# 一. (30 points) 机器学习导论复习题 (前八章)

高级机器学习的课程学习建立在机器学习导论课程的基础之上,从事机器学习行业相关科研工作需要较为扎实的机器学习背景知识。下面的题目则对机器学习基础知识进行复习。

- 1. (10 points) 在现实中的分类任务通常会遇到类别不平衡问题,即分类任务中不同类别的训练样例数目类别差别很大,很可能导致模型无法学习。(a) 请介绍类别不平衡学习常用的策略。(b) 假定当前数据集中每个样本点包含了  $(x_i,y_i,p_i)$ ,其中  $x_i,y_i,p_i$  分别表示第 i 个样本的特征向量,类别标签,和样本的重要程度, $0 \le p_i \le 1$ 。对于 SVM,任意误分样本点  $x_i$  的惩罚用  $p_i$  代替,请在西瓜书  $p_i$  130 页公式 (6.35) 的基础上修改出新的优化问题,并给出对偶问题的推导。
- 2. (20 points) 通常情况下,模型会假设训练样本所有属性变量的值都已被观测到,但现实中往往会存在属性变量不可观测,例如西瓜根蒂脱落了,就无法观测到该属性值,此时问题就变成了有"未观测"变量的情况下,对模型参数进行估计。EM(Expectation-Maximization) 算法为常用的估计参数隐变量的方法。(a) 假设有 3 枚硬币,分别记作 A,B,C。这些硬币正面出现的概率分别是 a,b,c.进行如下投掷实验: 先投掷硬币 A,根据其结果选出硬币 B 或者硬币 C,正面选硬币 B,反面选硬币 C;然后投掷选出的硬币,投掷硬币的结果,出现正面记作 1,出现反面记作 0;独立地重复 n 次实验。假设只能观测到投掷硬币的结果,不能观测投掷硬币的过程。问如何估计三硬币正面出现的概率。请基于 EM 算法思想详细地写出 E 步和 M 步的推导步骤。(b) 经典的聚类算法 K-means 就是 EM 算法的一种特殊形式,K-means 也被称为 hard EM。请使用 EM 算法的思想解释 K-means,并对比 K-means 和 EM 算法的不同之处。

### 解:

1. (a): 常用策略有"欠采样","过采样","阈值移动"等。

"欠采样":指的是,在正反例数量不平衡的情况下,采取减少一些反例的方法来进行平衡,之 后再进行学习

"过采样": 与欠采样不同的是采用增加正例的方式来进行平衡, 之后再进行学习

"阈值移动":假设正例数目为  $n^+$ , 反例数目为  $n^-$ , 分类函数为 y

先让模型基于原数据进行学习,在预测类别的时候基于  $\frac{y}{1-y} \times \frac{n^{-}}{n^{+}} \ge 1$  对样本进行分类

(b): 那么,根据西瓜书 p130 页公式 (6.35) 有优化问题:

$$\min_{w,b} \frac{1}{2} ||w||^2 + \sum_{i=1}^m p_i \xi_i$$

$$s.t. \xi_i \ge 0, i = 1, 2, ..., m$$

$$y_i(w^T x_i + b) \ge 1 - \xi_i$$

对偶问题转化:

$$\begin{split} L(w,b,\alpha,\mu,\xi) &= \frac{1}{2}||w||^2 + \sum_{i=1}^m p_i \xi_i + \sum_{i=1}^m \alpha_i (1 - \xi_i - y_i (w^T x_i + b)) - \sum_{i=1}^m \mu_i \xi_i \\ \frac{\partial L}{\partial w} &= w - \sum_{i=1}^m \alpha_i y_i x_i \\ \frac{\partial L}{\partial b} &= \sum_{i=1}^m \alpha_i y_i \\ \frac{\partial L}{\partial \varepsilon_i} &= p_i - \alpha_i - \mu_i \end{split}$$

今各项偏导为零可知:

$$w = \sum_{i=1}^{m} \alpha_i y_i x_i$$
$$\sum_{i=1}^{m} \alpha_i y_i = 0$$
$$p_i = \alpha_i + \mu_i$$

所以代入后问题转换为

$$\begin{split} L(w,b,\alpha,\mu,\xi) &= \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{m} \alpha_{i} \alpha_{j} y_{i} y_{j} x_{i}^{T} x_{j} + \sum_{i=1}^{m} (\alpha_{i} + \mu_{i}) \xi_{i} + \sum_{i=1}^{m} \alpha_{i} - \sum_{i=1}^{m} \alpha_{i} \xi_{i} - \\ &\sum_{i=1}^{m} \alpha_{i} y_{i} (\sum_{i=1}^{m} \alpha_{i} y_{i} x_{i})^{T} x_{i} + b \sum_{i=1}^{m} \alpha_{i} y_{i} - \sum_{i=1}^{m} \mu_{i} \xi_{i} \\ &= \sum_{i=1}^{m} \alpha_{i} - \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{m} \alpha_{i} \alpha_{j} y_{i} y_{j} x_{i}^{T} x_{j} \end{split}$$

所以对偶问题是:

$$\max_{\alpha} \sum_{i=1}^{m} \alpha_i - \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{m} \alpha_i \alpha_j y_i y_j x_i^T x_j$$

$$s.t. \sum_{i=1}^{m} \alpha_i y_i = 0$$

$$0 \le \alpha_i \le \xi_i$$

2. (a): 把最终的观测结果设为  $y=(y_1,y_2,...,y_n)$ , 中途硬币 A 的投掷结果设为隐变量 z, 构建模型的参数  $\theta=(a,b,c)$ 

对于第 i 次投掷硬币的结果, 可以推出概率表达式:

$$p(y_i|\theta) = \sum_{z} p(z|\theta)p(y_i|\theta, z)$$
  
=  $ab^{y_i}(1-b)^{1-y_i} + (1-a)c^{y_i}(1-c)^{1-y_i}$ 

$$p(y_i, z = 0|\theta) = (1 - a)c^{y_i}(1 - c)^{1 - y_i}$$

$$p(y_i, z = 1|\theta) = ab^{y_i}(1 - b)^{1 - y_i}$$

$$p(z = 0|y_i, \theta) = \frac{p(y_i, z = 0|\theta)}{p(y_i|\theta)} = \frac{(1 - a)c^{y_i}(1 - c)^{1 - y_i}}{ab^{y_i}(1 - b)^{1 - y_i} + (1 - a)c^{y_i}(1 - c)^{1 - y_i}}$$

$$p(z = 1|y_i, \theta) = \frac{p(y_i, z = 1|\theta)}{p(y_i|\theta)} = \frac{ab^{y_i}(1 - b)^{1 - y_i}}{ab^{y_i}(1 - b)^{1 - y_i} + (1 - a)c^{y_i}(1 - c)^{1 - y_i}}$$

为了方便,令

$$p(z = 1|y_i, \theta) = 1 - \gamma_i$$
$$p(z = 0|y_i, \theta) = \gamma_i$$

则 Q 函数可求得:

$$Q(\theta^{(0)}) = \sum_{i=1}^{n} [p(z=0|y_i,\theta) \ln p(y_i,z=0|\theta) + p(z=1|y_i,\theta) \ln p(y_i,z=1|\theta)]$$
$$= \sum_{i=1}^{n} \gamma_i \ln ab^{y_i} (1-b)^{1-y_i} + (1-\gamma_i) \ln (1-a)c^{y_i} (1-c)^{1-y_i}$$

到这里, EM 算法的 E 步求取隐变量的概率分布也就完成了接下来进行 M 步计算:

$$\theta^1 = \arg\max_{\theta} Q(\theta^{(0)})$$

$$\begin{split} \frac{\partial LL(\theta)}{\partial a} &= \sum_{i=1}^{n} \gamma_{i} \frac{b^{y_{i}}(1-b)^{1-y_{i}}}{ab^{y_{i}}(1-b)^{1-y_{i}}} + (1-\gamma_{i}) \frac{-c^{y_{i}}(1-c)^{1-y_{i}}}{(1-a)c^{y_{i}}(1-c)^{1-y_{i}}} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \frac{\gamma_{i}}{a} - \frac{1-\gamma_{i}}{1-a} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \frac{(1-a)(\gamma_{i}) - a(1-\gamma_{i})}{a(1-a)} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \frac{\gamma_{i} - a}{a(1-a)} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \frac{\gamma_{i} - a}{a(1-a)} \\ \frac{\partial LL(\theta)}{\partial b} &= \sum_{i=1}^{n} \gamma_{i} \frac{ay_{i}b^{y_{i}-1}(1-b)^{1-y_{i}} - ab^{y_{i}}(1-y_{i})(1-b)^{-y_{i}}}{ab^{y_{i}}(1-b)^{1-y_{i}}} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \gamma_{i} \frac{ab^{y_{i}}(1-b)^{1-y_{i}} \left[\frac{y_{i}}{b} - \frac{1-y_{i}}{1-b}\right]}{ab^{y_{i}}(1-b)^{1-y_{i}}} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \gamma_{i} \frac{y_{i} - by_{i} - b + by_{i}}{b(1-b)} \\ &= \sum_{i=1}^{n} \gamma_{i} \frac{y_{i} - b}{b(1-b)} \\ \frac{\partial LL(\theta)}{\partial c} &= \sum_{i=1}^{n} (1-\gamma_{i}) \frac{(1-a)[y_{i}c^{y_{i}-1}(1-c)^{1-y_{i}} - c^{y_{i}}(1-y_{i})(1-c)^{-y_{i}}]}{(1-a)c^{y_{i}}(1-c)^{1-y_{i}}} \\ &= \sum_{i=1}^{n} (1-\gamma_{i}) \frac{(1-a)c^{y_{i}}(1-c)^{1-y_{i}} \left[\frac{y_{i}}{c} - \frac{1-y_{i}}{1-c}\right]}{(1-a)c^{y_{i}}(1-c)^{1-y_{i}}} \\ &= \sum_{i=1}^{n} (1-\gamma_{i}) \frac{y_{i} - c}{c(1-c)} \end{split}$$

令各项偏导数为 0 可以求得:

$$\frac{\partial LL(\theta)}{\partial a} = 0$$

$$\sum_{i}^{n} \frac{\gamma_{i}^{(0)}}{a(1-a)} = \sum_{i}^{n} \frac{a}{a(1-a)}$$

$$a^{(1)} = \frac{1}{n} \sum_{i}^{n} \gamma_{i}^{(0)}$$

$$\begin{split} \frac{\partial LL(\theta)}{\partial b} &= 0\\ \sum_{i}^{n} \frac{\gamma_{i}^{(0)} y_{i}}{b(1-b)} &= \sum_{i}^{n} \frac{\gamma_{i}^{(0)} b}{b(1-b)}\\ b^{(1)} &= \frac{\sum_{i}^{n} \gamma_{i}^{(0)} y_{i}}{\sum_{i}^{n} \gamma_{i}^{(0)}} \end{split}$$

$$\begin{split} \frac{\partial LL(\theta)}{\partial c} &= 0\\ \sum_{i}^{n} \frac{(1 - \gamma_{i}^{(0)})y_{i}}{c(1 - c)} &= \sum_{i}^{n} \frac{(1 - \gamma_{i}^{(0)})c}{c(1 - c)}\\ c^{(1)} &= \frac{\sum_{i}^{n} (1 - \gamma_{i}^{(0)})y_{i}}{\sum_{i}^{n} (1 - \gamma_{i}^{(0)})} \end{split}$$

至此,第一轮参数更新就完成了。

按照上述过程继续迭代更新参数直至收敛即可完成 EM 算法的流程。

(b): 对于 K-means 算法而言,其中 EM 算法的 E 步与 K-means 算法中对于每一个点  $x_i$  找到 其最近的聚类中心点  $\mu_{u_i}$  是等价的

EM 算法的 M 步与 K-means 算法中的求新的聚类中心点是等价的

K-means 与 EM 算法的不同在于 K-means 算法的过程是在给每一个 observation 分配一个聚类类别,而 EM 算法的运作过程是在寻找一个聚类类别的似然函数

并且 K-means 对于类别的分类是 hard 的,是一种 0-1 选择,但是 EM 算法得出的是一个概率 分布,举个例子而言就是可能有 0.3 的概率分配给  $C_1$  类,可能有 0.7 的概率分配给  $C_2$  类

## 二. (25 points) 主成分分析

主成分分析 (Principal Component Analysis, PCA) 是一种经典的无监督降维技术,可以有效减少数据维度,避免维度灾难。实际上,涉及 PCA 的算法有非常多,下面的题目将逐步引入更多关于 PCA 的内容。

1. (5+5 points) 关于 PCA,教材中给出了最近重构性和最大可分性两种推导方法,但是该方法将多个主成分在一起推导。实际上,有另外一种 Step-by-step 的推导方法更为具体。假设数据矩阵  $X \in \mathcal{R}^{n \times d}$  包含  $n \cap d$  维度的样本,每个样本记作  $x_i \in \mathcal{R}^d$ 。下面基于 Step-by-step 的最大可分性 进行推导。最大可分性的假设偏好是:样本在低维空间尽可能分散。(a) 假设选取第一个主成分为  $w \in \mathcal{R}^d$ ,需要满足  $\|w\|_2^2 = 1$ ,那么样本投影到该主成分的投影点为  $w^Tx_i$ ,然后我们需要最大化投影点之间的方差,试写出具体的优化目标,并分析其与瑞利商 (Rayleigh quoient) 的关系。可假设数据已经中心化。(b) 在选取第一个主成分 w 之后,需要求解第二个主成分 v,要满足和第一个主

成分向量正交,即  $v^Tw=0$ ,此时可以考虑将样本  $x_i$  分解为两个成分:沿着 w 的向量和垂直于 w 的向量。最后只需要对于垂直的部分选取第二个主成分即可。试给出具体的分解方法以及后续选取第二个主成分的推导过程。

- 2. (5+5 points) 假设 PCA 得到的映射矩阵 (主成分组成的矩阵) 为  $W \in \mathcal{R}^{d \times d'}$ , 那么对数据矩阵  $X \in \mathcal{R}^{n \times d}$  降维的过程是:  $XW \in \mathcal{R}^{n \times d'}$ 。该过程可以看作是神经网络中不带有偏置 (bias) 的一层全连接映射。那么: (a) 基于最近重构性的 PCA 推导方法和 AutoEncoder 有什么关系? 试分析二者的区别和联系 (可以从公式、优化、实验效果等角度进行分析)。(b) 一般地,在深度神经网络中,对于全连接层会加入正则化项,例如二范数正则化  $\|W\|_2^2$ ,在 PCA 中是否可以同样地对 W 施加正则化项呢? 试给出具体的优化目标以及大概如何求解。(可参考 Sparse PCA 相关内容,只需说出求解优化问题的方法,无需给出具体求解算法和过程)。
- 3. (5 points) (任选一题) 上题谈到了 PCA 和深度神经网络,我们知道深度神经网络一般基于梯度自动回传来进行反向传播,其自动梯度计算过程在 PyTorch、Tensorflow 等工具包中已经被实现。试问: (a) 请调研 sklearn 中实现的 SVD 的方法,试比较其提供的 FullSVD、TruncatedSVD、RandomizedSVD 等 SVD 的区别,如果有实验效果对比图 (性能、运行效率)则更佳。(b) 试问在PyTorch 中是否可以对 SVD 进行自动计算梯度,如有,请简单介绍其原理。

### 解:

1. (a): 最大化投影点之间的方差可以得知

$$\max Var(\boldsymbol{w}^Tx_i) = \max \frac{1}{n} \sum_{i=1}^{n} (\boldsymbol{w}^Tx_i - \overline{\boldsymbol{w}^Tx_i})^2$$

因为数据已经中心化,所以  $\overline{{m w}^T x_i} = 0$  所以问题转化为

$$\max_{\substack{||\boldsymbol{w}||_2^2=1}} \frac{1}{n} \sum_{i=1}^n (\boldsymbol{w}^T x_i)^2$$
$$\max_{\substack{||\boldsymbol{w}||_2^2=1}} \boldsymbol{w}^T \boldsymbol{X}^T \boldsymbol{X} \boldsymbol{w}$$

因为  $||\boldsymbol{w}||_2^2 = 1$ ,所以  $\boldsymbol{w}^T \boldsymbol{w} = 1$ 所以上述问题可以等价转换为

$$\max_{||\boldsymbol{w}||_2^2=1} \frac{\boldsymbol{w}^T \boldsymbol{X}^T \boldsymbol{X} \boldsymbol{w}}{\boldsymbol{w}^T \boldsymbol{w}}$$

而优化问题的优化目标就是在优化瑞利商的一个等价形式。 (b): 对于一个样本点  $x_i$ , 可以分解为

$$x_i = \boldsymbol{w}^T x_i \times \boldsymbol{w} + (x_i - \boldsymbol{w}^T x_i \times \boldsymbol{w})$$

容易推导得

$$\boldsymbol{w}^T(x_i - \boldsymbol{w}^T x_i \times \boldsymbol{w}) = \boldsymbol{w}^T x_i - \boldsymbol{w}^T x_i \boldsymbol{w}^T \boldsymbol{w} = 0$$

因此,样本  $x_i$  已经分解为了互相垂直的两个部分 那垂直部分为

$$X' = X - Xww^T$$

那么第二主成分为

$$v = \arg\max \frac{v^T \boldsymbol{X}^T \boldsymbol{X} v}{v^T v}$$

2. (a): 基于最近重构性的 PCA 的优化目的在于使得降维后的样本 x' 与降维前的样本 x 之间的 距离最小化。

从公式上看,最近重构性的 PCA 在优化:

$$\min \sum_{i=1}^{m} ||x' - x||_2^2$$

而 Autoencoder 的过程是将一个样本  $\boldsymbol{X}=(x_1,x_2,...,x_m)$  通过 encoder 转化为  $\boldsymbol{Y}$ , 再通过 decoder 转化为  $\boldsymbol{\mathcal{X}}$ , 其优化目标是让经过 encoder-decoder 作用之后的  $\boldsymbol{\mathcal{X}}$  与原始  $\boldsymbol{X}$  之间的距离 最小化。

从公式上看, Autoencoder 在优化:

$$\min ||\mathcal{X} - \boldsymbol{X}||^2$$

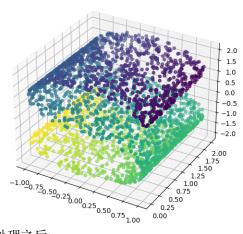
这两个优化问题在本质上其实是等价的。

单单对于降维这个目标来说,可以选择通过 encoder 就完成降维或者通过 encoder-decoder 来完成降维。

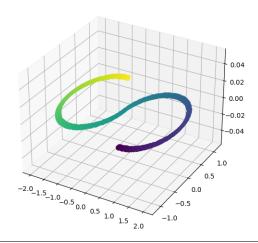
但是区别在于 Autoencoder 最终的降维可以处理非线性的部分,而 PCA 只能进行线性降维,这个特点也会在下面的实验结果中有所体现。

Autoencoder 通过一个单独的 layer 并利用线性的转换函数就可以基本实现 PCA 的效果, 在实验中通过简单的神经网络构建,选择线性函数以及 tanh 函数作为激励函数。

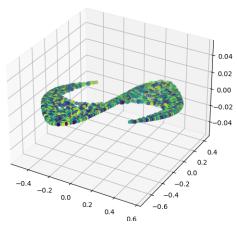
本实验的降维效果基于 S 型数据 (make\_s\_curve): 原图:



PCA 处理之后:



## AutoEncoder 处理之后:



可见 PCA 降维处理之后就是一条曲线,而 AutoEncoder 处理之后就是一个带有曲度的面。 (b): 在 PCA 中也可以对 W 施加正则项。

根据 Sparse Principal Component Analysis 的相关内容可以给出一个具体的优化问题:

$$\hat{\beta} = (1 + \lambda_2) \arg \min_{\beta} |Y - \sum_{j=1}^{p} X_j \beta_j| + \lambda_2 \sum_{j=1}^{p} |\beta_j|^2 + \lambda_1 \sum_{j=1}^{p} |\beta_j|$$

求解这个问题需要用到 Sparse Principal Component Analysis 这篇 paper 中提到的算法:

1):  $\Diamond \alpha$  为样本数据 V 中的前 k 个主成分

2): 对于每一个给定的  $\alpha$ , 将上面已经提及的优化问题等价转化为:

$$\beta_j = \arg\min_{\beta^*} {\beta^*}^T (\boldsymbol{X}^T \boldsymbol{X} + \lambda) \beta^* - 2\alpha_j^T \boldsymbol{X}^T \boldsymbol{X} \beta^* + \lambda_{1,j} |\beta^*|_1$$

3): 对于每一个给定的  $\beta$ , 进行奇异值分解  $X^T X \beta = UDV^T$ , 并更新  $\alpha = UV^T$ 

4): 重复 2-3, 直到 β 收敛

5): 将结果归一化: $\hat{V}_j = \frac{\beta_j}{|\beta_j|}, j = 1, ..., k$ 

至此,上述优化问题就可以得到一个通解。

3. (b): 可以,pytorch 中通过对于参数  $requires\_grad$  的设置就可以设定是否需要自动计算梯度。原理如下:

对于每一个 tensor,都有一个属性 grad\_fn 用以记录在反向传播过程中导数的计算方式,并且有属性.is\_leaf来判定是否作为叶子结点在传播过程中进行更新,并且有一个 next\_function 属性指向下一个运算。

当某个 tensor e 进行相关运算的时候,就会执行 backward(),并且  $requires\_grad = True$  的时候,系统遍历每一个.is\_leaf 为 True 的叶子,按照.grad\_fn 中记录的方法进行更新,并通过 next\_function 属性将结果送入下一层运算。

因此, 当运算结束时, 梯度也进行了自动更新。

## 三. (15 points) 降维与度量学习

降维与度量学习包含多种算法,例如 PCA、NCA、LLE、MDS 等等。接下来的几个题目会拓展大家对这些算法的认知范围。下面三个小题中选做任意两道即可。

1. (5 points) 近邻成分分析 (Neighbourhood Component Anslysis, NCA) 是基于 KNN 分类器的有监督降维算法。其优化目标主要是:  $f=\sum_{i=1}^n p_i=\sum_{i=1}^n \sum_{j\in C_i} p_{ij}$ ,其中  $C_i=\{j|y_j=y_i\}$  表示与第

- i 个样本类别一样的下标集合, $p_{ij} = \frac{\exp\left(-\|Ax_i Ax_j\|_2^2\right)}{\sum_{k \neq i} \exp\left(-\|Ax_i Ax_k\|_2^2\right)}, j \neq i, p_{ii} = 0$  表示将第 i 个数据和其余所有样本的近邻概率分布 (NN 分类过程),距离越近其对应的  $p_{ij}$  越大,f 的目标则是最大化留一验证近邻分类的准确性。 $A \in \mathcal{R}^{d' \times d}$  是待优化的映射矩阵。试推导其梯度  $\frac{\partial f}{\partial A}$ 。
- 2. (5 points) 在自然语言处理领域,潜在语义分析 (Latent Semantic Analysis, LSA) 可以从文档-词矩阵中学习到文档表示、词表示,本质上也是对矩阵进行分解,试查阅相关资料,描述其具体步骤。并简述其与 PCA 的区别。
- 3. (5 points) 根据局部线性嵌入 (Locally Linear Embedding, LLE) 的算法流程,尝试编写 LLE 代码,可以基于 sklearn 实现,并在简单数据集 ("S"型构造数据或 Mnist 等)上进行实验,展示实验结果。

#### 解:

1. 为方便书写,令  $\gamma_{ij} = \exp(-||Ax_i - Ax_i||_2^2)$ 

$$\frac{\partial f}{\partial A} = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j \in C_i} \frac{\partial p_{ij}}{\partial A} = \frac{1}{(\sum_{k \neq i} \gamma_{ik})^2} \left[ \frac{\partial \gamma_{ij}}{\partial A} \sum_{k \neq i} \gamma_{ik} - \gamma_{ij} \sum_{k \neq i} \frac{\partial \gamma_{ik}}{\partial A} \right]$$

$$\frac{\partial \gamma_{ij}}{\partial A} = -2A\gamma_{ij}(x_i - x_j)(x_i - x_j)^T$$

代入之后有

$$\frac{\partial f}{\partial A} = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j \in C_{i}} \frac{1}{(\sum_{k \neq i} \gamma_{ik})^{2}} \left[ -2A\gamma_{ij}(x_{i} - x_{j})(x_{i} - x_{j})^{T} \sum_{k \neq i} \gamma_{ik} + \gamma_{ij} \sum_{k \neq i} 2A\gamma_{ik}(x_{i} - x_{k})(x_{i} - x_{k})^{T} \right] 
= \sum_{i=1}^{n} \sum_{j \in C_{i}} \left[ \frac{-2A\gamma_{ik}(x_{i} - x_{j})(x_{i} - x_{j})^{T}}{\sum_{k \neq i} \gamma_{ij}} + \frac{2A\gamma_{ij} \sum_{k \neq i} (x_{i} - x_{j})(x_{i} - x_{j})^{T}}{\sum_{k \neq i} \gamma_{ik}} \right] 
= \sum_{i=1}^{n} \sum_{j \in C_{i}} \left[ -2Ap_{ij}(x_{i} - x_{j})(x_{i} - x_{j})^{T} \gamma_{ij} + 2p_{ij}A(\sum_{k \neq i} p_{ik}(x_{i} - x_{k})(x_{i} - x_{k})^{T}) \right] 
= -2A\sum_{i=1}^{n} \sum_{j \in C_{i}} p_{ij} \left[ (x_{i} - x_{j})(x_{i} - x_{j})^{T} - \sum_{k \neq i} p_{ik}(x_{i} - x_{k})(x_{i} - x_{k})^{T} \right]$$

- 2. 具体步骤:
  - (1): 首先, LSA 需要对文档进行分析,构建一个 document-term matrix,用来表述 terms 的出现频率。
  - (2): 其次, LSA 希望找到一个 document-term matrix 的低阶近似来减少计算开销、消除部分噪音、减少一些稀疏性。这一步会将部分表达意思相近的 dimensions 的信息进行组合表示。
  - (3): 带着这个目的, LSA 会对于这个 document-term matrix 进行建模, 用数来表示频率信息, 进行奇异值分解, 并进行降维操作, 完成低阶近似。
  - (4): 对于低阶近似后的结果进行一系列的 query、compare,构建一个潜在语义空间,对于每一个 query,比较原文与结果所传达出的语义信息。 区别:
  - (1)LSA 是一种明确指定的分析、还原文本的方式、PCA 是一种通用的文本分析方式。
  - (2) 在 LSA 中,上下文主要通过 document-term matrix 的数字形式传达信息,PCA 主要是通过协方差矩阵传达信息。这也表示 LSA 在寻找一个最佳的线性子空间,而 PCA 在寻找一个并行的线性子空间。
- 3. 考虑选用 S 型构造数据作为 dataset, 基于 sklearn 实现 lle。 调用 S 型构造数据需要执行:

 ${\bf from} \ \ {\bf sklearn.datasets} \ \ {\bf import} \ \ {\bf make\_s\_curve}$ 

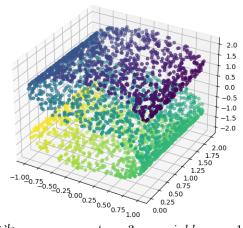
lle 方法需要调用 sklearn 自带的方法:

from sklearn.manifold import LocallyLinearEmbedding

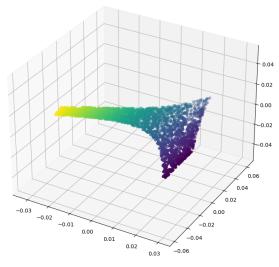
对于 make\_s\_curve 的参数设置如下,并不再进行改变:

make\_s\_curve(n\_samples=3000 ,random\_state=2021)

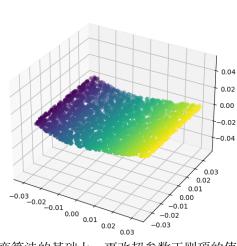
先行展示原始三维数据的图形:



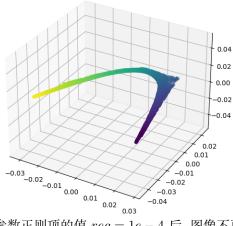
在参数为  $n\_components = 3, n\_neighbors = 10, random\_state = 2021$  的 LLE 处理之后的 图形为:



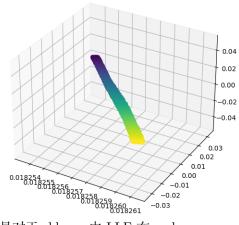
可以发现降维去除了横向的一维数据。 在换用了 the modified locally linear embedding algorithm 后,图像发生了明显的平面化:



在不改变算法的基础上,更改超参数正则项的值 reg = 1e-2 后,图像也发生了明显的聚集化:



更改超参数正则项的值 reg = 1e - 4 后,图像不再呈现镰刀状



以上就是对于 sklearn 中 LLE 在 make\_s\_curve 数据集的简单结果展示。

四. (15 points) 特征选择基础

Relief 算法中、已知二分类问题的相关统计量计算公式如下:

$$\delta^{j} = \sum_{i} -\operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, nh}^{j}\right)^{2} + \operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, nm}^{j}\right)^{2} \tag{1}$$

多分类的 Relief-F 算法的相关统计量计算公式如下:

$$\delta^{j} = \sum_{i} -\operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, \text{nh}}^{j}\right)^{2} + \sum_{l \neq k} \left(p_{l} \times \operatorname{diff}\left(x_{i}^{j}, x_{i, l, \text{nm}}^{j}\right)^{2}\right)$$
(2)

其中  $p_l$  为第 l 类样本在数据集 D 中所占的比例。然而仔细观察可发现,二分类问题中计算公式的后一项  $\operatorname{diff}\left(x_i^j, x_{i,\mathrm{nm}}^j\right)^2$  的系数为 1,多分类问题中后一项系数求和小于 1,即  $\sum_{l\neq k} p_l = 1 - p_k < 1$ 。基于这个发现,请给出一种 Relief-F 算法的修正方案。

### 解:

一种朴素的修正方法就是在计算比例时去除第 k 类的影响:

$$p_l' = \frac{p_l}{1 - p_k}, l \neq k$$

将修正后的  $p_1'$  代入到原式当中,可以保证:

$$\sum_{l \neq k} p'_l = \frac{\sum_{l \neq k} p_l}{1 - p_k} = 1$$

此时的  $p_l'$  仍然可以起到指示第 l 类样本的猜错近邻在 j 属性上的作用大小与其他所有可能猜错的类中的比例。

对修改后的  $p_l' \times \mathrm{diff}\left(x_i^j, x_{i,l,\mathrm{nm}}^j\right)^2$  进行求和后,可以在保持系数为 1 的情况下,反映第 k 类样本以外的样本的估计平均。

### 五. (15 points) 特征选择拓展

本题借助强化学习背景,主要探讨嵌入式选择在强化学习中的应用。强化学习可以看作一种最大化奖励(也就是目标)的机器学习方法,目的是学习到一个策略,使得执行这个策略获得的奖励值最大。基于TRPO(一种强化学习方法)的近似方法的近似问题如下

$$\max_{\theta} \quad \left(\nabla L_{\theta_{\text{old}}}(\theta)\right)^{T} \left(\theta - \theta_{\text{old}}\right) \\ \text{s.t.} \quad \frac{1}{2} \left(\theta - \theta_{\text{old}}\right)^{T} H \left(\theta - \theta_{\text{old}}\right) \leq \delta$$
 (3)

这里采用了参数化表示方法,其中  $\theta$  表示新策略, $\theta_{\rm old}$  表示旧策略,方法需要通过策略的目标函数  $L_{\theta_{\rm old}}$  来更新旧策略,最终目标是学习到最大化目标函数的新策略。这里要最大化的表达式可以对应理解为最小化损失函数,即类似于课本 252 页式 (11.5)。

如果将目标 L 分解为很多个子目标,即  $L = [L_1, L_2, ..., L_n]^T$ ,每个目标对应相应的权重  $w = [w_1, w_2, ..., w_n]^T$ ,新方法 (称为 ASR 方法) 的优化目标如下

$$\max_{w} \max_{\theta} \left( \nabla \left( L^{T} w \right) \right)^{T} (\theta - \theta_{\text{old}})$$
s.t. 
$$\frac{1}{2} (\theta - \theta_{\text{old}})^{T} H (\theta - \theta_{\text{old}}) \leq \delta$$

$$\|w\|_{1} = 1$$

$$w_{i} > 0, \quad i = 1, 2, \dots, n$$

$$(4)$$

问:

- 1. (10 points) 尝试分析 ASR 方法中加入 w 的 L1 范数约束的现实意义。(提示: 不同目标对应的参数  $w_i$  是需要学习的参数。原目标 L 现由多个子目标组成,每个子目标的质量良莠不齐)
- 2. (5 points) 在 ASR 方法基础上提出的 BiPaRS 方法解除了 w 的 L1 范数这一限制,使得更多样 w 可以出现、更多种 L 可以被使用。结合这一点,论述特征选择需要注意的事项。

### 解:

1. (i): 如果没有 w 的 L1 范数约束,单单只有  $w_i \ge 0$  的约束。

那么对于不同的目标的学习参数  $w_i$  与  $w_j$  之间可能出现数值差距过大的情况,不妨假设  $w_i >> w_j$ , 这将使得模型十分注重目标  $L_i$  的实现情况而极大忽略目标  $L_j$  的实现情况。 在训练过程中,我们并不知道目标  $L_i$  与目标  $L_j$  的质量如何,如果目标  $L_i$  实际上对于整个模型的学习并没有什么好处但是权值却很大,需要经过大量的学习过程去修正,增加计算开销。并且这种侧重性可能只是某些训练数据的一个特点,不具有泛化性,这会不可避免地使得模型走向过拟合。

通过引入 w 的 L1 范数约束,保证每一个  $w_i$  所起到的作用有限、可控,减少过拟合的可能性。(ii): 另外一方面,引入 L1 范数约束,使得不同目标的权重之和为 1, 也增强了模型的可解释性。对于不同的子目标,我们可以清楚地知道,学习的过程就是在优化、调整不同子目标对于整个目标的重要程度。

(iii):L1 范数约束会增强稀疏性但又不至于过度稀疏,使得部分的正向子目标的重要性得以有效体现,实现自动选择。

2. (i) ASR 方法中加入 w 的 L1 范数约束,但是在 BiPaRS 方法中又取消了 w 的 L1 范数约束,而不同的特征选择可以训练出不同的模型应用于不同的问题。就像 BiPaRS 方法与 ASR 方法相比,对于不同的子目标就具有更强的包容性,优化目标的多样性也得以提升。由此可见,对于不同的任务,需要进行灵活的特征选择策略的调整。针对不同问题,进行不同的特征选取策略的选取来使得学习效果更佳。