

Reporte 8vo Semestre

Introducción

Durante este semestre trabajé sobre la misma línea de investigación del semestre pasado: caracterización de elementos cis-regulatorios activadores por medio de algoritmos de baja exigencia computacional. Para esto los resultados se pueden clasificar en:

- Se refinaron funciones creadas el semestre pasado
- Se llevó a cabo el primer test preliminar con secuencias ‘de prueba’ de ambos tipos de secuencia (provenientes del paquete *Genomic Benchmarks* en Python).
- Se evaluaron sesgos tanto en las funciones como en los sets de datos ocupados después de realizar las primeras visualizaciones.
- Adicionalmente se crearon herramientas de visualización para un formato de cuadernos de código con el que se trabajó (Quarto).

Cabe resaltar que todo el proyecto (aún el código descartado, enviado a ‘trash-code.R’ se encuentra disponible en mi GitHub, dentro de su respectivo repositorio (*EnhaProm-Project*)).

Funciones

Para el proceso de caracterización se trabajó principalmente sobre el archivo ‘genome-functions.R’ el cual posee alrededor de 1K líneas de código usadas para la generación de cada variable en las tablas (sin contar líneas vacías usadas para una mayor legibilidad).

```
awk 'NF > 0 {count++} END {print count}' ../scripts/genome-functions.R
```

1095