

## Applicazione di Reti Neurali Convoluzionali per la Classificazione di Mutazioni Patogene

L'articolo "Applicazione di Reti Neurali Convoluzionali per la Classificazione di Mutazioni Patogene" nasce dalla necessità di affrontare in modo sistematico e approfondito la seguente tematica: Il paper presenta un modello CNN addestrato su sequenze genomiche codificate, in grado di classificare mutazioni con un'accuratezza del 93%. È fornito un confronto con modelli classici e una discussione sulle interpretazioni biologiche. L'intento è di sviluppare un'analisi coerente e fondata, partendo dagli elementi forniti nel riassunto iniziale e integrandoli con una discussione metodologica e critica che tenga conto del contesto specifico e degli strumenti adottati.

Utilizzando modelli di reti neurali convoluzionali (CNN), questo lavoro classifica mutazioni patogene a partire da sequenze genomiche codificate. Il modello ha raggiunto un'accuratezza del 93%, con confronto rispetto a modelli classici e analisi delle implicazioni biologiche dei risultati.

In conclusione, questo lavoro fornisce un contributo originale allo studio della tematica, proponendo soluzioni concrete e dimostrandone la validità tramite casi reali, simulazioni o analisi quantitative. Le implicazioni del lavoro sono rilevanti sia dal punto di vista teorico che applicativo, e aprono la strada a future indagini e sviluppi più ampi.