

Residues	N	EA	FDB			
residues	Buried	Exposed	Buried	Exposed		
ALA	0.00	0.00	0.00	0.00		
CYS	-0.89	-2.57	-1.06	-1.64		
THR	-5.31	-8.075	-4.84	-6.68		
SER	-5.55	-6.55	-4.45	-5.24		
ASP	-17.26	-22.06	-14.56	-18.82		
$\operatorname{GLU}$	-16.12	-20.68	-14.52	-18.21		
ASN	-16.38	-20.41	-14.02	-17.80		
$\operatorname{GLN}$	-14.00	-18.41	-13.14	-16.61		
HID	11.21	6.95	10.85	8.13		
HIE	10.63	6.15	10.41	7.37		
HIP	15.17	10.72	12.86	10.98		
ARG	-53.40	-57.36	-51.37	-54.76		
LYS	-8.20	-12.34	-8.24	-11.35		
ILE	6.76	3.44	5.50	3.06		
VAL	0.43	-2.19	-0.05	-1.66		
LEU	0.52	-3.72	0.00	-2.94		
MET	-1.61	-3.21	-2.85	-3.09		
PHE	1.86	-2.68	0.17	-3.18		
TRP	-0.23	-7.67	-1.94	-5.53		
TYR	-5.10	-10.90	-5.91	-10.14		

Table 1 – Les énergies de référence obtenues avec l'optimisation 6 protéines.

NHREF	Y	F	L	Ι	A	L	L	V	V	V	I	V	L	V
	24	26	28	39	48	53	59	62	67	75	79	86	88	90
INAD	F	I	I	I	A	L	I	L	V	V	I	I	L	I
	28	30	32	50	59	65	71	74	79	87	91	98	100	102
GRIP	$\mathbf{L}$	I	I	I	A	I	I	I	$\mathbf{L}$	A	L	V	L	I
	682	684	686	698	707	713	719	722	727	735	739	746	748	750
Syntenin	V	F	F	I	A	L	Ι	Ι	V	Ι	L	V	Ι	I
	209	211	213	218	227	232	238	241	246	254	258	265	267	269
DLG2	L	$\mathbf{F}$	I	V	A	L	L	V	L	A	L	V	L	V
	203	205	207	224	233	239	245	248	253	261	265	272	274	276
PSD95	L	$\mathbf{F}$	I	Ι	A	L	I	V	L	A	L	V	I	A
	323	325	327	338	347	353	359	362	367	375	379	386	388	390
CASK	Μ	I	L	V	I	L	I	Ι	V	L	L	Ι	$\mathbf{F}$	I
	501	503	505	515	524	530	536	539	544	552	556	563	565	567
Tiam1	Y	$\mathbf{F}$	L	V	A	L	I	I	A	L	L	L	L	V
	858	860	862	875	884	889	895	898	903	911	915	920	922	924