelo.

•
$$T_P^I = 2\frac{m}{p}\frac{n}{q}Tcalc + (q-1)\frac{m}{p}(Tcal + Tcom)$$

$$\bullet \ T_P^{II} = 2 \tfrac{m}{p} \tfrac{n}{q} Tcalc + (\log_2 q) \tfrac{m}{p} (Tcal + Tcom)$$

 $\frac{m}{p}$ perchè ogni processore in contemporanea somma su $\frac{m}{p}$ righe.

Otteniamo così w_0 parziali che saranno uniti da P_{00} con una gather.

se $n->\infty$ allora $\frac{1}{1+0}=1$

se $q \rightarrow \infty$ allora $\frac{1}{\infty} = 0$

Capitolo 4

GPGPU (General Purpose GPU)

4.1 GPU

La GPU(Graphics Processing Unit) è un microprocessore altamente parallelo (many-core) dotato di memoria privata ad alta banda ed è specializzata per le operazioni di rendering grafico 3D. La GPU è vista come un coprocessore matematico con una propria area di memoria (device memory).

4.1.1 Architettura CPU vs GPU

Le GPU sono processori specializzati per problemi che possono essere classificati come intense dataparallel computations:

- lo stesso algoritmo è eseguito su molti elementi differenti in parallelo;
- controllo di flusso molto semplice (control unit ridotta);
- limitata località spaziale (parallelismo a granularità fine) e alta intensità aritmetica che nasconde le latenze di load/store (cache ridotta):
- i thread GPU non hanno costo di attivazione/disattivazione quindi sono leggeri;
- la GPU richiede migliaia di threads per la piena efficienza.

Le applicazioni con un'elevata logica di controllo del processo di calcolo vengono eseguite efficientemente in modo sequenziale dalle tradizionali CPU, ma con pessime prestazioni dall'architettura parallela delle GPU (es. gestione dei database, compressione dei dati, algoritmi ricorsivi).

4.1.2 CUDA (Compute Unified Deviced Architecture)

Il cuore di cuda è basato su un set di istruzioni chiamato PTX (Parallel Thread Excecution). La GPU è divisa in due parti:

- data-parallel: definisce una funzione kernel che viene eseguita identicamente da tutti i thread sul dispositivo.
- computational-intensive.

Un'applicazione CUDA combina parti sequenziali (a carico dell'host) e parti parallele, dette kernel (a carico del device).

Il parallelismo su cui si basa è SPMD e SIMT.

```
int main(int argc, char *argv[]) {
                                       void gpuVectAdd( const double *u,
                                         const double *v, double *z)
 const int N = 1000;
                                          // use GPU thread id as index
 double u[N], v[N], z[N];
                                          i = getThreadIdx();
                                          z[i] = u[i] + v[i];
 initVector (u, N, 1.0);
 initVector (v, N, 2.0);
 initVector (z, N, 0.0);
                                       int main(int argc, char *argv[]) {
 printVector (u, N);
 printVector (v, N);
 //z = u + v
                                         //z = u + v
 for (i=0; i<N; i++)
     z[i] = u[i] + v[i];
                                             // run on GPU with N threads
                                             gpuVectAdd(u, v, z);
                                             // close threads
 printVector (z, N);
 return 0;
```

Quando si esegue un kernel CUDA sul device GPU bisogna specificare il numero di thread che devono essere lanciati, i thread sono raggruppati in blocchi che sono identificati da un set di coordinate cartesiane 1D, 2D, 3D.

I blocchi di thread costituiscono gli elementi di una griglia, ogni blocco all'interno della griglia può essere identificato mediante un set di coordinate cartesiane bidimensionale.

In ogni CUDA kernel è possibile utilizzare le seguenti variabili per identificare le coordinate del thread corrente e del blocco:

- threadIdx: coordinate del thread all'interno del blocco;
- blockIdxcoordinate del blocco all'interno della griglia;
- blockDim: dimensione del blocco all'interno del thread;
- gridDim: dimensione della griglia all'interno del blocco.

La scelta di come calcolare l'indice varia in base alla dimensione della griglia. A una dimensione abbiamo diverse possibilità:

- index = threadIDx.x + blockIdx.x * blockDim.x (utilizzato dalla prof);
- index = numBlocks ((N + numThreads 1) / numThreads.x);
- index = (blockIdx % x -1) * blockDim % x + threadIdx % x.

A due dimensioni abbiamo:

```
i = blockIdx.x * blockDim.x + threadIdx.x;
j = blockIdx.y * blockDim.y + threadIdx.y;
index = j * gridDim.x * blockDim.x + i;
```

4.1.3 Memorie di una GPU

Per ottenere prestazioni ottimali è fondamentale fare un buon uso delle memorie:

- Global memory: memoria ad accesso lento, condivisa da tutti i blocchi thread;
- Shared memory: memoria ad accesso veloce, condivisa da tutti i thread di un blocco;
- Registri: i dati all'interno dei registri sono visibili solo al thread che li ha scritti e vengono rimossi alla fine del thread.
- Local memory: simile ad un registro ma è più lento, vengono memorizzae variabili di dimensione maggiore (array);
- Constant memory: è una memoria molto efficiente quando più thread devono accedere allo stesso valore contemporaneamente;
- Texture memory: Visibile da ogni thread, si sola lettura

4.1.4 Architetture della GPU

NVIDIA Fermi

È composta da 16 SM (Streaming processor) composto da:32/48 CUDA core ognuno con una sua ALU sia per interi sia per floating point completamente pipelined, ha registri di 32 bit, 16 unità load/store. Ha anche 4-6 GB di memoria con ECC, ha due cache, L1 confugurabile per Sm e L2 comune a tutti gli SM. 2 controller indipendenti per il trasferimento dati da/verso host. Uno scheduler globale per distribuire i blocchi thread ad ogni scheduler degli SM.

NVIDIA Kepler

Compsta da 192 core CUDA, 4 warp scheduler, 32 unità load/store, i registri sono a 32 bit.

4.1.5 Modello di esecuzione di CUDA

Al lancio di un kernel CUDA ogni blocco della griglia è assegnato ciclicamente a uno SM. Il numero massimo di blocchi in carico a ciascun SM dipende dalle caratteristiche hardware del multiprocessore (memoria shared e registri) e da quante risorse richiede il kernel da eseguire; eventuali bocchi non assegnati vengono allocati non appena un SM completa un blocco (non è possibile fare alcuna ipotesi sull'ordine di esecuzione dei blocchi! (nessuna sincronizzazione!))

I blocchi, una volta assegnati, non migrano, i thread in ciascun blocco sono raggruppati in gruppi di 32 thread di indice consecutivo (detti warp). Lo scheduler seleziona da uno dei blocchi a suo carico dei warp pronti per l'esecuzione e le istruzioni vengono dispacciate per warp, ogni CUDA core elabora uno dei 32 thread del warp.

4.1.6 Proprietà di CUDA

Scabilità Trasparente

Un kernel CUDA scala su un qualsiasi numero di Streaming Multiprocessor e lo stesso codice può girare al meglio su architetture diverse (non essendo ottimizzato le prestazioni fanno cagare).

Gestione dei Registri

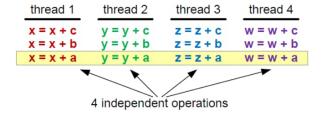
I registri sono partizionati dinamicamente tra tutti i blocchi assegnati ad un SM. I thread di un blocco accedono solo ai registri che gli sono stati assegnati. Lo zero-overload schedule è realizzato grazie al fatto che le informazioni di content switch dei warp rimangono inalterate nei registri del blocco.

4.1.7 Latenza

Una latenza è il numero necessario di cicli affinché un'istruzione venga completata. Possiamo limitarle saturando la pipeline di calcolo e la bandwidth. QUesto si ottiene fornendo allo schduler un numero sufficiente di operazioni da svolgere. Due possibili paradigmi:

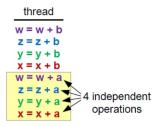
Thread-Level Parallelism (TLP)

Generalmente si consiglia di fornire molti thread per SM in modo da garantire il parallelismo minimo per coprire le latenze aritmetiche.



Instruction-Level Parallelism (ILP)

Abbiamo che ogni processore: Una seconda alternativa è sfruttare il parallelismo interno alle istruzioni dello stesso thread, fornendo allo scheduler più operazioni indipendenti da accodare nella pipeline. Lo scheduler non passa a un nuovo thread se ci sono altre istruzioni da poter istanziare.



4.1.8 Compute Capability

La compute capability specifica il set di istruzioni e features che si vuole supportare per la generazione del codice PTX infatti il codice PTX, pur descrivendo una macchina virtuale, viene esteso e arricchito nel tempo con nuove istruzioni per il nuovo hardware. È identificata da dal codice "compute_Xy":

- (X): identifica l'architettura base del chip
- (y): identifica varianti con più o meno features

Infine specifica il set di istruzioni disponibili in compilazione del PTX code.

compute capability	feature support
compute_10	very basic features
compute_13	basic + double precision + atomics
compute_20	FERMI architecture (double precision)
compute_30	KEPLER K10 architecture (single precision)
compute_35	KEPLER K20, K20X, K40 architectures

								Comp	ute capa	bility (ve	ersion)						
Technical specifications	1.0 1.1	1.2	1.3	2.x	3.0	3.2	3.5	3.7	5.0	5.2	5.3	6.0	6.1	6.2	7.0 (7.2?)	7.5	
Maximum number of resident grids per device (concurrent kernel execution)		o.d.		1	6	4		:	32		16	128	32	16	12	8	
Maximum dimensionality of grid of thread blocks		2									3						
Maximum x-dimension of a grid of thread blocks		6553	5								231	_ 1					
Maximum y-, or z-dimension of a grid of thread blocks									655	535							
Maximum dimensionality of thread block										3							
Maximum x- or y-dimension of a block		12							•	3	1024						
Maximum z-dimension of a block		112								i4	1024						
		12							- 0	-	1024						
Maximum number of threads per block		112								12	1024						
Maximum number of resident blocks per multiprocessor		32 8 16 32											16				
	24	_	32	48	16 32												
Maximum number of resident warps per multiprocessor		-														32	
Maximum number of resident threads per multiprocessor	768	-)24	1536		0416		400.16		20)48		0416			1024	
Number of 32-bit registers per multiprocessor	8 K		S K	32 K	04:1	64 K		128 K	4.14		00:1	-	64 K			1/	
Maximum number of 32-bit registers per thread block		I/A		32 K					4 K		32 K		4 K	32 K	64	ĸ	
Maximum number of 32-bit registers per thread	1	24		6								255			OE IVD	64 KB	
Maximum amount of shared memory per multiprocessor	16	KB			48 I	(B		112 KB	64 KB	96 KB	64	KB	96 KB	64 KB	96 KB (of 128)	(of 96)	
Maximum amount of shared memory per thread block								48 KB							48/96 KB	64 KB	
Number of shared memory banks	16 32																
Amount of local memory per thread	16	KB									512 KB						
Constant memory size	64 KB																
Cache working set per multiprocessor for constant memory						8 KB						4 KB			8 KB		
Cache working set per multiprocessor for texture memory	6 – 8 KB		12	KB	3 12 – 48 KB			24 KB	48 KB	N/A	24 KB	48 KB	24 KB	32 – 128 KB	32 – 64 KB		
Maximum width for 1D texture reference bound to a CUDA array	8192 65536																
Maximum width for 1D texture reference bound to linear memory	2 ²⁷																
Maximum width and number of layers for a 1D layered texture reference	8192 × 512 16384 × 2048																
Maximum width and height for 2D texture reference bound to a CUDA array		65536 × 32768 65536 × 65535															
Maximum width and height for 2D texture reference bound to a linear memory	65000 ²																
Maximum width and height for 2D texture reference bound to a CUDA array supporting texture gather	١	I/A			16384 ²												
Maximum width, height, and number of layers for a 2D layered texture reference	8192 × 8	192 ×	512		16384 × 16384 × 2048												
Maximum width, height and depth for a 3D texture reference bound to linear memory or a CUDA array		2048	3		4096 ³												
Maximum width and number of layers for a cubemap layered texture reference	N	I/A	16384 × 2046														
Maximum number of textures that can be bound to a kernel		128		256													
Maximum width for a 1D surface reference bound to a CUDA array											65536						
Maximum width and number of layers for a 1D layered surface reference										655	536 × 20	48					
Maximum width and height for a 2D surface reference bound to a CUDA array		655							55536 × 32768								
Maximum width, height, and number of layers for a 2D layered surface reference	sup)		65536 × 32768 × 2048														
Maximum width, height, and depth for a 3D surface reference bound to a CUDA array			65536 × 32768 × 2048														
Maximum width and number of layers for a cubemap layered surface reference				32768 × 2046													
Maximum number of surfaces that can be bound to a kernel				8 16													
Maximum number of instructions per kernel	2 m	illion								51	12 millio	n					

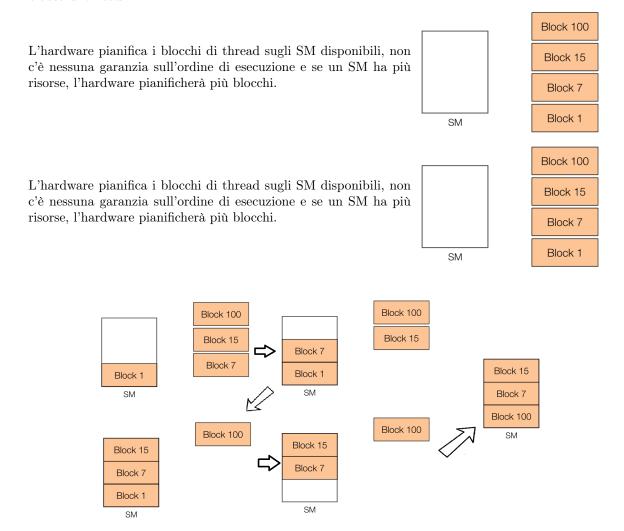
[35]

A b. 10	Compute capability (version)														
Architecture specifications	1.0	1.1	1.2	1.3	2.0	2.1	3.0	3.5	3.7	5.0	5.2	6.0	6.1, 6.2	7.0, 7.2	7.5
Number of ALU lanes for integer and single-precision floating-point arithmetic operations		8[36]			32	48	8 192		1	128		128	64		
Number of special function units for single-precision floating-point transcendental functions			2		4	8	32					16	32	16	
Number of texture filtering units for every texture address unit or render output unit (ROP)	2				4	8	16			8[37]					
Number of warp schedulers	1			2					4				4	4	
Max number of instructions issued at once by a single scheduler		1 2[38] 1								1					
Number of tensor cores		N/A										8[37]			
Size in KB of unified memory for data cache and shared memory per multi processor	t.b.d.									128	96[39]				

4.1.9 Come funziona uno streaming multi processor (SM)

I thread CUDA sono raggruppati in blocchi di thread. I thread dello stesso blocco vengono eseguiti contemporaneamente nello stesso SM. Gli SM hanno memoria condivisa, quindi i thread all'interno di un blocco di thread possono comunicare.

La totalità dei thread di un blocco deve essere eseguita prima che ci sia spazio per schedulare un altro blocco di thread.



Warps

Il warp è l'unità fontamentale di esecuzione. Ogni warp può eseguire un'istruzione su 16 cuda core, 16 load/store units. Ci vogliono 2 cicli per completare un'istruzioni o una load/store per tutto il warp. All'interno degli SM, i thread vengono lanciati in gruppi di 32 chiamati appunto warps. I warp condividono la parte di controllo (warp scheduler). In qualsiasi momento, viene eseguito solo un warp per SM. I thread in un warp eseguiranno la stessa istruzione. Sono usati gli Half warp per la computer capability 1.X .

Es: FERMI ARCHITECTURE: massimo numero di thread attivabili 1024 (thread massimi per blocco)* 8 (blocchi massimi per SM)* 32 (SM) =262144 Lo SM implementa un warp scheduling con zero-overhead. L'architettura Fermi usa due warp scheduling.

4.2 Somma di due Vettori

Si vogliono sommare due vettori sfruttando come parallelismo la gpu.

4.2.1 Codice

Inanzitutto identifichiamo le parti data-parallel e i dati coinvolti da trasferire.

```
int main(int argc, char *argv[]) {
   int i;
   /************/
                                                   program vectoradd
   const int N = 1000;
                                                   integer :: i
   double u[N], v[N], z[N];
                                                   integer, parameter :: N=1000
   /************/
                                                   real(kind(0.0d0)), dimension(N):: u, v, z
   initVector (u, N, 1.0);
                                                   call initVector (u, N, 1.0)
   initVector (v, N, 2.0);
                                                   call initVector (v, N, 2.0)
   initVector (z, N, 0.0);
                                                   call initVector (z, N, 0.0)
   printVector (u, N);
                                                   call printVector (u, N)
                                                   call printVector (v, N)
   printVector (v, N);
                                                    ! z = u + v
   /************/
                                                   do i = 1,N
   //z = u + v
                                                   z(i) = u(i) + v(i)
   for (i=0; i<N; i++)</pre>
                                                   end do
       z[i] = u[i] + v[i];
                                                   call printVector (z, N)
    /*************/
                                                   end program
   printVector (z, N);
   return 0;
}
```

Poi implementiamo il Kernel CUDA e scriviamo l'algoritmo per il singolo elemento.

```
void gpuVectAdd (const double *u,
                                                              const double *v, double *z, int
                                                              N) {
const int N = 1000;
                                                             // index is a unique identifier
double u[N], v[N], z[N];
                                                                  of each GPU thread
//z = u + v
                                                                                                 La
                                     diventa:
                                                             int index = ...;
for (i=0; i<N; i++)</pre>
                                                             if (index < N)</pre>
   z[i] = u[i] + v[i];
                                                                 z[index] = u[index] +
                                                                     v[index];
                                                         }
```

scelta delle dimensioni della griglia è dettata dal problema e dal mapping che si utilizza nel kernel CUDA tra l'indice degli elementi da elaborare e gli identificativi dei thread CUDA.

Nel caso di un problema lineare come l'elaborazione degli elementi di un array, possiamo scegliere:

- blocchi di thread monodimensionali (1D)
- griglia monodimensionale di blocchi (1D)

Ogni thread della griglia elabora in parallelo un solo elemento del vettore per determinare la griglia in modo da generare un numero di thread sufficiente a ricoprire tutta la superficie da elaborare. Scelta la dimensione del blocco, la dimensione della griglia si può adattare al problema, alcuni thread potrebbero uscire dal dominio (nessun problema).

Modificare il codice in modo da girare sulla GPU e allocare la memoria sul device.

```
double *u_dev, *v_dev, *z_dev;
cudaMalloc((void **)&u_dev, N * sizeof(double));
cudaMalloc((void **)&v_dev, N * sizeof(double));
cudaMalloc((void **)&z_dev, N * sizeof(double));
```

trasferire i dati necessari dall'host al device

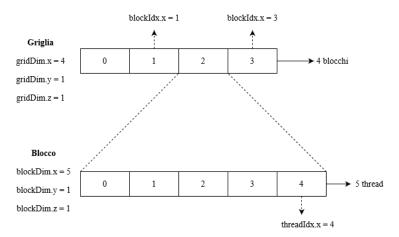
```
cudaMemcpy(u_dev, u, sizeof(u), cudaMemcpyHostToDevice);
cudaMemcpy(v_dev, v, sizeof(v), cudaMemcpyHostToDevice);
```

Porting finale del codice somma di due vettori in cuda c

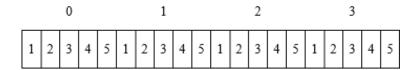
```
double *u_dev, *v_dev, *z_dev;
cudaMalloc((void **)&u_dev, N * sizeof(double));
cudaMalloc((void **)&v_dev, N * sizeof(double));
cudaMalloc((void **)&z_dev, N * sizeof(double));
cudaMemcpy(u_dev, u, sizeof(u), cudaMemcpyHostToDevice);
cudaMemcpy(v_dev, v, sizeof(v), cudaMemcpyHostToDevice);
dim3 numThreads( 256); // 128-512 are good choices
dim3 numBlocks( (N + numThreads.x - 1) / numThreads.x );
gpuVectAdd<<<numBlocks, numThreads>>>( u_dev, v_dev, z_dev, N );
cudaMemcpy(z, z_dev, N * sizeof(double), cudaMemcpyDeviceToHost);
```

4.2.2 Lavagna

Abbiamo una griglia una griglia 1D e blocchi di 1D:



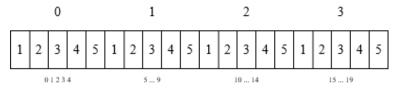
se rappresentiamo la griglia con tutti i thread ci troviamo davanti a:



Abbiamo quindi 20 thread attivabili, ora ritornando alla somma di due vettori, abbiamo che z=u+v, con u,v,z vettori di dimensione N.

Abbiamo 3 possibli casi di distribuzione dei dati:

1. Abbiamo N = 20



index = threadIdx.x + blockId.x * blockDim.x

- 2. N > 20: abbiamo delle componenti che rimangono fuori non è accettabile;
- 3. La situazione di quest'ultimo caso è quella che capita più spesso ed è quella in cui siamo noi a segliere i numeri dei thread da utilizzare. Quindi se N < 20 e N = 18Associamo ai thread una coppia di componenti:

```
    if(index < N) 

    z(i) = u(i) + v(i)
```

Problema del terzo caso, con la formula da noi utilizzata potrebbero esserci dei casi in cui nessun blocco ha assegnato delle componenti e questo porta alla perdita del parallelismo.

Per risolvere questo problema segliamo in modo arbitrario la dimensione.

- 1. Fissiamo blockDim.x ad un valore, in questo esempio mettiamolo a 32.
- 2. Scelgo gridDim.x in funzione di N e blockDim

Es:

- N = 64 -> gridDim.x = $\frac{N}{blockDim.X} = \frac{64}{32}$
- N = 70 -> gridDim.x = $\frac{70}{32}$ = 2 elementi fuori, per non avere elementi fuori possiamo applicare quest'altra formula: gridDim.x = $\frac{N}{blockDim}$ + 1

Quindi segliamo in modo che almeno un thread nell'ultimo blocco lavori sempre.

4.3 Esempio di capability

4.3.1 Configurazione di un kernel

Vogliamo configurare un kernel con compute capability di tipo 2.0 (dati reperibili sulla tabella 4.1.8). Innanzitutto dobbiamo tenere conto di:

• Massimo numero di blocchi: 65535

• Massimo numero di thread: 1024

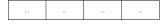
• Massimo numero blocchi in SM: 8

• Massimo numero di thread in SM: 1536

• Massimo numero di registri in SM: 32K

Abbiamo anche due limitazioni il numero di blocchi/thread da utilizzare e la capienza della memoria. Vogliamo ottenere una configurazione ottimale, ma non tutte le configurazioni sono ottimali per via delle limitazioni che possono verificarsi. Una configurazione si dice ottimale se vengono utilizzati il massimo numero di blocchi per ogni SM e se vengono utilizzati il massimo numero di thread per ogni SM.

Il nostro esempio si baserà su di una geometria 1D.



Per prima cosa vediamo per il nostro SM quanti thread può contenere all'interno di ogni blocco: $\frac{\#thread}{\#blocchi} = \frac{1536}{8} = 192$. Quindi blockDim = 192 è la scelta massima di # blocchi e #thread per ogni SM e quindi sarebbe la scelta ottimale; ma per vedere se è vero dobbiamo tener conto della memoria. Supponiamo \forall thread occorrono 30 registri, \forall SM abbiamo 30 x 1536 (8 x 192) registri = 46 080.

Notiamo quindi che abbiamo superato il numero di registri disponibili che è 32K quindi non è una scelta ottima.

Ora supponiamo che si attivano solo 5 blocchi:

 $5 \times 192 \times 30 = 28880$, in questo caso va bene perchè non superiamo 32k.

Quindi se scegliamo block Dim = 192 e si attivano 5 blocchi \forall SM abbiamo che alla fine saranno attivi 5 x 192 thread = 960 thread \forall SM < 1536.

Un'altro esempio: Proviamo un'altra scelta sempre con compute capability 2.0, ma stavolta con blockDim = 128. 8 x 128 = 1024 thread < 1536. È ottima? 1024 x 30 = 30720 < 32K quindi è OK. Si attiveranno per ogni \forall 8 blocchi e 1024 thread, la soluzione quindi possiamo dire che è buona ma non è ottima.

Capitolo 5

MPI

5.1 Funzionalità della libreria MPI

- Funzioni di management della comunicazione
 - Definizione/ identificazione di gruppi di processi(task) coinvolti nella comunicazione;
 - Definizione /gestione dell'identità del singolo processo all'interno del gruppo.
- Funzioni di scambio di messaggi
 - Inviare/ ricevere dati da un processo;
 - Inviare/ ricevere dati da un gruppo di processi.
- Definizione di costanti e valori di default;
- Unità fondamentale è il processo: il programma parallelo è costituito da una collezione di processi (task) autonomi:
 - ogni processo esegue un proprio algoritmo utilizzando i dati residenti nella propria memoria;
 - quando è necessario comunica con gli altri processi attraverso uno scambio di messaggi;

In ambiente MPI un programma è visto come un insieme di componenti (o processi) concorrenti. Il sistema lancia n processi e ogni processo esegue una copia di prog.exe e ha il suo spazio di memoria locale.

5.1.1 Le funzioni MPI

MPI è una libreria che comprende:

- Funzioni per definire l'ambiente;
- Funzioni per comunicazioni uno a uno;
- Funzioni per comunicazioni collettive
- Funzioni per operazioni collettive;
- Tutte le funzioni MPI iniziano con MPI seguito da una maiuscola e da minuscole;
- \bullet Header file per un programma C # include<mpi.h>

Tutte le routine MPI restituiscono un indicatore di errore: error = MPI_Xxxx(parametri,..) Questo indicatore di errore può per esempio assumere uno di questi valori:

- MPI SUCCESS, nessun errore;
- MPI_ERR_ARG, argomento errato;
- MPI ERR RANK, identificavo errato.

5.1.2 Struttura di un programma MPI

```
#include <stdio.h>
#include <mpi.h>
main(int argc, char *argv[]){
   int me, nproc;
        ::ulteriori dichiarazioni di variabili

MPI_Init(&argc,&argv);
MPI_Comm_size (MPI_COMM_WORLD,&nproc);
MPI_Comm_rank (MPI_COMM_WORLD, &me);
::corpo del programma

MPI_Finalize();
return 0;
}
```

MPI Init(&argc,&argv): argc e argv sono gli argomenti del main.

Questa routine deve essere chiamata prima di ogni altra routine MPI. Serve per inizializzare l'ambiente di esecuzione di MPI, definire l'insieme dei processi attivati (contesto) e inizializzare nizializza il contesto MPI_COMM_WORLD

MPI_Comm_rank(comm, &me): Questa routine assegna ad ogni processo del contesto un proprio numero identificativo.

- Input: MPI_Comm comm: contesto a cui appartiene il processo (MPI_COMM_WORLD è il nome del contesto globale)
- Output: int me : identificativo assegnato al processo

MPI Comm size(comm, &nproc): numero dei processi del communicator

- Input: MPI Comm comm: contesto a cui appartiene il processo;
- Output: int nproc: numero di processi del contesto.

MPI Finalize(): Termina un programma MPI.

5.2 Comunicazione uno a uno

5.2.1 Spedizione

La spedizione di un messaggio avviene con la seguente routine: MPI Send(msg, count, datatype, dest, tag, comm)

- void *msg indirizzo del primo elemento da spedire
- int count numero di elementi da spedire;
- MPI Datatype datatype tipo degli elementi da spedire;
- int dest identificativo del destinatario del messaggio;
- int tag identificativo del messaggio;
- MPI Comm comm contesto a cui appartengono i processi.

5.2.2 Ricezione

La ricezione di un messaggio avviene con la seguente routine: MPI Recv(msg, count, datatype, source, tag, comm, &status)

- void *msg: indirizzo del primo elemento da ricevere;
- int count: numero di elementi da ricevere (consecutivi);
- MPI_Datatype datatype: tipo degli elementi da ricevere;
- int source: identificativo del mittente del messaggio. Può assumere il valore MPI_ANY_SOURCE per ricevere da qualsiasi mittente;
- int tag: identificativo del messaggio. Può assumere il valore MPI_ANY_TAG per ricevere qualsiasi messaggio;
- MPI_Comm comm: contesto a cui appartengono i processi;
- MPI_Status status: valore che permette di conoscere il mittente (se nascosto in MPI_ANY_SOURCE), il TAG e la dimensione esatta di un messaggio

NOTA: si può effettuare anche una spedizione e una ricezione in un'unica chiamata MPI_Sendrecv(sendmsg, sendcount, sendtype, dest, sendtag, recvmsg, recvcount, recvtype, source, recvtag, comm, &status);

5.3 Comunicazioni collettive

5.3.1 Broadcast

È possibile trasmettere un messaggio da un processo a tutti gli altri processi di un contesto: MPI_Bcast(msg, count, datatype, root, comm); int ROOT: identificativo del mittente

5.3.2 Scatter

È possibile trasmettere messaggi diversi da un processo a tutti i processi del contesto.

MPI Scatter(sendmsg, sendcount, sendtype, recvmsg, recvcount, recvtype, root, comm);

- send_data : array di dati residente nel processo root di tipo send_data_datatype;
- send_count: numero elementi inviati ad ogni processo. Se send_count =2, allora il processo 0 riceve i primi due elementi dell'array, il processo 1 riceve il terzo e il quarto elemento dell'array e così via. Di solito, send_count = (dimensione totale dell'array)/(numero dei processi);

- recv data buffer di dati che può contenere recv count elementi di tipo recv datatype;
- root : processo che sta inviando;
- communicator : il contesto nel quale risiedono root e i processi che ricevono.

5.3.3 Gather

È possibile trasmettere un messaggio da ogni processo di un contesto ad un solo processo del contesto. MPI_Gather(sendmsg, sendcount, sendtype, recvmsg, recvcount, recvtype, root, comm); int ROOT: identificativo del destinatario

5.3.4 AllGather

Per trasmettere un messaggio da ogni processo di un contesto a tutti i processi del contesto.
MPI Allgather(sendmsg, sendcount, sendtype, recvmsg, recvcount, recvtype, comm);

5.4 Operazioni collettive

5.4.1 Reduce

Operazioni utilizzate per ridurre un insieme di numeri con una funzione di somma in parallelo, non sappiamo quale strategia venga usata. MPI_Reduce(sendmsg, recvmsg, count, type, op, root, comm); MPI_Allreduce(sendmsg, recvmsg, count, type, op, comm);

Capitolo 6

CUDA

Compilazione: \$ nvcc -o provaMemcopy provaMemcopy.cu

Esecuzione: \$./ provaMemcopy

6.0.1 Allocazione della memoria sulla GPU

- cudaError_t cudaMalloc (void ** devPtr, size_t size);
 - devPtr è un puntatore all'area di memoria da allocare sul device
 - size è la dimensione in bytes dell'area da allocare

6.0.2 Deallocazione della memoria sulla GPU

- cudaError t cudaFree (void * devPtr);
 - devPtr è un puntatore all'area di memoria del device da deallocare

6.1 Scambio dei dati fra CPU e GPU

- cudaError_t cudaMemcpy (void * dest, void * src, size_t nBytes, enum cudaMemcpyKind);
 - dest è un puntatore all'area di memoria in cui effettuare la copia
 - src è un puntatore all'area di memoria da copiare
 - nBytes è il numero di byte da copiare
 - kind indica la direzione della copia; è una variabile enumerativa, che può assumere questi valori:

cudaMemcpyHostToHost : dall'host all'host cudaMemcpyHostToDevice : dall'host al device cudaMemcpyDeviceToHost : dal device all'host cudaMemcpyDeviceToDevice : dal device al device

Questa funzione è bloccante: non inizia prima che siano completate tutte le CUDA calls precedenti e non termina se la copia non è completa.

6.2 Somma di due vettori

Per calcolare la somma di due vettori useremo un kernel e una funzione:

- kernel sommaGPU: calcola in parallelo la somma di due vettori;
- function sommaCPU : calcola in seriale la somma di due vettori.

I risultati ottenuti in sequenziale e in parallelo verranno poi confrontati per testare la validità del kernel.

6.3 Le funzioni CUDA

Le function CUDA hanno lo stesso prototipo delle usuali function C preceduto da uno di questi qualificatori:

- __global__ : per le function richiamate dall'host ed eseguite sul device, ovvero i kernel;
- __device__ : per le function richiamate dal device ed eseguite sul device;
- __host__: (opzionale) per le function canoniche eseguite sulla CPU.

Per dichiarare un kernel CUDA:__global__ void nomeKernel (parametri);

6.3.1 Configurazione del kernel CUDA

es. sommaGPU«<gridDim, blockDim»>(a d, b d, c d, N):

- gridDim è il numero di blocchi di ogni dimensione della griglia (1D, 2D o 3D)
- blockDim è il numero di thread di ogni dimensione del singolo blocco (1D, 2D o 3D)
- dim3 è un tipo predefinito di CUDA, vettore di tre interi; ogni componente è accessibile attraverso i campi x, y, z; i campi non assegnati sono posti a 1:

dim3 threadIdx: identificativo del thread all'interno del blocco;

dim3 blockIdx: identificativo del blocco all'interno della griglia;

dim3 blockDim: numero di thread contenuti in un singolo blocco;

.

6.3.2 Impostazione della memoria della GPU ad un dato valore

- cudaError_t cudaMemset(void* devPtr,int value,size_t count)
 - devPtr è un puntatore all'area di memoria del device da impostare;
 - value è il valore da assegnare a quest'area di memoria;
 - count è il numero di byte di quest'area di memoria.

6.3.3 Variabili architettura di memoria

Di seguito saranno elencate i tipi da assegnare alle avariabile per usare una determinata memoria:

- Global memory: device float variable;
- Shared memory: __shared__ float variable;
- Registri: float variable;
- Locale memory: float variable[10];
- Constant memory: __constant__ float variable;
- Texture memory:

```
texture<type, dim> text_var; // inizializzazione
cudaChannelFormatDesc(); // opzioni
cudaBindTexture2D(...): // bind (legare)
text2D(tex_var, x_index,y_index); //fetch (recupero)
```

6.4 Compilazione in cuda

Ogni file sorgente contenente estensioni CUDA deve essere compilato con un compilatore CUDA compliant: nvcc per CUDA C (NVIDIA)

Il compilatore processa il sorgente separando codice device dall'host. il codice host viene rediretto a un compilatore standard di default (ad es. gcc) il codice device viene tradotto in PTX, a partire dal PTX prodotto è possibile:

- produrre codice oggetto binario (cubin) specializzato per una particolare architettura GPU
- produrre un eseguibile che include PTX e/o codice binario (cubin)

Quando si specifica un'architettura virtuale, nvcc posticipa la fase di assemblaggio del codice PTX all'esecuzione dell'applicazione, quando l'architettura reale è nota. Ad esempio, il comando seguente genera un codice binario che funziona perfettamente se lanciato su architetture con compute capability 5.0 o successive:

nvcc x.cu gpu architecture =compute 50 gpu code=compute 50

6.4.1 Specifiche di compilazione

Al compilatore va sempre specificata:

- l'architettura virtuale con cui generare il PTX code;
- l'architettura reale per creare il codice oggetto (cubin):

```
» nvcc arch = compute 30 \text{ code} = \text{sm } 30,\text{sm } 31
```

• nvcc ammette l'uso dell'abbreviazione arch sm XX, ad es:

```
» nvcc arch =sm_30 ; equivalente a: nvcc arch =compute_30 code=sm_30
```

6.4.2 Architettura virtuale e reale

- L' architettura virtuale è un'indicazione della compute capability che deve avere l'architettura reale su cui andrà eseguito il codice. Richiedere un'architettura virtuale meno performante, lascia più scelta per l'architettura reale su cui potrà essere eseguito il codice.
- l'architettura reale dovrebbe essere scelta quale la migliore possibile. Ovviamente ciò è possibile solo se è nota l'architettura fisica su cui sarà eseguito il codice.

Nota: Per chi usa google colaboratory usare il soppio trattino nelle istruzioni successive esempio: nvcc -arch=sm_30 invece di nvcc -arch=sm_30. In compilazione si può usare solo un'architettura virtuale e una lista di architetture reali.

6.5 Misura dei tempi: gli eventi

Gli eventi sono una sorta di marcatori che possono essere utilizzati nel codice per:

- misurare il tempo trascorso elapsed) durante l'esecuzione di chiamate CUDA (precisione a livello di ciclo di clock);
- bloccare la CPU fino a quando le chiamate CUDA precedenti l'evento non siano state completate.

6.5.1 Uso degli eventi

```
cudaEvent_tstart, stop;
cudaEventCreate(&start);
cudaEventCreate(&stop);
...
cudaEventRecord(start);
kernel<<<grid , block>>>(...);
cudaEventRecord(stop);
cudaEventSynchronize(stop);
/* assicura che tutti i thread siano arrivati all'evento stop prima di registrare il tempo*/
float elapsed;
// tempo tra i due eventi in millisecondi
cudaEventElapsedTime(&elapsed , start, stop);
...
cudaEventDestroy(start);
cudaEventDestroy(stop);
```

6.5.2 Ottimizzazione mediante profiling

Profiling significa analizzare le prestazioni del programma misurando:

- La complessità in spazio e(o in tempo dell'algoritmo;
- La frequenza e la durata delle chiamate a funzione.

In cuda in genere un'implementazione naïve non da alte prestazioni, ma i tool di profiling aiutano a trovare colli di bottiglia da rimuovere.

Informazioni sulla memoria usata: "nvcc -ptax-options=-v nomeFile.cu" ci fornisce informazioni sulla memoria usata dal programma, come ad esempio i registri usati da ogni thread.

```
Invcc -Xptxas -v prodotto.cu

Ptxas info: 0 bytes gmem

ptxas info: Compiling entry function '_Z11prodottoGPUPfS_S_i' for 'sm_30'

ptxas info: Function properties for _Z11prodottoGPUPfS_S_i 0 bytes stack frame, 0 bytes spill stores, 0 bytes spill loads

ptxas info: Used 8 registers, 348 bytes cmem[0]

gmem : memoria allocata staticamente nella memoria globale cmem[0]: memoria per gli argomenti del kernel.

registers : num. registri per ogni thread
```

Profiling in CUDA 5.0 e oltre

»nvprof ./programma È disponibile da CUDA 5 in poi. Attualmente sulla multiGPU è installata la versione di CUDA 4.0. Permette di valutare le singole chiamate a CUDA in termini di tempo.

Profiling versione precedenti CUDA 5.0

Per versioni di CUDA precedenti, impostare: » %export COMPUTE_PROFILE=1 poi eseguire il programma normalmente, ad esempio: » ./tempi. Così viene creato il file cuda_profile_0.log, contenente le informazioni sui tempi di trasferimento dati in microsecondi, del tipo riportato nella diapositiva successiva.

Nota: se si vuole usare nvprof , bisogna reimpostare COMPUTE_PROFILE a 0.