



# Delil Chincoya

## Doctora en Ciencias

Profesional con sólida experiencia en el análisis, tratamiento estadístico e implementación de algoritmos aplicados a datos complejos, desarrollada a través de proyectos de filogenómica y bioinformática durante la maestría y el doctorado en Ciencias. Autodidacta en ciencia de datos, con habilidades en aprendizaje automático supervisado y no supervisado, así como en visualización de datos. Destaco por mi pensamiento analítico y capacidad para resolver problemas. Soy una persona adaptable, resiliente y perseverante que se comunica de forma efectiva con los equipos con los que colabora.

## Contacto

### Teléfono

55 77 46 74 92

### Email

chincoya.delil@gmail.com

## Educación

2023

### Doctorado en Ciencias

Posgrado en Ciencias Biológicas, UNAM

Grado obtenido con Mención Honorífica

2019

### Maestría en Ciencias

Posgrado en Ciencias Biológicas, UNAM

Grado obtenido con Mención Honorífica

2017

### Licenciatura en Biología

Posgrado en Ciencias Biológicas, UNAM

## Habilidades

- **Lenguajes de programación:**  
Python | Perl | Bash
- **Herramientas de análisis:**  
NumPy | Pandas | Matplotlib  
Seaborn | Scikit-learn
- **Bases de datos:**  
MySQL
- **Otros:**  
VS Code | Miniconda | GitHub  
Jupyter Notebooks | Docker

## Idiomas

Español: Nativo

Inglés: B2 | Intermedio

## Experiencia

○ 2023 - 2024

UNAM | Facultad de Estudios Superiores Iztacala

### Profesora de Asignatura

Impartí la materia de Evolución a Nivel Molecular para estudiantes de la Licenciatura en Biología. Enseñar esta materia requirió comunicar de manera efectiva conceptos complejos a alumnos que estaban iniciando su especialización en el manejo de datos genéticos. Implementé una estrategia didáctica enfocada en que los alumnos comprendieran los fundamentos de la obtención, análisis e interpretación de datos genéticos, preparándolos para aplicarlos en proyectos reales.

○ 2019 - 2023

UNAM | Facultad de Estudios Superiores Iztacala

### Proyecto de investigación

En este proyecto utilicé algoritmos para clasificar especies en función de su similitud genética, trabajando con grandes volúmenes de datos de ADN. Integré información de diversas fuentes, como datos genéticos y distribución geográfica, para modelar el origen temporal y espacial de especies de un grupo de cactus.

Este trabajo combinó habilidades de análisis estadístico, manejo de bases de datos y visualización de resultados, aplicando herramientas computacionales para resolver problemas biológicos complejos.

○ 2017 - 2019

UNAM | Facultad de Estudios Superiores Iztacala

### Proyecto de investigación

Diseñé y ejecuté un proceso para ensamblar (organizar linealmente) secuencias de ADN en genomas completos de cloroplasto (material genético específico de plantas) de tres especies de cactus.

Implementé métodos computacionales para identificar regiones genómicas específicas que permitieran agrupar especies según su similitud genética.

Este proyecto fue pionero en México, siendo la primera vez que un grupo de investigación mexicano publicó genomas completos de cloroplasto.

Requirió manejo de datos genómicos, desarrollo de pipelines bioinformáticas y habilidades para comunicar resultados de manera efectiva a la comunidad científica.