# 一. (30 points) 机器学习导论复习题 (前八章)

高级机器学习的课程学习建立在机器学习导论课程的基础之上,从事机器学习行业相关科研工作需要较为扎实的机器学习背景知识。下面的题目则对机器学习基础知识进行复习。

- 1. (10 points) 在现实中的分类任务通常会遇到类别不平衡问题,即分类任务中不同类别的训练样例数目类别差别很大,很可能导致模型无法学习。(a) 请介绍类别不平衡学习常用的策略。(b) 假定当前数据集中每个样本点包含了  $(x_i,y_i,p_i)$ ,其中  $x_i,y_i,p_i$  分别表示第 i 个样本的特征向量,类别标签,和样本的重要程度, $0 \le p_i \le 1$ 。对于 SVM,任意误分样本点  $x_i$  的惩罚用  $p_i$  代替,请在西瓜书  $p_i$  70 页公式 (6.35) 的基础上修改出新的优化问题,并给出对偶问题的推导。
- 2. (20 points) 通常情况下,模型会假设训练样本所有属性变量的值都已被观测到,但现实中往往会存在属性变量不可观测,例如西瓜根蒂脱落了,就无法观测到该属性值,此时问题就变成了有"未观测"变量的情况下,对模型参数进行估计。EM(Expectation-Maximization) 算法为常用的估计参数隐变量的方法。(a) 假设有 3 枚硬币,分别记作 A,B,C。这些硬币正面出现的概率分别是 a,b,c.进行如下投掷实验: 先投掷硬币 A,根据其结果选出硬币 B 或者硬币 C,正面选硬币 B,反面选硬币 C;然后投掷选出的硬币,投掷硬币的结果,出现正面记作 1,出现反面记作 0;独立地重复 n 次实验。假设只能观测到投掷硬币的结果,不能观测投掷硬币的过程。问如何估计三硬币正面出现的概率。请基于 EM 算法思想详细地写出 E 步和 M 步的推导步骤。(b) 经典的聚类算法 K-means 就是 EM 算法的一种特殊形式,K-means 也被称为 hard EM。请使用 EM 算法的思想解释 K-means,并对比 K-means 和 EM 算法的不同之处。

# 解:

- 1. (a) 我们可以采用"再缩放"的思想,具体做法可以有如下几种:
  - 一、欠采样:减少训练集中的多数类样本使得各个类别样本数目相近,再进行学习,如 EasyEnsemble 和 BalanceCascade 算法。
  - 二、过采样:即增加一些少数类样本使得各个类别样本数目接近,然后再进行学习,如SMOTE 算法等。
  - 三、阈值移动:在数据不平衡时,默认的阈值会导致模型输出倾向于类别数据多的类别,阈值移动通过改变决策阈值来偏重少数类。比如线性分类器  $y=w^Tx+b$  就是用计算出的 y 与阈值 (默认 0.5) 比较,大于则分为正例,反之则分为反例。为了避免类别不平衡的影响,我们对决策规则做如下修正:

$$\frac{y}{1-y}>1, 预测为正 \Rightarrow \frac{y}{1-y}*\frac{m^-}{m^+}>1, 预测为正$$

其中  $m^+, m^-$  分别是样本中正例,反例的数目 此外,对于上式中的  $m^-/m^+$ ,若用  $cost^+/cost^-$ (正例误分为反例的代价/反例误分为正例的代价) 代替,就是代价敏感学习。

(b) 优化问题为:

$$\min_{\boldsymbol{w},b,p_i} \frac{1}{2} ||\boldsymbol{w}||^2 + C \sum_{i=1}^m p_i \zeta_i$$
s.t.  $y_i(\boldsymbol{w}^T \boldsymbol{x_i} + b) \ge 1 - \zeta_i, \ i = 1, 2, ..., m$ 
 $\zeta_i \ge 0, \ i = 1, 2, ..., m$ 

对偶问题的推导: 先写出拉格朗日函数

$$L(\boldsymbol{w}, b, \boldsymbol{\alpha}, \boldsymbol{\zeta}, \boldsymbol{\mu}) = \frac{1}{2} ||\boldsymbol{w}||^2 + C \sum_{i=1}^{m} p_i \zeta_i + \sum_{i=1}^{m} \alpha_i (1 - \zeta_i - y_i (\boldsymbol{w}^T \boldsymbol{x}_i + b)) - \sum_{i=1}^{m} \mu_i \zeta_i$$

其中  $\alpha_i \ge 0$ ,  $\mu_i \ge 0$  是拉格朗日乘子 接下来分别对  $\boldsymbol{w}, b, \zeta_i$  求偏导并令其 = 0 可得

$$\begin{cases} \boldsymbol{w} = \sum_{i=1}^{m} \alpha_i y_i \boldsymbol{x}_i \\ 0 = \sum_{i=1}^{m} \alpha_i y_i \\ Cp_i = \alpha_i + \mu_i \end{cases}$$

将这三个式子代入拉格朗日函数即可得到对偶问题:

$$\max_{\alpha} \sum_{i=1}^{m} \alpha_i - \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{m} \alpha_i \alpha_j y_i y_j \boldsymbol{x}_i^T \boldsymbol{x}_j$$

$$s.t. \quad \sum_{i=1}^{m} \alpha_i y_i = 0$$

$$0 \le \alpha_i \le Cp_i, \ i = 1, 2, ..., m$$

2. (a) 记参数  $\theta = (a,b,c)$ ,硬币 A 的投掷结果无法观测,为隐变量  $Z = (Z_1,Z_2,...,Z_n)^T$ ,第二次投掷的硬币结果为可观测变量  $Y = (Y_1,...,Y_n)^T$  在一次投掷中,得到结果 y = 0,1 的概率  $P(y|\theta) = ab^y(1-b)^{1-y} + (1-a)c^y(1-c)^{1-y}$  我们可以写出似然函数

$$P(Y|\theta) = \prod_{j=1}^{n} [ab^{y_j} (1-b)^{1-y_j} + (1-a)c^{y_j} (1-c)^{1-y_j}]$$

需要求解参数的最大似然估计

$$\hat{\theta} = \arg\max_{\theta} \log P(Y|\theta)$$

首先对参数进行初始化 (随机初始化即可),得到  $\theta^{(0)}=(a^{(0)},b^{(0)},c^{(0)})$ ,接下来按照如下步骤迭代,直到收敛或者达到迭代次数为止,记第 i 次迭代时的参数为  $\theta^{(i)}=(a^{(i)},b^{(i)},c^{(i)})$ ,第 i+1 次迭代如下:

**E** 步: 计算在参数  $\theta^{(i)}$  下观测到的数据  $y_j$  来自硬币 B 的概率

$$\mu_j^{(i+1)} = \frac{a^{(i)}(b^{(i)})^{y_j}(1-b^{(i)})^{1-y_j}}{a^{(i)}(b^{(i)})^{y_j}(1-b^{(i)})^{1-y_j} + (1-a^{(i)})(c^{(i)})^{y_j}(1-c^{(i)})^{1-y_j}}$$

M 步: 对参数值进行更新

$$a^{(i+1)} = \frac{1}{n} \sum_{j=1}^{n} \mu_j^{i+1}$$

$$b^{(i+1)} = \frac{\sum_{j=1}^{n} \mu_j^{(i+1)} y_j}{\sum_{j=1}^{n} \mu_j^{(i+1)}}$$

$$c^{(i+1)} = \frac{\sum_{j=1}^{n} (1 - \mu_j^{(i+1)} y_j)}{\sum_{j=1}^{n} (1 - \mu_j^{(i+1)})}$$

(b)K-means 在一次迭代中的两步,可以分别看作是 EM 算法的 E 步和 M 步。

其中, 把各样本点依据到簇中心的距离分到最近的簇对应于 E 步

更新各簇的均值向量作为新的簇中心对应于 M 步

区别: K-Means 算法中每次对参数的更新是硬猜测, 而 EM 中每次对参数的更新是软猜测

# 二. (25 points) 主成分分析

主成分分析 (Principal Component Analysis, PCA) 是一种经典的无监督降维技术,可以有效减少数据维度,避免维度灾难。实际上,涉及 PCA 的算法有非常多,下面的题目将逐步引入更多关于 PCA 的内容。

- 1. (5+5 points) 关于 PCA,教材中给出了最近重构性和最大可分性两种推导方法,但是该方法将多个主成分在一起推导。实际上,有另外一种 Step-by-step 的推导方法更为具体。假设数据矩阵  $X \in \mathcal{R}^{n \times d}$  包含  $n \uparrow d$  维度的样本,每个样本记作  $x_i \in \mathcal{R}^d$ 。下面基于 Step-by-step 的最大可分性 进行推导。最大可分性的假设偏好是:样本在低维空间尽可能分散。(a) 假设选取第一个主成分为  $w \in \mathcal{R}^d$ ,需要满足  $\|w\|_2^2 = 1$ ,那么样本投影到该主成分的投影点为  $w^Tx_i$ ,然后我们需要最大化投影点之间的方差,试写出具体的优化目标,并分析其与瑞利商(Rayleigh quoient)的关系。可假设数据已经中心化。(b) 在选取第一个主成分 w 之后,需要求解第二个主成分 v,要满足和第一个主成分向量正交,即  $v^Tw=0$ ,此时可以考虑将样本  $x_i$  分解为两个成分:沿着 w 的向量和垂直于 w 的向量。最后只需要对于垂直的部分选取第二个主成分即可。试给出具体的分解方法以及后续选取第二个主成分的推导过程。
- 2. (5+5 points) 假设 PCA 得到的映射矩阵 (主成分组成的矩阵) 为  $W \in \mathcal{R}^{d \times d'}$ , 那么对数据矩阵  $X \in \mathcal{R}^{n \times d}$  降维的过程是:  $XW \in \mathcal{R}^{n \times d'}$ 。该过程可以看作是神经网络中不带有偏置 (bias) 的一层 全连接映射。那么: (a) 基于最近重构性的 PCA 推导方法和 AutoEncoder 有什么关系? 试分析二者的区别和联系 (可以从公式、优化、实验效果等角度进行分析)。(b) 一般地,在深度神经网络中,对于全连接层会加入正则化项,例如二范数正则化  $\|W\|_2^2$ ,在 PCA 中是否可以同样地对 W 施加正则化项呢? 试给出具体的优化目标以及大概如何求解。(可参考 Sparse PCA 相关内容,只需说出求解优化问题的方法,无需给出具体求解算法和过程)。
- 3. (5 points) (任选一题) 上题谈到了 PCA 和深度神经网络,我们知道深度神经网络一般基于梯度自动回传来进行反向传播,其自动梯度计算过程在 PyTorch、Tensorflow 等工具包中已经被实现。试问: (a) 请调研 sklearn 中实现的 SVD 的方法,试比较其提供的 FullSVD、TruncatedSVD、RandomizedSVD 等 SVD 的区别,如果有实验效果对比图 (性能、运行效率)则更佳。(b) 试问在 PyTorch 中是否可以对 SVD 进行自动计算梯度,如有,请简单介绍其原理。

# 解:

1. (a)

我们的目标是最大化方差

$$Var(w^{T}x_{i}) = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} (w^{T}x_{i} - \frac{1}{m} (\sum_{i=1}^{m} w^{T}x_{i}))^{2}$$

考虑到样本已经中心化,即均值为零,忽略系数后我们要最大化  $\sum\limits_{i=1}^m (w^Tx_i)^2$  此时优化问题为:

$$\max_{w} \sum_{i=1}^{m} (w^{T} x_{i})^{2} = w^{T} X^{T} X w$$
s.t. 
$$w^{T} w = 1$$

再做整理可得

$$w = \arg\max \frac{w^T X^T X w}{w^T w}$$

等式右边即为瑞利商,最大值即为  $X^TX$  的最大的特征值,此时 w 为对应的单位特征向量

(b)

对于向量 x, 其与 w 平行的分量为  $w^T x_i * w$ , 故对所有  $x_i$  减去与 w 平行的部分,得到  $x_i' = x_i - w^T x_i * w$ 

 $(^{\circ}$  分解方法为  $x_i = w^T x_i * w$  (平行于 w) +  $(x_i - w^T x_i * w)$  (垂直于 w))

此时对应的数据矩阵  $X' = X - Xww^T$ ,该矩阵中保留了全部垂直于 w 的向量,故对该部分数据选取第二主成分。

我们有

$$v = \arg\max \frac{v^T (X')^T X' v}{v^T v}$$

可以求得  $v \in (X')^T X'$  的最大特征值对应的单位特征向量,即  $X^T X$  的第二大特征值对应的单位特征向量。

2. (a)

- (1)、这二者都可以用来降低数据维数,但是 PCA 无法用于学习非线性特征,AutoEncoder 可以。
- (2)、PCA 在降维后,必然存在信息损失,但是 Autoencoder 降维的方法是对数据进行数据编码再进行解码,之后最小化原数据与解码数据之间的误差从而学习到变换矩阵,这种方法虽然损失很小,但要付出更多的计算量。
- (3)、从公式上看,基于最近重构性的 PCA 要最小化函数

$$\sum_{i=1}^m ||\sum_{j=1}^{d'} z_{ij} m{w}_j - m{x}_j||_2^2$$

其中,d' 为降维后的空间的维数, $w_j$  是低维空间的第 j 个标准正交基向量, $z_{ij}$  为原样本点投影到新坐标系的相应系数。

而 Autoencoder 则是最小化

$$\sum_{i=1}^{m} ||x_i' - x_i||_p^p$$

其中 $x_i$ 是原数据, $x_i'$ 是编码后再解码的数据,求解时通常基于反向传播算法。

(b) 优化问题如下:

$$\underset{A,B}{\operatorname{arg\,min}} \sum_{i=1}^{n} ||x_i - AB^T x_i||_2^2 + \lambda_1 \sum_{j=1}^{k} ||\beta_j||_2^2 + \lambda_2 \sum_{j=1}^{k} ||\beta_j||_1$$
s.t. 
$$A^T A = I^{k*k}$$

其中  $A = [\alpha_1, \alpha_2, ..., \alpha_k]$  为前 k 个非稀疏主成分, $B = [\beta_1, ..., \beta_k]$  为前 k 个稀疏主成分。求解方法大致为:

- 1、固定 A,利用  $L_1$  正则化求解线性回归问题从而得到 B
- 2、固定 B, 利用  $X^TXB = U\Sigma V^T$ ,  $A^* = UV^T$  求解最优解  $A^*$ 。

## 3. (a) 区别如下:

FULLSVD 是直接计算 m\*n 矩阵 A 的奇异值分解  $(A=U\Sigma V^T)$ ,返回  $U,s,V^T$  的结果  $(\Sigma$  作为列向量 s 返回),并且对 s 中的奇异值从大到小排序,fullsdiag() 可以将列向量 s 转化为奇异值分解中的矩阵  $\Sigma$ 

TruncatedSVD 是实现 SVD 的一种变体,通过截断奇异值分解进行降维,它只计算 k(由用户指定) 个最大奇异值,即  $X \approx X_k = U_k \Sigma_k V_k^T$ ,当应用于单词-文本矩阵时,这种变换即为潜在语义分析 (LSA)。并且,这种变换适用于任何特征矩阵。

RandomizedSVD 用于计算截断的随机 SVD,通过随机化来找到(通常表现非常好的)近似截断奇异值分解来加速计算,尤其是在只保留少量特征的大型矩阵上有着优异的表现。下表是对于一个随机生成的 1500 \* 1500 矩阵,三种方法作奇异值分解各自消耗的时间(截断奇异值分解取 k=300,表现最佳的数据用红色表示):

实验次数	FullSVD	TruncatedSVD	RandomizedSVD
1	2811.2144 ms	1091.3017 ms	838.4232 ms
2	2269.7217 ms	888.2902ms	633.3055 ms
3	2992.6169 ms	1138.2227ms	632.8134 ms
4	3148.6489 ms	1132.6401ms	666.2230 ms
5	3089.3362 ms	1359.3519 ms	812.2656ms

实验体现出来的运行性能和三种 SVD 的描述相对应的情况还是很吻合的, FullSVD 最慢, 截断奇异值分解次之, 随机截断奇异值分解最快。

# 三. (15 points) 降维与度量学习

降维与度量学习包含多种算法,例如 PCA、NCA、LLE、MDS 等等。接下来的几个题目会拓展大家对这些算法的认知范围。最后两道任选一题即可。

- 1. (5 points) 近邻成分分析 (Neighbourhood Component Anslysis, NCA) 是基于 KNN 分类器的有监督降维算法。其优化目标主要是: $f = \sum_{i=1}^n p_i = \sum_{i=1}^n \sum_{j \in C_i} p_{ij}$ ,其中  $C_i = \{j | y_j = y_i\}$  表示与第i 个样本类别一样的下标集合, $p_{ij} = \frac{\exp(-\|Ax_i Ax_j\|_2^2)}{\sum_{k \neq i} \exp(-\|Ax_i Ax_k\|_2^2)}$ , $j \neq i, p_{ii} = 0$  表示将第 i 个数据和其余所有样本的近邻概率分布 (NN 分类过程),距离越近其对应的  $p_{ij}$  越大,f 的目标则是最大化留一验证近邻分类的准确性。 $A \in \mathcal{R}^{d' \times d}$  是待优化的映射矩阵。试推导其梯度  $\frac{\partial f}{\partial A}$ 。
- 2. (10 points) 在自然语言处理领域,潜在语义分析 (Latent Semantic Analysis, LSA) 可以从文档-词矩阵中学习到文档表示、词表示,本质上也是对矩阵进行分解,试查阅相关资料,描述其具体步骤。并简述其与 PCA 的区别。
- 3. (10 points) 根据局部线性嵌入 (Locally Linear Embedding, LLE) 的算法流程,尝试编写 LLE 代码,可以基于 sklearn 实现,并在简单数据集 ("S" 型构造数据或 Mnist 等) 上进行实验,展示实验结果。

#### 解:

1. 方便起见记  $g_{ij} = exp(-||Ax_i - Ax_j||_2^2)$ ,此时  $p_{ij} = \frac{g_{ij}}{\sum_{k \neq i} g_{ik}}$ 根据链式法则,一步一步求导

$$\frac{\partial p_{ij}}{\partial A} = \frac{1}{(\sum_{k \neq i} g_{ik})^2} \left(\frac{\partial g_{ij}}{\partial A} \sum_{k \neq i} g_{ik} - g_{ij} \sum_{k \neq i} \frac{\partial g_{ik}}{\partial A}\right) \quad (1)$$

再求  $g_{ij}$  对 A 的偏导

$$\frac{\partial g_{ij}}{\partial A} = -2g_{ij}A(x_i - x_j)(x_i - x_j)^T \tag{2}$$

然后再求 f 对 A 的偏导

$$\frac{\partial f}{\partial A} = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j \in C} \frac{\partial p_{ij}}{\partial A}$$

将(2)式代人(1)消去 $g_{ij}$ 后再把 $p_{ij}$ 的偏导代入梯度表达式,即可得到要求的梯度。

此处省略化简过程,直接给出计算的结果

$$\frac{\partial p_{ij}}{\partial A} = -2p_{ij}A[(x_i - x_j)(x_i - x_j)^T - \sum_{k \neq i} p_{ik}(x_i - x_k)(x_i - x_k)^T]$$

$$\frac{\partial f}{\partial A} = 2A \sum_{i} \left[ p_{i} \sum_{k \neq i} p_{ik} (x_{i} - x_{k}) (x_{i} - x_{k})^{T} - \sum_{j \in C_{i}} p_{ij} (x_{i} - x_{j}) (x_{i} - x_{j})^{T} \right]$$

2. 首先,要介绍话题向量空间,对于单词-文本矩阵 X,他构成原始的单词向量空间,每一列是一个文本在单词向量空间中的表示。假设所有文本共包含了 k 个话题,每个话题由一个定义在单词集合 W 上的 m 维向量表示 (即话题向量),那么这 k 个话题向量就张成了一个话题向量空间。

潜在语义分析算法,就是对单词-文本矩阵进行奇异值分解,将其左矩阵作为话题向量空间,对 角矩阵和右矩阵的乘积作为文本在话题向量空间中的表示。其步骤大致如下:

(1)、给定文本集合  $D = \{d_1, ..., d_n\}$  和单词集合  $W = \{w_1, ...w_m\}$ ,将其表示成一个单词-文本矩阵:

$$X = \begin{bmatrix} x_{11} & x_{12} & \dots & x_{1n} \\ x_{21} & x_{22} & \dots & x_{2n} \\ \dots & \dots & \dots & \dots \\ x_{m1} & x_{m2} & \dots & x_{mn} \end{bmatrix}$$

其中,  $x_{ij}$  表示单词  $w_i$  在文本  $d_j$  中出现的权值

(2)、根据给定的话题数 k 对单词-文本矩阵 X 进行截断奇异值分解

$$X \approx U_k \Sigma_k V_k^T = [u_1 ... u_k] \begin{bmatrix} \sigma_1 & 0 & 0 & ... \\ 0 & \sigma_2 & 0 & ... \\ 0 & 0 & \ddots & 0 \\ 0 & 0 & ... & \sigma_k \end{bmatrix} \begin{bmatrix} v_1^T \\ v_2^T \\ \vdots \\ v_k^T \end{bmatrix}$$

在该式子中, $k \le n \le m$ , $U_K$  是 m\*k 矩阵,它的列由 X 的前 k 个互相正交的左奇异向量组成, $\Sigma_k$  是 k 阶对角方阵,对角元素为前 k 个最大奇异值, $V_k$  是 n\*k 矩阵,它的列由 X 的前 k 个互相正交的右奇异向量组成。

 $U_k$  中的每一个列向量表示一个话题 (即话题向量),这 k 个话题向量张成一个子空间  $U_k$  就称为话题向量空间。

接下来考虑文本在话题空间的表示,由截断奇异值分解:  $X \approx U_k \Sigma_k V_k^T$ ,故 X 的第 j 列向量  $x_i$  满足

$$x_j \approx U_k(\Sigma_k V_k^T)_j = \sum_{l=j}^k \sigma_l v_{jl} u_l, \ j = 1, ..., n$$

其中  $(\Sigma_k V_k^T)_j$  是矩阵  $(\Sigma_k V_k^T)$  的第 j 列向量,上式是文本  $d_j$  的近似表达式,由 k 个话题向量的线性组合表示。对于矩阵  $(\Sigma_k V_k^T)$ ,其每一个列向量都是一个文本在话题向量空间的表示

## LSA 与 PCA 的区别:

- (1)、LSA 本质上做的就是奇异值分解,只是对分解后的各个矩阵赋予了实际意义的解释;而 PCA 中,奇异值分解只是一种求解方法,并没有涉及到其本质。
- (2)、LSA 是寻找 F 范数中的最佳线性子空间, PCA 则是寻找最佳仿射线性子空间。

## 四. (15 points) 特征选择基础

Relief 算法中,已知二分类问题的相关统计量计算公式如下:

$$\delta^{j} = \sum_{i} -\operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, nh}^{j}\right)^{2} + \operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, nm}^{j}\right)^{2} \tag{1}$$

多分类的 Relief-F 算法的相关统计量计算公式如下:

$$\delta^{j} = \sum_{i} -\operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, \text{nh}}^{j}\right)^{2} + \sum_{l \neq k} \left(p_{l} \times \operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, l, \text{nm}}^{j}\right)^{2}\right) \tag{2}$$

其中  $p_l$  为第 l 类样本在数据集 D 中所占的比例。然而仔细观察可发现,二分类问题中计算公式的后一项  $\operatorname{diff}\left(x_i^j,x_{i,\mathrm{nm}}^j\right)^2$  的系数为 1,多分类问题中后一项系数求和小于 1,即  $\sum_{l\neq k}p_l=1-p_k<1$ 。基于这个发现,请给出一种 Relief-F 算法的修正方案。

## 解:

将  $p_l$  替换为  $\frac{p_l}{1-p_k}$ , 此时多分类问题后一项的系数为  $\sum_{l\neq k} \frac{p_l}{1-p_k} = \frac{\sum_{l\neq k} p_l}{1-p_k} = \frac{1-p_k}{1-p_k} = 1$ , 修正完成。

## 五. (15 points) 特征选择拓展

本题借助强化学习背景,主要探讨嵌入式选择在强化学习中的应用。强化学习可以看作一种最大化奖励(也就是目标)的机器学习方法,目的是学习到一个策略,使得执行这个策略获得的奖励值最大。基于TRPO(一种强化学习方法)的近似方法的近似问题如下

$$\max_{\theta} \quad \left(\nabla L_{\theta_{\text{old}}}(\theta)\right)^{T} (\theta - \theta_{\text{old}})$$
s.t. 
$$\frac{1}{2} (\theta - \theta_{\text{old}})^{T} H (\theta - \theta_{\text{old}}) \leq \delta$$
(3)

这里采用了参数化表示方法,其中  $\theta$  表示新策略, $\theta_{\rm old}$  表示旧策略,方法需要通过策略的目标函数  $L_{\theta_{\rm old}}$  来更新旧策略,最终目标是学习到最大化目标函数的新策略。这里要最大化的表达式可以对应理解为最小化损失函数,即类似于课本 252 页式 (11.5)。

如果将目标 L 分解为很多个子目标,即  $L=[L_1,L_2,\ldots,L_n]^T$ ,每个目标对应相应的权重  $w=[w_1,w_2,\ldots,w_n]^T$ ,新方法 (称为 ASR 方法) 的优化目标如下

$$\max_{w} \max_{\theta} \left( \nabla \left( L^{T} w \right) \right)^{T} (\theta - \theta_{\text{old}})$$
s.t. 
$$\frac{1}{2} (\theta - \theta_{\text{old}})^{T} H (\theta - \theta_{\text{old}}) \leq \delta$$

$$\|w\|_{1} = 1$$

$$w_{i} \geq 0, \quad i = 1, 2, \dots, n$$

$$(4)$$

问:

- 1. (10 points) 尝试分析 ASR 方法中加入 w 的 L1 范数约束的现实意义。(提示: 不同目标对应的参数  $w_i$  是需要学习的参数。原目标 L 现由多个子目标组成,每个子目标的质量良莠不齐)
- 2. (5 points) 在 ASR 方法基础上提出的 BiPaRS 方法解除了 w 的 L1 范数这一限制,使得更多样 w 可以出现、更多种 L 可以被使用。结合这一点,论述特征选择需要注意的事项。

# 解:

- 1. 加入 w 后,我们对每个  $L_i$  就赋予了一个权重,通过调整不同质量的子目标的权重,可以使得优化更具有针对性,效果也更好。 使用 w 的  $L_1$  范数进行约束,计算上更加简便,同时也更便于理解 w 的意义。
- 2. 在特征选择中, 我们需要注意保留特征的数目, 即不能过多, 又不能过少。

选取的特征过多时,可能仍然存在一部分冗余特征,不仅不能有效降低训练模型的开销,对模型的准确度也有负面影响;此外,由于去除的特征数量少,也无法完全规避过拟合的风险。

选取的特征过少时,很容易出现欠拟合问题,同样不利于提升模型的准确度。