



Delil Chincoya

Doctora en Ciencias

Especialista en el manejo de grandes volúmenes de datos y en el uso de algoritmos para clasificar y analizar patrones complejos. Bióloga de formación con doctorado en Ciencias y autodidacta en ciencia de datos, con proyectos que integran análisis estadístico, aprendizaje automático supervisado y no supervisado, y visualización de datos. Apasionada por resolver problemas complejos mediante el uso de datos y algoritmos, con un enfoque en obtener resultados prácticos y eficientes. Destaco por mi pensamiento analítico y capacidad de resolución de problemas. Soy una persona adaptable, resiliente y perseverante que se comunica de forma efectiva con los equipos con los que colabora.

Contacto

Teléfono

55 77 46 74 92

Email

chincoya.delil@gmail.com

Educación

2023

Doctorado en Ciencias

Posgrado en Ciencias Biológicas, UNAM

Grado obtenido con Mención Honorífica

2019

Maestría en Ciencias

Posgrado en Ciencias Biológicas, UNAM

Grado obtenido con Mención Honorífica

2017

Licenciatura en Biología

Posgrado en Ciencias Biológicas, UNAM

Habilidades

- **Lenguajes de programación:**
Python | Perl | Bash
- **Herramientas de análisis:**
NumPy | Pandas | Matplotlib
Seaborn | Scikit-learn
- **Bases de datos:**
MySQL
- **Otros:**
VS Code | Miniconda | GitHub
Jupyter Notebooks | Docker

Idiomas

Español: Nativo

Inglés: B2 | Intermedio

Experiencia

2023 - 2024

UNAM | Facultad de Estudios Superiores Iztacala

Profesora de Asignatura

Impartí la materia de Evolución a Nivel Molecular para estudiantes de la Licenciatura en Biología. Enseñar esta materia requirió comunicar de manera efectiva conceptos complejos a alumnos que estaban iniciando su especialización en el manejo de datos genéticos. Implementé una estrategia didáctica enfocada en que los alumnos comprendieran los fundamentos de la obtención, análisis e interpretación de datos genéticos, preparándolos para aplicarlos en proyectos reales.

2019 - 2023

UNAM | Facultad de Estudios Superiores Iztacala

Proyecto de investigación

En este proyecto utilicé algoritmos para clasificar especies en función de su similitud genética, trabajando con grandes volúmenes de datos de ADN. Integré información de diversas fuentes, como datos genéticos y distribución geográfica, para modelar el origen temporal y espacial de especies de un grupo de cactus.

Este trabajo combinó habilidades de análisis estadístico, manejo de bases de datos y visualización de resultados, aplicando herramientas computacionales para resolver problemas biológicos complejos.

2017 - 2019

UNAM | Facultad de Estudios Superiores Iztacala

Proyecto de investigación

Diseñé y ejecuté un proceso para ensamblar (organizar linealmente) secuencias de ADN en genomas completos de cloroplasto (material genético específico de plantas) de tres especies de cactus.

Implementé métodos computacionales para identificar regiones genómicas específicas que permitieran agrupar especies según su similitud genética.

Este proyecto fue pionero en México, siendo la primera vez que un grupo de investigación mexicano publicó genomas completos de cloroplasto.

Requirió manejo de datos genómicos, desarrollo de pipelines bioinformáticas y habilidades para comunicar resultados de manera efectiva a la comunidad científica.