МИНОБРНАУКИ РОССИИ САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ГОСУДАРСТВЕННЫЙ ЭЛЕКТРОТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ «ЛЭТИ» ИМ. В.И. УЛЬЯНОВА (ЛЕНИНА)

Кафедра математического обеспечения и применения ЭВМ

ОТЧЕТ

по лабораторной работе №7
по дисциплине «Искусственные нейронные сети»
Тема: «Классификация обзоров фильмов»

Студентка гр. 7381	 Давкаева В.С.
Преподаватель	Жукова Н. А

Санкт-Петербург

2020

Цель

Классификация последовательностей - это проблема прогнозирующего моделирования, когда у вас есть некоторая последовательность входных данных в пространстве или времени, и задача состоит в том, чтобы предсказать категорию для последовательности.

Проблема усложняется тем, что последовательности могут различаться по длине, состоять из очень большого словарного запаса входных символов и могут потребовать от модели изучения долгосрочного контекста или зависимостей между символами во входной последовательности.

В данной лабораторной работе также будет использоваться датасет IMDb, однако обучение будет проводиться с помощью рекуррентной нейронной сети.

Задачи

Ознакомиться с рекуррентными нейронными сетями

Изучить способы классификации текста

Ознакомиться с ансамблированием сетей

Построить ансамбль сетей, который позволит получать точность не менее 97%

Требования

Найти набор оптимальных ИНС для классификации текста

Провести ансамблирование моделей

Написать функцию/функции, которые позволят загружать текст и получать результат ансамбля сетей

Провести тестирование сетей на своих текстах (привести в отчете)

Ход работы.

1. Были созданы и обучены две модели искусственной нейронной сети, решающей задачу определения настроения обзора (код программы представлен в приложении A).

```
def build_models():
```

```
models = []
   model 1 = Sequential()
   model_1.add(Embedding(top_words, embedding_vector_length, input_length=max_review_
length))
   model_1.add(LSTM(100))
   model 1.add(Dropout(0.3, noise shape=None, seed=None))
   model 1.add(Dense(50, activation='relu'))
   model_1.add(Dropout(0.2, noise_shape=None, seed=None))
   model_1.add(Dense(1, activation='sigmoid'))
   models.append(model_1)
   model 2 = Sequential()
   model 2.add(Embedding(top words, embedding vector length, input length=max review
length))
   model_2.add(Conv1D(filters=32, kernel_size=3, padding='same', activation='relu'))
   model 2.add(MaxPooling1D(pool size=2))
   model 2.add(Dropout(0.3))
   model_2.add(Conv1D(filters=64, kernel_size=3, padding='same', activation='relu'))
   model 2.add(MaxPooling1D(pool size=2))
  model 2.add(Dropout(0.4))
   model_2.add(LSTM(100))
  model_2.add(Dropout(0.3))
   model_2.add(Dense(1, activation='sigmoid'))
  models.append(model 2)
   return models
```

Результаты обучения первой сети приведены на рис. 1. Точность составила 86,68%

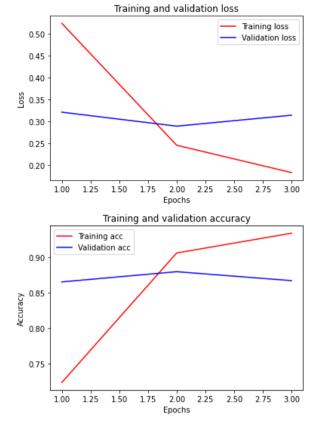


Рисунок 1 – График потерь и точности первой сети.

Результаты обучения второй сети представлены на рис. 2. Точность составила 88%

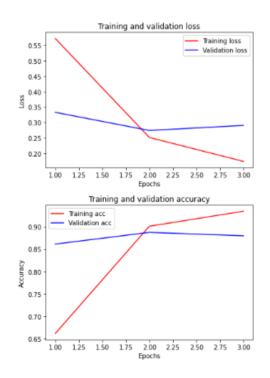


Рисунок 2 - График точности и потерь второй сети

2. Точность при ансамблировании составила 96.49

Полученый ансамбль был проверен на отзыве.

Отзыв: Fantastic! Perfect comedia! I like this film! Best movie i have ever seen! Recommend it for everyone

Обзор был оценен 0.7518927, что соответствует его положительности.

Ансамбль работает корректно.

Вывод.

В ходе выполнения лабораторной работы были созданы две модели нейронных сетей для предсказания успеха фильма по обзорам. Было проведено ансамблирование сетей для улучшения точности предсказания. Были написаны функции, с помощью которых было проведено тестирование модели на пользовательских данных.

Приложение А

```
import numpy as np
from keras.datasets import imdb
from keras.models import Sequential, load model, Input
from keras.layers import Dense, LSTM, Dropout, Conv1D, MaxPooling1D
from keras.layers.embeddings import Embedding
from keras.preprocessing import sequence
from keras.datasets import imdb
import matplotlib.pyplot as plt
top words = 10000
embedding vector length = 32
max review length = 500
(training data, training targets), (testing data, testing targets) = imdb.load
data(num words=10000)
data = np.concatenate((training data, testing data), axis=0)
targets = np.concatenate((training targets, testing targets), axis=0)
training data = sequence.pad sequences(training data, maxlen=max review length)
testing data = sequence.pad sequences(testing data, maxlen=max review length)
def graphics(H):
    loss = H.history['loss']
    val loss = H.history['val loss']
    acc = H.history['accuracy']
    val acc = H.history['val_accuracy']
    epochs = range(1, len(loss) + 1)
    print(len(loss))
   plt.plot(epochs, loss, 'r', label='Training loss')
    plt.plot(epochs, val loss, 'b', label='Validation loss')
   plt.title('Training and validation loss')
   plt.xlabel('Epochs')
   plt.ylabel('Loss')
   plt.legend()
   plt.show()
   plt.clf()
   plt.plot(epochs, acc, 'r', label='Training acc')
   plt.plot(epochs, val acc, 'b', label='Validation acc')
   plt.title('Training and validation accuracy')
   plt.xlabel('Epochs')
   plt.ylabel('Accuracy')
   plt.legend()
    plt.show()
def build models():
   models = []
```

```
model 1 = Sequential()
   model 1.add(Embedding(top words, embedding vector length, input length=max
review length))
   model 1.add(LSTM(100))
    model 1.add(Dropout(0.3, noise shape=None, seed=None))
   model 1.add(Dense(50, activation='relu'))
   model 1.add(Dropout(0.2, noise shape=None, seed=None))
   model 1.add(Dense(1, activation='sigmoid'))
   models.append(model 1)
   model 2 = Sequential()
   model 2.add(Embedding(top words, embedding vector length, input length=max
review length))
   model 2.add(Conv1D(filters=32, kernel size=3, padding='same', activation='r
elu'))
   model 2.add(MaxPooling1D(pool size=2))
   model 2.add(Dropout(0.3))
   model 2.add(Conv1D(filters=64, kernel size=3, padding='same', activation='r
elu'))
   model 2.add(MaxPooling1D(pool size=2))
   model 2.add(Dropout(0.4))
   model 2.add(LSTM(100))
   model 2.add(Dropout(0.3))
   model 2.add(Dense(1, activation='sigmoid'))
   models.append(model 2)
   return models
def train models():
   models = build models()
    i = 1
    for model in models:
        model.compile(loss='binary crossentropy', optimizer='adam', metrics=['a
ccuracy'])
        H=model.fit(training data, training targets, validation data=(testing d
ata, testing targets), epochs=3,batch size=256)
        scores = model.evaluate(testing data, testing targets, verbose=0)
        model.save('model' + str(i) + '.h5')
       print("Accuracy: %.2f%%" % (scores[1] * 100))
        graphics (H)
        i += 1
def ensembling():
   model1 = load model("model1.h5")
   model2 = load model("model2.h5")
   predictions 1 = model1.predict(training data)
    predictions 2 = model2.predict(training data)
    predictions = np.divide(np.add(predictions 1, predictions 2), 2)
    targets = np.reshape(training targets, (25000, 1))
   predictions = np.greater equal(predictions, np.array([0.5]))
    predictions = np.logical not(np.logical xor(predictions, targets))
```

```
acc = predictions.mean()
    print("Accuracy of ensembling %s" % acc)
def test text(filename):
   test x = []
    with open(filename, 'r') as file:
        for line in file.readlines():
            line = line.lower()
            words = line.replace(',', ' ').replace('.', ' ').replace('?', ' ').
replace('\n', ' ').split()
            num words = []
            index = dict(imdb.get word index())
            for w in words:
                w = index.get(w)
                if w is not None and w < 10000:
                    num words.append(w)
            test x.append(num words)
        print(test x)
        test x = \text{sequence.pad} sequences (test x, maxlen=max review length)
        model1 = load model("model1.h5")
        model2 = load model("model2.h5")
        results = []
        results.append(model1.predict(test x))
        results.append(model2.predict(test x))
        result = np.array(results).mean(axis=0)
        print(result)
train models()
ensembling()
test text('text.txt')
```