

# Pablo Vidal Vaquero

Zaragoza, España • [vidalvaqueropablo@gmail.com](mailto:vidalvaqueropablo@gmail.com) • +34 626 55 76 00  
[linkedin.com/in/vidalvaqueropablo](https://linkedin.com/in/vidalvaqueropablo) • [github.com/DarthPapalo](https://github.com/DarthPapalo)

**Bioinformático** con conocimientos avanzados de programación, innovador y especializado en el desarrollo de software y herramientas bioinformáticas. Con una comprensión profunda de los sistemas biológicos y del funcionamiento de las tecnologías actuales.

## Educación

### Universidad San Jorge (USJ)

Zaragoza, España

Grado en Bioinformática (Nota media = 8.53 / 10)

2022 – 2025

Matrícula de honor en *Sistemas de Información y Álgebra*

Proyecto de Fin de Grado: *Creación de un software para la identificación de bacteriófagos específicos para genomas bacterianos, con enfoque en la lucha contra cepas resistentes a antibióticos*

### Estudios en el extranjero (Howest University of Applied Sciences)

Brujas, Bélgica

Parte del programa Erasmus+

Febrero 2025 – Junio 2025

Segundo semestre del último año en el grado de Bioinformática

### I.E.S. José Manuel Blecua

Zaragoza, España

ESO y Bachillerato científico

2016 – 2022

Matrícula de honor en Bachillerato

Calificación numérica de acceso a la Universidad = 8,975 / 10

## Experiencia

### VIB UGent

Gante, Bélgica

#### Bioinformático

Abril 2025 – Junio 2025

- Trabajé como bioinformático para un equipo de investigación dedicado al estudio de datos transcriptómicos.
- Desarrollé una pipeline modular y escalable para el preprocesado, ensamblaje y cuantificación de datos transcriptómicos obtenidos mediante Long-read RNA-seq utilizando *Nextflow*.
- Trabajé y me integré con un equipo de investigación extranjero utilizando únicamente el Inglés.
- Aporté ideas innovadoras como la implementación de diferentes módulos para el análisis de datos obtenidos a partir de tecnologías de secuenciación distintas (como Oxford Nanopore o PacBio).
- Aporté soluciones alternativas al problema, como la implementación de una pipeline a través de Python que requiriese de un menor control de dependencias.
- Trabajé en el servidor de alto rendimiento (HPC) de la universidad de Gante a través de SSH y la línea de comandos.

## Habilidades e intereses

### Técnicas:

- Manejo de herramientas de ofimática: Microsoft Office, productos de Google
- Lenguajes de programación: Python, R, Bash, Nextflow, GDScript, Rust, HTML/CSS
- Tecnologías: Git, SQL, Astro, HPC

**Idiomas:** Español (Nativo), Inglés (Nivel C1)

**Adicional:** Permiso de conducción clase B

**Intereses:** Desarrollo de videojuegos y herramientas CLI, desarrollo web, aprendizaje de lenguajes de programación y tecnologías nuevas