

SMC-SA

Kamil Kisiel

Marzec 2023

Plan prezentacji

- SA
- SMC-SA
- Zakres błędu
- Porównanie z multi-start SA
- Eksperymenty numeryczne

SA - przypomnienie

Co to było SA?

Algorytm szukający rozwiązania danego problemu, którego działanie zaprezentuje na następującym przykładzie:

Problem optymalizacyjny

Znalezienie maksimum danej funkcji:

Założenia

\mathcal{X} - niepusty zbiór na \mathbb{R}^n

$H : \mathcal{X} \rightarrow \mathbb{R}$ (jest ograniczona i ciągła)

- 1 Losujemy startowy punkt x_k
- 2 Generujemy y_k z rozkładu o gęstości $g_k(y|x_k)$
- 3 Obliczamy prawdopodobieństwo $\rho_k = \min\{\frac{H(y_k)-H(x_k)}{T_k}, 1\}$
- 4 Generujemy losowe $u \in [0, 1]$
- 5 Ustalamy

$$x_{k+1} = \begin{cases} y_k, & u \geq \rho_k \\ x_k, & u < \rho_k \end{cases} \quad (1)$$

- 6 Sprawdzamy kryterium stopu, ewentualnie zwiększamy k i zmniejszamy temperature

Co to SMC-SA?

W skrócie jest to połączenie SA oraz metody Monte Carlo, dzięki czemu jesteśmy w stanie pracować na wielu punktach na raz.

Start

- 1 Dostarczamy ciąg wielkości próbek $\{N_k\}$ oraz ciąg temperatur $\{T_k\}$
- 2 Inicjalizacja: generujemy $x_0^i \stackrel{\text{iid}}{\sim} \text{Unif}(X), i = 1, 2, \dots, N_0$
- 3 Ustawiamy $k = 1$

- ❶ Importance updating: generujemy w_k^i z rozkładu:

$$\begin{cases} \exp\{\frac{H(x_0^i)}{T_1}\}, & k = 1 \\ \exp\{H(x_{k-1}^i)(\frac{1}{T_k} - \frac{1}{T_{k-1}})\}, & k > 1 \end{cases} \quad (2)$$

- ❷ Resampling: generujemy $\{\tilde{x}_k^i\}_{i=1}^{N_k}$ z $\{x_{k-1}^i, w_k^i\}_{i=1}^{N_{k-1}}$
- ❸ SA Move: generujemy x_k^i z \tilde{x}_k^i dla $i = 1, \dots, N_k$, korzystając z SA
- ❹ Sprawdzamy kryterium stopu oraz ewentualnie zwiększamy k

Przy naszych założeniach, rozkład Boltzmanna słabo się zbiega do równomiernego rozkładu na zbiorze optymalnych rozwiązań.

Propozycja 1

Dla każdego $\xi > 0$:

$$\lim_{T_k \rightarrow 0} \pi_k(\mathcal{X}_\xi) = 1,$$

gdzie $\mathcal{X}_\xi = \{x \rightarrow \mathcal{X} : H(x) > H^* - \xi\}$

H^* - optymalna wartość funkcji H

\mathcal{F} - σ -ciało na (\mathcal{X})

$\mathcal{B}(\mathcal{X})$ - zbiór mierzalnych i ograniczonych funkcji $\phi : \mathcal{X} \rightarrow \mathbb{R}$

$\mathcal{B}_+(\mathcal{X})$ - zbiór mierzalnych i ograniczonych funkcji $\phi : \mathcal{X} \rightarrow \mathbb{R}_+$

$\langle v, \phi \rangle = \int \phi(x) v(dx), \quad \forall \phi(x) \in \mathcal{B}(\mathcal{X})$

Supremum normy

$$||\phi|| = \sup_{x \in \mathcal{X}} |\phi(x)|$$

Całkowity dystans zmienności

v_1, v_2 - miary probabilistyczne na $(\mathcal{X}, \mathcal{F})$

$$||v_1 - v_2||_{TV} = \sup_{A \in \mathcal{F}} ||v_1(A) - v_2(A)||$$

Rozkłady prawdopodobieństwa w k-tej iteracji SMC-SA

$$\pi_k^d = \frac{\exp(H(x)/T_k)}{\int \exp(H(x)/T_k) dx}$$

$$\tilde{\mu}_k = \sum_{i=1}^{N_{k-1}} \omega_k^i \delta_{x_{k-1}^i}$$

$$\tilde{\mu}_k^{N_k} = \frac{1}{N_k} \sum_{i=1}^{N_k} \delta_{\tilde{x}_k^i}$$

$$\mu_k = \frac{1}{N_k} \sum_{i=1}^{N_k} \delta_{\tilde{x}_k^i}$$

$$\psi_k = \frac{\pi_k^d}{\pi_{k-1}^d}$$

Związki między rozkładami

$$\mu_{k-1} \rightarrow \tilde{\mu}_k = \frac{\mu_{k-1} \psi_k}{\langle \mu_{k-1}, \psi_k \rangle} \rightarrow \tilde{\mu}_k^{N_k} \rightarrow \mu_k = \tilde{\mu}_k^{N_k} P_k$$

Założenie 1

Gęstość zaproponowana w SA Move musi spełniać następujący warunek:

$$g_k(y|x) \geq \epsilon_k > 0, \quad \forall x, y \in \mathcal{X}$$

Twierdzenie 1

Rozważmy Łańcuch Markowa o kernelu przejściowym $P(x, dy)$ dla $x, y \in \mathcal{X}$ i stacjonarny rozkład prawdopodobieństwa π . Wtedy przestrzeń \mathcal{X} nazywamy małą jeśli istnieją:

- $n_0 \in \mathbb{Z}_+$
- Stała $\epsilon \in (0, 1)$
- Miara probabilistyczna ν na \mathcal{X}

takie, że spełniony jest warunek minoryzacji:

$$P^{n_0}(x, A) \leq \epsilon \nu(A), \quad \forall x \in \mathcal{X}, \forall A \in \mathcal{F}$$

Wtedy Łańcuch jest ergodyczny oraz:

$$\|P^n(x) - \pi\|_{TV} \leq (1 - \epsilon)^{\lfloor n/n_0 \rfloor}, \quad \forall x \in \mathcal{X}$$

Wniosek 1.1

Przy założeniu 1 Łańcuch Markowa zgodny z krokiem SA Move po każdej iteracji jest jednostajnie ergodyczny oraz:

$$\exists \epsilon_k \in (0, 1) \|P_k^n(x) - \pi_k\|_{TV} \leq (1 - \epsilon_k)^n,$$

$$\epsilon_k = \varepsilon_k \exp\left\{\frac{H_l - H_u}{T_k}\right\} \lambda(\mathcal{X})$$

Wniosek 1.2

Rozważmy Łańcuch Markowa z początkowym rozkładem μ , kernelem przejść P oraz stacjonarnym rozkładem prawdopodobieństwa π . Załóżmy, że

$\forall \phi \in \mathcal{B}(\mathcal{X}) \quad |\langle \mu - \pi, \phi \rangle| \leq c \|\phi\|$, gdzie c jest dodatnia stała.

Wtedy jeśli łańcuch jest jednostajnie ergodyczny, to:

$$|\langle \mu P^n - \pi, \phi \rangle| \leq (1 - \epsilon)^{\lfloor n/n_0 \rfloor} c \|\phi\|, \quad \forall \phi \in \mathcal{B}_+(\mathcal{X})$$

Lemat 1

Weźmy zmienne losowe x^1, \dots, x^N , które są i.i.d. i mają (warunkowy) rozkład v . Oznaczając $v^N = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N \delta_{x^i}$ mamy:

$$E[|\langle v - v^N, \phi \rangle| | \mathcal{F}] \leq \frac{\|\phi\|}{\sqrt{N}}, \quad \forall \phi \in \mathcal{B}(\mathcal{X})$$

Lemat 2

Założmy, że $\forall \phi \in \mathcal{B}(\mathcal{X}) |\langle \mu - v, \phi \rangle| \leq c \|\phi\|$ gdzie c to dodatnia stała oraz $\mu' = \frac{\mu \Psi}{\langle \mu, \Psi \rangle}$. Wtedy:

$$|\langle \mu' - v', \phi \rangle| \leq c \|\Psi\| \|\phi\|, \quad \forall \phi \in \mathcal{B}_+(\mathcal{X})$$

Twierdzenie 2

Bez straty ogólności zakładamy, że $\forall x \in \mathcal{X} \ H(x) > 0$. Ustalmy, że wstępny rozkład to v , a jego gęstość to v^d , to przy założeniu 1:

$$E[|\langle \mu_k - \pi_k, \phi \rangle| | \mathcal{F}] \leq c_k \|\phi\|, \quad \forall \phi \in \mathcal{B}_+(\mathcal{X})$$

, gdzie:

$$c_k = \begin{cases} \frac{\|\pi_0^d/v^d\|^2}{N_0}, & k = 0 \\ (1 - \epsilon_k) \left(\frac{1}{\sqrt{N_k}}\right) + \exp(H^* \Delta_k) c k_1, & k > 0 \end{cases} \quad (3)$$

Następstwo twierdzenia 2

Jeśli $T_k = T_0 / \log(k+1)$, $\varepsilon_k \lambda(\mathcal{X}) = \varepsilon < 1$, gdzie,
 $\varepsilon > (1/2)^{1 - \frac{H_u - H_l}{T_0}}$ oraz $\frac{H_u - H_l}{T_0} < 1$ i $\{N_k\}$ wzrasta wystarczająco
szybko wraz z wzrostem k , to:

$$k \rightarrow \infty \implies \{c_k\} \rightarrow 0$$

Porównanie SMC-SA do multi-start SA

Multi-start SA - co to?

SA, w którym korzystamy z wielu punktów które NIE WCHODZA w interakcje między sobą

Rozkłady

v - startowy rozkład, a η_k^N - rozkład empiryczny generowany przy k -tej iteracji:

$$v \rightarrow \eta_0^N \rightarrow \eta_1^N = \eta_0^N P_1 \rightarrow \dots \rightarrow \eta_k^N = \eta_{k-1}^N P_k$$

Lemat 3

Jeśli weźmiemy taki rozkład prawdopodobieństwa ζ , że spełnia $|\langle \zeta - \pi_{k-1}, \phi \rangle| = |\langle \mu_{k-1} - \pi_{k-1}, \phi \rangle| \leq c_{k-1} \|\phi\|$, jeśli c_{k-1} jest wystarczająco mały, to:

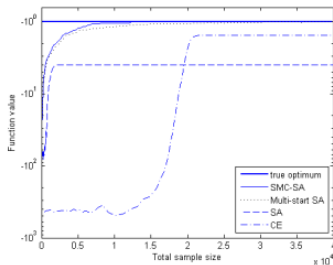
$$|\langle \tilde{\mu}_k - \pi_k, \phi \rangle| < |\langle \zeta - \pi_k, \phi \rangle|$$

Problemy optymalizacyjne, których użyjemy do porównania

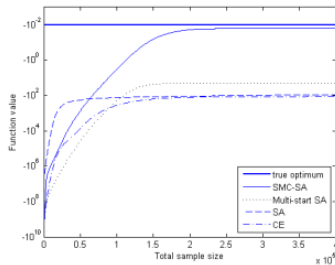
- 5. Funkcja Dejong'a (H_a)
- 20-wymiarowa funkcja Powel'a (H_b)



	H^*	SMC-SA		multi-start SA		standard SA	
		$\bar{H}^*(std_err)$	M_ε	$\bar{H}^*(std_err)$	M_ε	$\bar{H}^*(std_err)$	M_ε
H_a	-0.998	-0.998(1.34E-7)	100	-1.0024(0.0014)	19	-3.999(0.2117)	4
H_b	-0.01	-0.0164(4.95E-4)	81	-20.46(4.26)	0	-89.63(1.277)	0

(a) 2-D Dejong's 5th function



(b) 20-D Powel function



-  Enlu Zhou i Xi Chen (2011) *Sequential Monte Carlo Simulated Annealing*, Springer Science+Business Media
-  H. E. Romeijn i R. L. Smith *Simulated annealing for constrained global optimization*, Journal of Global Optimization